

Table S2. The genes whose expression levels are significantly correlated with CD8+ T cell enrichment levels, immune cytolytic activity, and PD-L1 expression levels in TCGA- and ACRG-GC cohorts.

Red color indicates a positive correlation and blue color a negative correlation.

PCC: Pearson correlation coefficient.

They also apply to following Tables.

CD8+ T cell				
TCGA				Common
Gene symbol	<i>p</i> -value	PCC	FDR	Gene symbol
<i>CCL5</i>	9.29E-165	0.915	1.14E-160	<i>CCL5</i>
<i>KLRK1</i>	1.05E-160	0.911	1.08E-156	<i>KLRK1</i>
<i>NKG7</i>	9.26E-158	0.908	8.14E-154	<i>THEMIS</i>
<i>GZMH</i>	4.85E-153	0.902	3.73E-149	<i>GZMH</i>
<i>SLA2</i>	9.54E-152	0.901	6.53E-148	<i>CRTAM</i>
<i>SH2D1A</i>	5.83E-139	0.885	3.26E-135	<i>CD2</i>
<i>CRTAM</i>	6.23E-133	0.876	2.95E-129	<i>NKG7</i>
<i>CD96</i>	1.37E-132	0.876	6.03E-129	<i>ITK</i>
<i>TBX21</i>	2.50E-132	0.875	1.03E-128	<i>CD96</i>
<i>THEMIS</i>	3.31E-132	0.875	1.28E-128	<i>GPR171</i>
<i>CCR5</i>	1.61E-128	0.869	5.23E-125	<i>CCR5</i>
<i>CD2</i>	7.22E-124	0.862	2.12E-120	<i>NLRC3</i>
<i>CD3E</i>	1.67E-118	0.853	4.12E-115	<i>CD3D</i>
<i>TIGIT</i>	2.30E-117	0.851	5.46E-114	<i>PYHIN1</i>
<i>GZMK</i>	4.22E-115	0.846	8.66E-112	<i>TIGIT</i>
<i>IL2RB</i>	1.37E-114	0.845	2.64E-111	<i>TRAT1</i>
<i>CXCR6</i>	8.02E-114	0.844	1.50E-110	<i>SH2D1A</i>
<i>GZMM</i>	2.32E-113	0.843	4.08E-110	<i>IL2RB</i>
<i>PYHIN1</i>	4.14E-113	0.843	6.89E-110	<i>CD3G</i>
<i>SIRPG</i>	2.27E-110	0.837	3.59E-107	<i>GZMA</i>
<i>CD3G</i>	4.86E-109	0.835	7.48E-106	<i>GZMK</i>
<i>TRAT1</i>	3.38E-108	0.833	5.08E-105	<i>CXCR6</i>
<i>GPR171</i>	9.67E-108	0.832	1.42E-104	<i>APOBEC3G</i>
<i>CD3D</i>	2.62E-107	0.831	3.76E-104	<i>ITGAL</i>
<i>FCRL6</i>	1.42E-106	0.830	1.98E-103	<i>CD247</i>
<i>PRF1</i>	2.70E-105	0.827	3.54E-102	<i>EOMES</i>
<i>FASLG</i>	4.65E-105	0.826	5.97E-102	<i>CD52</i>
<i>ITK</i>	6.88E-104	0.824	8.64E-101	<i>TBC1D10C</i>
<i>APOBEC3G</i>	1.28E-101	0.819	1.52E-98	<i>IKZF1</i>
<i>UBASH3A</i>	2.72E-100	0.816	3.04E-97	<i>PTPRCAP</i>
<i>ITGAL</i>	8.23E-100	0.815	9.05E-97	<i>SP140</i>
<i>GRAP2</i>	1.50E-99	0.814	1.60E-96	<i>PRF1</i>
<i>SPN</i>	1.35E-98	0.812	1.41E-95	<i>GVINP1</i>
<i>JAKMIP1</i>	1.60E-98	0.812	1.64E-95	<i>FASLG</i>
<i>TBC1D10C</i>	7.53E-97	0.808	7.36E-94	<i>GIMAP5</i>
<i>CD6</i>	1.86E-96	0.807	1.79E-93	<i>GIMAP4</i>
<i>CD247</i>	2.70E-96	0.806	2.56E-93	<i>TBX21</i>
<i>ARHGAP9</i>	1.30E-95	0.805	1.22E-92	<i>TRIM22</i>
<i>LAG3</i>	3.92E-95	0.804	3.55E-92	<i>HCST</i>

<i>TRAF3IP3</i>	3.10E-93	0.799	2.73E-90	<i>JAKMIP1</i>
<i>APOBEC3H</i>	3.71E-92	0.796	3.13E-89	<i>IL10RA</i>
<i>GZMA</i>	6.54E-92	0.796	5.44E-89	<i>SIT1</i>
<i>SIT1</i>	7.87E-92	0.795	6.46E-89	<i>MAP4K1</i>
<i>GBP5</i>	1.08E-91	0.795	8.76E-89	<i>C1QA</i>
<i>ACAPI</i>	3.77E-91	0.794	3.02E-88	<i>TNFSF13B</i>
<i>SLAMF6</i>	1.03E-90	0.792	8.14E-88	<i>SASH3</i>
<i>ZAP70</i>	1.90E-90	0.792	1.45E-87	<i>PTPRC</i>
<i>GPR174</i>	1.72E-89	0.789	1.30E-86	<i>APOL3</i>
<i>PTPRCAP</i>	2.14E-89	0.789	1.59E-86	<i>TRAF3IP3</i>
<i>PDCD1</i>	9.36E-89	0.787	6.86E-86	<i>FYB</i>
<i>MAP4K1</i>	1.94E-88	0.786	1.41E-85	<i>SIRPG</i>
<i>FYB</i>	2.40E-88	0.786	1.72E-85	<i>UBASH3A</i>
<i>ZNF683</i>	7.53E-88	0.785	5.33E-85	<i>CORO1A</i>
<i>NLRC3</i>	2.69E-87	0.783	1.84E-84	<i>IL21R</i>
<i>IL12RB1</i>	3.74E-87	0.783	2.53E-84	<i>CD226</i>
<i>EOMES</i>	1.13E-86	0.782	7.55E-84	<i>GBP5</i>
<i>P2RY10</i>	2.40E-86	0.781	1.59E-83	<i>CXCL9</i>
<i>CD48</i>	8.23E-84	0.773	5.28E-81	<i>CECR1</i>
<i>GIMAP5</i>	2.31E-83	0.772	1.47E-80	<i>GIMAP7</i>
<i>XCL2</i>	3.47E-82	0.769	2.16E-79	<i>LAG3</i>
<i>RASAL3</i>	2.22E-81	0.766	1.37E-78	<i>CD27</i>
<i>CD27</i>	4.49E-81	0.765	2.74E-78	<i>ARHGAP25</i>
<i>PLA2G2D</i>	1.56E-80	0.764	9.30E-78	<i>GBP4</i>
<i>CXCR3</i>	1.69E-80	0.764	9.99E-78	<i>IL18BP</i>
<i>LY9</i>	1.20E-79	0.761	6.82E-77	<i>CD48</i>
<i>HCST</i>	2.98E-79	0.760	1.65E-76	<i>SLAMF7</i>
<i>1-Sep</i>	6.61E-79	0.759	3.60E-76	<i>EVI2B</i>
<i>PSTPIP1</i>	2.32E-78	0.757	1.24E-75	<i>SLA2</i>
<i>DOK2</i>	3.58E-78	0.756	1.90E-75	<i>BTLA</i>
<i>IL21R</i>	6.61E-78	0.756	3.48E-75	<i>CXCL13</i>
<i>SASH3</i>	2.43E-77	0.754	1.26E-74	<i>KLRD1</i>
<i>BIN2</i>	3.02E-77	0.754	1.55E-74	<i>BIN2</i>
<i>CD244</i>	4.52E-77	0.753	2.30E-74	<i>EVI2A</i>
<i>PTPRC</i>	1.44E-76	0.751	7.21E-74	<i>P2RY10</i>
<i>IKZF1</i>	1.18E-75	0.748	5.79E-73	<i>STAT4</i>
<i>CD52</i>	1.39E-75	0.748	6.73E-73	<i>ARHGAP9</i>
<i>GIMAP4</i>	1.76E-75	0.748	8.47E-73	<i>PIGT</i>
<i>ZNF831</i>	1.90E-75	0.748	9.06E-73	<i>HSD17B7</i>
<i>GBP4</i>	2.03E-75	0.748	9.61E-73	<i>MRGBP</i>
<i>APOL3</i>	2.18E-75	0.748	1.03E-72	<i>TRAF4</i>
<i>ABCD2</i>	4.35E-75	0.747	2.02E-72	<i>SLC25A33</i>
<i>STAT4</i>	8.68E-75	0.746	3.99E-72	<i>GFPT1</i>
<i>IL10RA</i>	2.21E-74	0.744	9.94E-72	<i>ARHGAP5-AS1</i>
<i>CXCL9</i>	2.46E-74	0.744	1.10E-71	<i>TEX261</i>
<i>EVI2B</i>	2.49E-74	0.744	1.10E-71	<i>CLCN2</i>
<i>IL18BP</i>	4.10E-74	0.743	1.80E-71	<i>C14orf1</i>
<i>TNFSF13B</i>	1.49E-73	0.741	6.52E-71	<i>NELFCD</i>
<i>ARHGAP30</i>	2.30E-73	0.741	9.86E-71	<i>GUCY2C</i>
<i>ARHGAP25</i>	7.49E-73	0.739	3.10E-70	<i>WNK2</i>
<i>CST7</i>	2.76E-72	0.737	1.12E-69	<i>AIFM3</i>
<i>CD8B</i>	5.36E-72	0.736	2.16E-69	<i>ID1</i>
<i>SLAMF7</i>	6.93E-71	0.732	2.72E-68	<i>HSD17B12</i>
<i>GVINP1</i>	1.47E-70	0.731	5.74E-68	<i>MLXIPL</i>
<i>MYO1G</i>	3.82E-70	0.730	1.47E-67	<i>LAPTM4B</i>
<i>WAS</i>	4.43E-70	0.729	1.69E-67	<i>XPO5</i>

<i>CIQA</i>	7.05E-70	0.729	2.66E-67	<i>SLMO2</i>
<i>DTHD1</i>	8.30E-70	0.728	3.12E-67	<i>CMTM4</i>
<i>SLFN12L</i>	2.55E-69	0.727	9.37E-67	<i>GTF2IRD1</i>
<i>STX11</i>	3.19E-69	0.726	1.16E-66	<i>SUN1</i>
<i>CORO1A</i>	7.89E-69	0.725	2.86E-66	<i>DCUNID2</i>
<i>LINC00426</i>	2.67E-68	0.723	9.49E-66	<i>RAE1</i>
<i>LTA</i>	7.57E-68	0.721	2.63E-65	<i>PCYT2</i>
<i>NCF1</i>	8.64E-68	0.721	2.99E-65	<i>NOL4L</i>
<i>CD226</i>	2.20E-67	0.720	7.47E-65	<i>NANP</i>
<i>CD4</i>	3.05E-67	0.719	1.03E-64	<i>P3H4</i>
<i>CTSW</i>	3.16E-67	0.719	1.06E-64	<i>TBRG4</i>
<i>GBP1P1</i>	3.47E-67	0.719	1.16E-64	<i>PGAP3</i>
<i>EVI2A</i>	3.70E-67	0.719	1.23E-64	<i>CLDN12</i>
<i>SPI40</i>	5.24E-67	0.718	1.72E-64	<i>LNX2</i>
<i>CECR1</i>	8.13E-67	0.717	2.65E-64	<i>PLA2G4F</i>
<i>TRIM22</i>	9.47E-67	0.717	3.05E-64	<i>RHPNI-AS1</i>
<i>MYO1F</i>	1.54E-66	0.716	4.95E-64	<i>MAP3K9</i>
<i>KLRD1</i>	2.71E-66	0.715	8.55E-64	<i>NOL10</i>
<i>BTLA</i>	3.52E-66	0.715	1.11E-63	<i>SS18L1</i>
<i>LSP1</i>	6.59E-66	0.714	2.04E-63	<i>PAK6</i>
<i>SNX20</i>	1.11E-65	0.713	3.42E-63	<i>FARSB</i>
<i>RHOH</i>	1.19E-65	0.713	3.63E-63	<i>MFSD2A</i>
<i>CXCL13</i>	2.33E-65	0.712	7.09E-63	<i>CAMK2N1</i>
<i>ICOS</i>	6.05E-65	0.710	1.82E-62	<i>RNF183</i>
<i>SCIMP</i>	1.03E-64	0.709	3.06E-62	<i>ACACA</i>
<i>LAX1</i>	1.30E-64	0.709	3.84E-62	<i>GRB7</i>
<i>TESPA1</i>	4.94E-64	0.707	1.42E-61	<i>HOXA10</i>
<i>PIK3CD</i>	8.56E-64	0.706	2.44E-61	<i>RAP1GAP</i>
<i>IL9R</i>	9.00E-64	0.706	2.55E-61	<i>STK35</i>
<i>CD53</i>	1.23E-63	0.705	3.46E-61	<i>TMEM184A</i>
<i>SLA</i>	1.30E-63	0.705	3.63E-61	<i>RAPGEFL1</i>
<i>TIFAB</i>	2.32E-63	0.704	6.39E-61	<i>GOLT1A</i>
<i>TAGAP</i>	2.47E-63	0.704	6.75E-61	<i>NEK3</i>
<i>ARHGAP15</i>	2.60E-63	0.704	7.10E-61	<i>CYP51A1</i>
<i>LCPI</i>	2.64E-63	0.704	7.16E-61	<i>GID8</i>
<i>GZMB</i>	2.74E-63	0.704	7.40E-61	<i>DARS2</i>
<i>LPXN</i>	4.80E-63	0.703	1.28E-60	<i>TMEM74B</i>
<i>CD38</i>	5.88E-63	0.702	1.56E-60	<i>PPP1R14C</i>
<i>GIMAP7</i>	1.48E-62	0.701	3.87E-60	<i>BMP7</i>
<i>HCLS1</i>	2.08E-62	0.700	5.40E-60	<i>STX3</i>
<i>PTPN7</i>	2.11E-62	0.700	5.47E-60	<i>GPRC5C</i>
<i>PIGT</i>	4.42E-10	-0.300	6.93E-09	<i>TMEM189</i>
<i>GALE</i>	4.40E-10	-0.300	6.91E-09	<i>VAPB</i>
<i>ZBTB7B</i>	4.10E-10	-0.301	6.46E-09	<i>TMEM117</i>
<i>FAM83A</i>	4.05E-10	-0.301	6.39E-09	<i>ATP6V1C2</i>
<i>PPARGC1A</i>	3.79E-10	-0.301	6.00E-09	<i>EPB41L4B</i>
<i>C1orf109</i>	3.70E-10	-0.301	5.87E-09	<i>MSMO1</i>
<i>HSD17B7</i>	3.69E-10	-0.301	5.86E-09	<i>PNMT</i>
<i>MRGBP</i>	3.65E-10	-0.301	5.80E-09	<i>ICA1</i>
<i>TRAF4</i>	3.64E-10	-0.301	5.78E-09	<i>ZDHHC9</i>
<i>ARHGAP32</i>	3.61E-10	-0.302	5.74E-09	<i>MLLT4</i>
<i>CCNE1</i>	3.56E-10	-0.302	5.67E-09	<i>RMND5A</i>
<i>SLC25A33</i>	3.48E-10	-0.302	5.55E-09	<i>ABCB6</i>
<i>RXFP4</i>	3.39E-10	-0.302	5.42E-09	<i>ETV4</i>
<i>GFPT1</i>	3.33E-10	-0.302	5.33E-09	<i>CLDN3</i>
<i>TRIP13</i>	3.30E-10	-0.302	5.28E-09	<i>DHCR7</i>

<i>CDC42BPG</i>	3.27E-10	-0.302	5.24E-09	<i>SYT7</i>
<i>ARHGAP5-AS1</i>	3.26E-10	-0.302	5.22E-09	<i>FIIR</i>
<i>TEX261</i>	3.22E-10	-0.302	5.16E-09	<i>MLLT4-AS1</i>
<i>PAPOLA</i>	3.18E-10	-0.302	5.10E-09	<i>EFNA1</i>
<i>CLCN2</i>	3.12E-10	-0.303	5.02E-09	<i>RCOR2</i>
<i>Clorf1</i>	3.11E-10	-0.303	5.01E-09	<i>STX1A</i>
<i>NELFCD</i>	3.11E-10	-0.303	5.01E-09	<i>KCTD3</i>
<i>SUCO</i>	3.09E-10	-0.303	4.99E-09	<i>SQLE</i>
<i>GUCY2C</i>	2.97E-10	-0.303	4.79E-09	
<i>SUCLA2</i>	2.91E-10	-0.303	4.70E-09	
<i>DNAJA4</i>	2.86E-10	-0.303	4.63E-09	
<i>FASN</i>	2.78E-10	-0.303	4.50E-09	
<i>WNK2</i>	2.67E-10	-0.304	4.35E-09	
<i>AIFM3</i>	2.64E-10	-0.304	4.29E-09	
<i>CCDC24</i>	2.42E-10	-0.304	3.95E-09	
<i>ADPRHL1</i>	2.36E-10	-0.305	3.87E-09	
<i>MSL1</i>	2.29E-10	-0.305	3.76E-09	
<i>KIF21A</i>	2.19E-10	-0.305	3.61E-09	
<i>LINC00479</i>	2.19E-10	-0.305	3.61E-09	
<i>FUT6</i>	2.04E-10	-0.306	3.38E-09	
<i>HSP90AB1</i>	2.00E-10	-0.306	3.32E-09	
<i>CKMT1B</i>	1.87E-10	-0.306	3.11E-09	
<i>GGH</i>	1.86E-10	-0.306	3.09E-09	
<i>TOP2A</i>	1.83E-10	-0.306	3.05E-09	
<i>ID1</i>	1.44E-10	-0.308	2.43E-09	
<i>SERINC2</i>	1.41E-10	-0.308	2.39E-09	
<i>HSD17B12</i>	1.41E-10	-0.308	2.38E-09	
<i>Clorf43</i>	1.25E-10	-0.309	2.13E-09	
<i>FAM131C</i>	1.09E-10	-0.310	1.87E-09	
<i>MLXIPL</i>	1.07E-10	-0.310	1.84E-09	
<i>LAPTM4B</i>	1.07E-10	-0.310	1.83E-09	
<i>SCNN1A</i>	9.83E-11	-0.311	1.69E-09	
<i>GGT3P</i>	9.66E-11	-0.311	1.66E-09	
<i>XPO5</i>	9.65E-11	-0.311	1.66E-09	
<i>SLMO2</i>	9.60E-11	-0.311	1.66E-09	
<i>AK7</i>	9.16E-11	-0.311	1.58E-09	
<i>PEX7</i>	7.54E-11	-0.312	1.31E-09	
<i>CMTM4</i>	7.16E-11	-0.313	1.25E-09	
<i>UGGT2</i>	6.91E-11	-0.313	1.21E-09	
<i>ALG5</i>	6.89E-11	-0.313	1.21E-09	
<i>GTF2IRD1</i>	6.58E-11	-0.313	1.16E-09	
<i>SUN1</i>	6.28E-11	-0.314	1.11E-09	
<i>DCUNID2</i>	6.27E-11	-0.314	1.10E-09	
<i>RAE1</i>	5.94E-11	-0.314	1.05E-09	
<i>PCYT2</i>	5.36E-11	-0.315	9.55E-10	
<i>NOL4L</i>	5.03E-11	-0.315	8.99E-10	
<i>NANP</i>	4.56E-11	-0.316	8.18E-10	
<i>P3H4</i>	4.14E-11	-0.317	7.48E-10	
<i>TBRG4</i>	3.84E-11	-0.317	6.97E-10	
<i>VIPR1</i>	3.81E-11	-0.317	6.92E-10	
<i>PGAP3</i>	3.38E-11	-0.318	6.18E-10	
<i>TMTC4</i>	3.10E-11	-0.318	5.67E-10	
<i>JUP</i>	2.69E-11	-0.319	4.96E-10	
<i>CLDN12</i>	2.47E-11	-0.320	4.58E-10	
<i>PRPF40B</i>	2.40E-11	-0.320	4.46E-10	
<i>LNX2</i>	2.32E-11	-0.320	4.33E-10	

<i>TBCE</i>	2.29E-11	-0.320	4.27E-10
<i>PLA2G4F</i>	2.25E-11	-0.321	4.21E-10
<i>RHPN1-AS1</i>	2.03E-11	-0.321	3.82E-10
<i>MAP3K9</i>	1.73E-11	-0.322	3.28E-10
<i>NOL10</i>	1.49E-11	-0.323	2.84E-10
<i>SS18L1</i>	1.37E-11	-0.324	2.62E-10
<i>PAK6</i>	1.29E-11	-0.324	2.47E-10
<i>FARSB</i>	1.27E-11	-0.324	2.44E-10
<i>TMEM241</i>	1.14E-11	-0.325	2.20E-10
<i>Clorf27</i>	1.07E-11	-0.325	2.07E-10
<i>MFSD2A</i>	1.06E-11	-0.326	2.05E-10
<i>ANKRD46</i>	8.60E-12	-0.327	1.68E-10
<i>CAMK2N1</i>	8.20E-12	-0.327	1.61E-10
<i>RNF183</i>	6.64E-12	-0.329	1.32E-10
<i>MTRF1</i>	5.32E-12	-0.330	1.07E-10
<i>ACACA</i>	4.93E-12	-0.331	9.96E-11
<i>GRB7</i>	4.78E-12	-0.331	9.68E-11
<i>TAF2</i>	3.85E-12	-0.332	7.87E-11
<i>HOXA10</i>	3.50E-12	-0.333	7.18E-11
<i>NDFIP2</i>	3.33E-12	-0.333	6.85E-11
<i>RAP1GAP</i>	2.77E-12	-0.334	5.72E-11
<i>STK35</i>	2.59E-12	-0.335	5.36E-11
<i>DCAF13</i>	2.17E-12	-0.336	4.53E-11
<i>TMEM184A</i>	2.07E-12	-0.336	4.34E-11
<i>RAPGEFL1</i>	2.00E-12	-0.336	4.20E-11
<i>MAPK6</i>	1.84E-12	-0.337	3.89E-11
<i>GOLT1A</i>	1.82E-12	-0.337	3.86E-11
<i>LINC00482</i>	1.82E-12	-0.337	3.85E-11
<i>OTUB2</i>	1.63E-12	-0.338	3.47E-11
<i>NEK3</i>	1.44E-12	-0.338	3.08E-11
<i>SLC26A6</i>	1.21E-12	-0.339	2.59E-11
<i>CYP51A1</i>	1.20E-12	-0.339	2.58E-11
<i>GID8</i>	1.12E-12	-0.340	2.41E-11
<i>DARS2</i>	1.11E-12	-0.340	2.39E-11
<i>TMEM74B</i>	1.02E-12	-0.340	2.21E-11
<i>PPP1R14C</i>	9.30E-13	-0.341	2.02E-11
<i>BMP7</i>	7.98E-13	-0.342	1.74E-11
<i>STX3</i>	3.13E-13	-0.348	7.09E-12
<i>GPRC5C</i>	2.88E-13	-0.348	6.52E-12
<i>TMEM189</i>	2.83E-13	-0.348	6.41E-12
<i>VAPB</i>	2.72E-13	-0.348	6.18E-12
<i>TMEM117</i>	2.13E-13	-0.350	4.87E-12
<i>TTL2</i>	1.91E-13	-0.351	4.39E-12
<i>ATP6V1C2</i>	1.69E-13	-0.351	3.90E-12
<i>SC5D</i>	1.30E-13	-0.353	3.02E-12
<i>EPB41L4B</i>	1.19E-13	-0.353	2.78E-12
<i>MSMO1</i>	1.18E-13	-0.353	2.76E-12
<i>TMEM181</i>	1.14E-13	-0.354	2.66E-12
<i>ADGRG1</i>	1.11E-13	-0.354	2.60E-12
<i>PNMT</i>	1.02E-13	-0.354	2.40E-12
<i>ICA1</i>	8.16E-14	-0.356	1.93E-12
<i>ZDHHC9</i>	4.96E-14	-0.358	1.20E-12
<i>CUL4A</i>	4.77E-14	-0.359	1.15E-12
<i>MLLT4</i>	2.85E-14	-0.362	7.00E-13
<i>COG3</i>	2.36E-14	-0.363	5.83E-13
<i>RMND5A</i>	2.11E-14	-0.363	5.24E-13

<i>HMGCS1</i>	1.21E-14	-0.367	3.05E-13
<i>TNFRSF10D</i>	1.20E-14	-0.367	3.03E-13
<i>ABCB6</i>	1.13E-14	-0.367	2.85E-13
<i>ALGIL</i>	1.10E-14	-0.367	2.79E-13
<i>ETV4</i>	9.53E-15	-0.368	2.43E-13
<i>CLDN3</i>	8.87E-15	-0.368	2.26E-13
<i>PTGES2-AS1</i>	6.32E-15	-0.370	1.63E-13
<i>DHCR7</i>	1.04E-15	-0.380	2.85E-14
<i>SYT7</i>	7.78E-16	-0.382	2.13E-14
<i>MAP7</i>	6.47E-16	-0.383	1.78E-14
<i>FIIR</i>	2.46E-16	-0.388	6.93E-15
<i>ENTPD8</i>	1.25E-16	-0.391	3.61E-15
<i>MLLT4-AS1</i>	9.24E-17	-0.393	2.68E-15
<i>EFNA1</i>	1.17E-17	-0.403	3.56E-16
<i>RCOR2</i>	2.63E-18	-0.411	8.40E-17
<i>STX1A</i>	1.83E-18	-0.412	5.91E-17
<i>KCTD3</i>	1.69E-18	-0.413	5.48E-17
<i>C2orf70</i>	1.44E-18	-0.413	4.71E-17
<i>SQLE</i>	1.33E-21	-0.445	5.05E-20

ACRG

Gene symbol	<i>p</i> -value	PCC	FDR
<i>CCL5</i>	9.23E-137	0.936	1.56E-132
<i>KLRC4-KLRK1</i>	2.38E-118	0.913	2.30E-114
<i>KLRK1</i>	2.38E-118	0.913	2.02E-114
<i>THEMIS</i>	1.29E-110	0.902	8.74E-107
<i>GZMH</i>	1.68E-110	0.902	1.04E-106
<i>CRTAM</i>	3.16E-100	0.884	1.53E-96
<i>CD2</i>	2.28E-98	0.880	1.03E-94
<i>NKG7</i>	5.58E-96	0.875	2.36E-92
<i>ITK</i>	1.68E-94	0.872	6.71E-91
<i>CD96</i>	3.15E-93	0.869	1.19E-89
<i>GPR171</i>	3.32E-93	0.869	1.18E-89
<i>CCR5</i>	1.72E-92	0.868	5.83E-89
<i>NLRC3</i>	5.68E-92	0.867	1.83E-88
<i>CD3D</i>	1.71E-90	0.863	5.27E-87
<i>PYHIN1</i>	3.89E-89	0.860	1.05E-85
<i>TIGIT</i>	2.89E-88	0.858	7.55E-85
<i>TRAC</i>	1.06E-87	0.857	2.67E-84
<i>TRAT1</i>	5.86E-87	0.855	1.37E-83
<i>PVRIG</i>	1.69E-85	0.851	3.83E-82
<i>TRBC1</i>	9.44E-85	0.850	2.07E-81
<i>SH2D1A</i>	9.59E-85	0.849	2.03E-81
<i>IL2RB</i>	9.24E-84	0.847	1.79E-80
<i>CD3G</i>	1.10E-83	0.847	2.08E-80
<i>GZMA</i>	2.04E-83	0.846	3.73E-80
<i>GZMK</i>	1.29E-82	0.844	2.31E-79
<i>CXCR6</i>	2.56E-81	0.841	4.46E-78
<i>APOBEC3G</i>	7.70E-80	0.837	1.24E-76
<i>ITGAL</i>	3.71E-78	0.832	5.47E-75
<i>TARP</i>	1.80E-72	0.815	2.14E-69
<i>TRGC2</i>	4.63E-72	0.813	5.41E-69
<i>TRGV9</i>	4.63E-72	0.813	5.32E-69
<i>PTPN22</i>	1.05E-71	0.812	1.17E-68
<i>CD247</i>	1.73E-71	0.811	1.89E-68
<i>EOMES</i>	1.82E-71	0.811	1.96E-68

<i>CD52</i>	2.09E-71	0.811	2.18E-68
<i>TRDV2</i>	3.20E-71	0.811	3.29E-68
<i>TRAV20</i>	3.20E-71	0.811	3.24E-68
<i>TRAJI7</i>	3.20E-71	0.811	3.19E-68
<i>TBCID10C</i>	4.95E-69	0.803	4.66E-66
<i>CLEC2D</i>	2.81E-68	0.801	2.45E-65
<i>IKZFI</i>	7.04E-68	0.799	5.97E-65
<i>GPR18</i>	8.28E-67	0.796	6.53E-64
<i>PTPRCAP</i>	9.46E-67	0.795	7.29E-64
<i>LOC101928789</i>	1.95E-64	0.787	1.45E-61
<i>SPI40</i>	1.95E-64	0.787	1.44E-61
<i>PRFI</i>	4.70E-64	0.785	3.39E-61
<i>GVINPI</i>	2.04E-63	0.783	1.45E-60
<i>FASLG</i>	8.47E-63	0.781	5.86E-60
<i>NCKAP1L</i>	1.32E-62	0.780	9.05E-60
<i>GIMAPI-GIMAP5</i>	4.16E-62	0.778	2.80E-59
<i>GIMAP5</i>	4.16E-62	0.778	2.77E-59
<i>GIMAP4</i>	1.01E-61	0.776	6.43E-59
<i>TBX21</i>	1.21E-61	0.776	7.58E-59
<i>TRG-AS1</i>	1.81E-61	0.775	1.13E-58
<i>TRIM22</i>	4.32E-61	0.774	2.64E-58
<i>HCST</i>	1.08E-60	0.772	6.38E-58
<i>ANKRD44</i>	3.46E-60	0.770	2.02E-57
<i>WIPFI</i>	3.99E-59	0.766	2.26E-56
<i>JAKMIP1</i>	2.70E-58	0.762	1.50E-55
<i>DOCK2</i>	3.20E-58	0.762	1.76E-55
<i>IL10RA</i>	5.56E-58	0.761	3.04E-55
<i>SIT1</i>	6.76E-58	0.761	3.66E-55
<i>MAP4KI</i>	1.32E-57	0.760	7.05E-55
<i>CIQA</i>	2.58E-57	0.758	1.36E-54
<i>TNFSF13B</i>	6.51E-57	0.757	3.42E-54
<i>SASH3</i>	9.84E-57	0.756	5.13E-54
<i>PTPRC</i>	3.24E-56	0.753	1.67E-53
<i>APOL3</i>	3.55E-56	0.753	1.80E-53
<i>FAM26F</i>	2.17E-55	0.750	1.07E-52
<i>TRAF3IP3</i>	2.18E-55	0.750	1.06E-52
<i>FYB</i>	2.87E-55	0.749	1.38E-52
<i>SIRPG</i>	4.33E-55	0.748	2.05E-52
<i>UBASH3A</i>	5.13E-55	0.748	2.42E-52
<i>CORO1A</i>	3.31E-54	0.744	1.51E-51
<i>IL21R</i>	4.72E-54	0.744	2.14E-51
<i>SAMD3</i>	5.33E-54	0.743	2.39E-51
<i>CD226</i>	5.36E-54	0.743	2.39E-51
<i>GBP5</i>	1.54E-53	0.741	6.68E-51
<i>CXCL9</i>	1.73E-53	0.741	7.42E-51
<i>CECR1</i>	3.20E-53	0.740	1.37E-50
<i>GIMAP7</i>	5.36E-53	0.739	2.24E-50
<i>LAG3</i>	8.91E-53	0.738	3.71E-50
<i>CD27</i>	2.34E-52	0.736	9.57E-50
<i>GIMAPI</i>	5.99E-52	0.734	2.43E-49
<i>ARHGAP25</i>	7.54E-52	0.733	3.04E-49
<i>RCS1</i>	9.94E-52	0.733	3.99E-49
<i>GBP4</i>	2.45E-51	0.731	9.68E-49
<i>GIMAP6</i>	5.15E-51	0.729	2.01E-48
<i>IL18BP</i>	6.13E-51	0.729	2.37E-48
<i>CD48</i>	7.81E-51	0.728	2.99E-48

<i>CIQB</i>	9.29E-51	0.728	3.54E-48
<i>DOCK8</i>	1.12E-50	0.727	4.25E-48
<i>SLAMF7</i>	1.13E-50	0.727	4.25E-48
<i>EVI2B</i>	2.00E-50	0.726	7.48E-48
<i>IL16</i>	4.48E-50	0.724	1.66E-47
<i>SLA2</i>	8.95E-50	0.723	3.30E-47
<i>I-Mar</i>	2.74E-49	0.720	9.74E-47
<i>CD84</i>	2.98E-49	0.720	1.05E-46
<i>AOAH</i>	3.14E-49	0.720	1.10E-46
<i>BTLA</i>	3.15E-49	0.720	1.10E-46
<i>PPP1R16B</i>	1.01E-48	0.718	3.51E-46
<i>APOBEC3F</i>	1.03E-48	0.717	3.56E-46
<i>HLA-DPB1</i>	1.30E-48	0.717	4.43E-46
<i>CXCL13</i>	1.32E-48	0.717	4.47E-46
<i>KLHL6</i>	2.26E-48	0.716	7.54E-46
<i>MGC40069</i>	2.26E-48	0.716	7.53E-46
<i>SFMBT2</i>	2.59E-48	0.715	8.56E-46
<i>KLRD1</i>	2.86E-48	0.715	9.42E-46
<i>DOCK10</i>	1.11E-47	0.712	3.58E-45
<i>CMKLR1</i>	2.02E-47	0.711	6.45E-45
<i>BIN2</i>	2.20E-47	0.710	6.93E-45
<i>EVI2A</i>	2.27E-47	0.710	7.12E-45
<i>GBP1</i>	2.68E-47	0.710	8.34E-45
<i>P2RY10</i>	3.34E-47	0.709	1.02E-44
<i>IKZF3</i>	3.53E-47	0.709	1.08E-44
<i>KLRC1</i>	4.18E-47	0.709	1.27E-44
<i>KLRC2</i>	4.18E-47	0.709	1.26E-44
<i>STAT4</i>	9.44E-47	0.707	2.78E-44
<i>FGL2</i>	1.03E-46	0.707	3.01E-44
<i>CD72</i>	1.98E-46	0.705	5.74E-44
<i>ST8SIA4</i>	3.05E-46	0.704	8.73E-44
<i>RASGRP1</i>	3.40E-46	0.704	9.69E-44
<i>ARHGAP9</i>	4.84E-46	0.703	1.35E-43
<i>FKBP10</i>	1.17E-07	-0.300	1.44E-06
<i>KIAA0907</i>	1.15E-07	-0.300	1.41E-06
<i>HRSP12</i>	1.13E-07	-0.300	1.40E-06
<i>MSMO1</i>	1.13E-07	-0.300	1.39E-06
<i>CATSPER2PI</i>	1.09E-07	-0.301	1.35E-06
<i>DPM2</i>	1.09E-07	-0.301	1.35E-06
<i>SALL4</i>	1.09E-07	-0.301	1.35E-06
<i>MGAT5</i>	1.08E-07	-0.301	1.34E-06
<i>ZNF3</i>	1.08E-07	-0.301	1.34E-06
<i>GRAMD4</i>	1.08E-07	-0.301	1.33E-06
<i>NMNAT3</i>	1.07E-07	-0.301	1.33E-06
<i>LINC00657</i>	1.07E-07	-0.301	1.32E-06
<i>ATP7B</i>	1.06E-07	-0.301	1.32E-06
<i>VSIG10</i>	1.06E-07	-0.301	1.32E-06
<i>LRP5</i>	1.05E-07	-0.301	1.31E-06
<i>ZGPAT</i>	1.05E-07	-0.301	1.30E-06
<i>LOC102723990</i>	1.05E-07	-0.301	1.30E-06
<i>YKT6</i>	1.04E-07	-0.301	1.29E-06
<i>SNORA17</i>	1.04E-07	-0.301	1.29E-06
<i>SNHG7</i>	1.04E-07	-0.301	1.29E-06
<i>UBOX5</i>	1.03E-07	-0.301	1.29E-06
<i>ZFAND3</i>	1.03E-07	-0.301	1.29E-06
<i>TPD52L2</i>	1.02E-07	-0.301	1.27E-06

<i>DSCC1</i>	1.01E-07	-0.302	1.26E-06
<i>UBE2J2</i>	1.00E-07	-0.302	1.25E-06
<i>PRRG2</i>	1.00E-07	-0.302	1.25E-06
<i>SNORA43</i>	9.96E-08	-0.302	1.24E-06
<i>ANKZF1</i>	9.90E-08	-0.302	1.24E-06
<i>MPP6</i>	9.86E-08	-0.302	1.24E-06
<i>SLC17A4</i>	9.83E-08	-0.302	1.23E-06
<i>SIGMAR1</i>	9.70E-08	-0.302	1.22E-06
<i>SNRPA1</i>	9.58E-08	-0.302	1.21E-06
<i>RC3H1</i>	9.43E-08	-0.302	1.19E-06
<i>TRIM39-RPP21</i>	9.39E-08	-0.302	1.18E-06
<i>TRIM39</i>	9.39E-08	-0.302	1.18E-06
<i>IGSF9</i>	9.31E-08	-0.302	1.17E-06
<i>BRD3</i>	9.25E-08	-0.302	1.17E-06
<i>LOC101927085</i>	8.94E-08	-0.303	1.13E-06
<i>CFAP52</i>	8.93E-08	-0.303	1.13E-06
<i>GLB1L2</i>	8.63E-08	-0.303	1.10E-06
<i>LOC101928069</i>	8.47E-08	-0.303	1.08E-06
<i>KLRG2</i>	8.38E-08	-0.303	1.07E-06
<i>MSTO2P</i>	8.32E-08	-0.303	1.06E-06
<i>LYPLA2</i>	8.31E-08	-0.303	1.06E-06
<i>43525</i>	8.23E-08	-0.304	1.05E-06
<i>TRPT1</i>	8.11E-08	-0.304	1.04E-06
<i>RAPGEFL1</i>	8.05E-08	-0.304	1.03E-06
<i>VARS</i>	7.94E-08	-0.304	1.02E-06
<i>LNX1</i>	7.92E-08	-0.304	1.01E-06
<i>ND2</i>	7.90E-08	-0.304	1.01E-06
<i>AUP1</i>	7.83E-08	-0.304	1.00E-06
<i>TSACC</i>	7.78E-08	-0.304	9.99E-07
<i>CNIH2</i>	7.75E-08	-0.304	9.96E-07
<i>WDR12</i>	7.71E-08	-0.304	9.92E-07
<i>TM9SF4</i>	7.70E-08	-0.304	9.91E-07
<i>MPHOSPH10</i>	7.62E-08	-0.304	9.81E-07
<i>CHD7</i>	7.55E-08	-0.304	9.72E-07
<i>MAVS</i>	7.53E-08	-0.304	9.71E-07
<i>DLG5-AS1</i>	7.47E-08	-0.304	9.63E-07
<i>VAX2</i>	7.46E-08	-0.304	9.62E-07
<i>HES6</i>	7.45E-08	-0.304	9.62E-07
<i>LOC148709</i>	7.45E-08	-0.304	9.62E-07
<i>BCL9</i>	7.45E-08	-0.304	9.62E-07
<i>LOC101929880</i>	7.23E-08	-0.305	9.36E-07
<i>PGAP3</i>	7.15E-08	-0.305	9.26E-07
<i>SEC61A2</i>	7.14E-08	-0.305	9.25E-07
<i>PRR11</i>	7.08E-08	-0.305	9.17E-07
<i>GPR158</i>	7.07E-08	-0.305	9.16E-07
<i>C12orf49</i>	7.03E-08	-0.305	9.12E-07
<i>LINC00470</i>	6.89E-08	-0.305	8.95E-07
<i>CISD3</i>	6.87E-08	-0.305	8.93E-07
<i>LOC654342</i>	6.83E-08	-0.305	8.87E-07
<i>RPIA</i>	6.74E-08	-0.305	8.77E-07
<i>LZTS3</i>	6.73E-08	-0.305	8.76E-07
<i>EFNA4</i>	6.57E-08	-0.306	8.56E-07
<i>KIF5B</i>	6.56E-08	-0.306	8.55E-07
<i>LOC100128653</i>	6.53E-08	-0.306	8.51E-07
<i>SDCCAG3</i>	6.52E-08	-0.306	8.51E-07
<i>LOC102723983</i>	6.38E-08	-0.306	8.34E-07

<i>SFXN4</i>	6.22E-08	-0.306	8.16E-07
<i>BCAP31</i>	6.18E-08	-0.306	8.10E-07
<i>CEBPA-AS1</i>	6.16E-08	-0.306	8.08E-07
<i>GORASP2</i>	6.14E-08	-0.306	8.05E-07
<i>EDA</i>	6.11E-08	-0.306	8.02E-07
<i>TSEN54</i>	5.97E-08	-0.307	7.85E-07
<i>ZNF335</i>	5.93E-08	-0.307	7.80E-07
<i>ITPR3</i>	5.91E-08	-0.307	7.78E-07
<i>ARHGEF7</i>	5.91E-08	-0.307	7.77E-07
<i>AGPAT2</i>	5.90E-08	-0.307	7.76E-07
<i>MTPAP</i>	5.83E-08	-0.307	7.69E-07
<i>GDPD5</i>	5.80E-08	-0.307	7.65E-07
<i>CYP51A1</i>	5.77E-08	-0.307	7.61E-07
<i>WAC-AS1</i>	5.74E-08	-0.307	7.58E-07
<i>PDSSI</i>	5.70E-08	-0.307	7.52E-07
<i>INMT-FAM188B</i>	5.60E-08	-0.307	7.40E-07
<i>FAM188B</i>	5.60E-08	-0.307	7.40E-07
<i>NT5DC3</i>	5.59E-08	-0.307	7.39E-07
<i>CTPS2</i>	5.55E-08	-0.307	7.34E-07
<i>ZSWIM3</i>	5.43E-08	-0.308	7.20E-07
<i>CSNK2A1</i>	5.43E-08	-0.308	7.19E-07
<i>LOC100506473</i>	5.32E-08	-0.308	7.06E-07
<i>HENMT1</i>	5.16E-08	-0.308	6.87E-07
<i>TRIM11</i>	5.14E-08	-0.308	6.84E-07
<i>MRPS18A</i>	5.12E-08	-0.308	6.82E-07
<i>IGSF8</i>	5.08E-08	-0.308	6.77E-07
<i>LINC00622</i>	4.89E-08	-0.309	6.53E-07
<i>HOOK1</i>	4.88E-08	-0.309	6.52E-07
<i>PABPC1L</i>	4.81E-08	-0.309	6.44E-07
<i>ZMYM2</i>	4.81E-08	-0.309	6.44E-07
<i>ZNF76</i>	4.64E-08	-0.309	6.24E-07
<i>LOC101928837</i>	4.61E-08	-0.309	6.20E-07
<i>CCT6A</i>	4.58E-08	-0.309	6.16E-07
<i>SLC29A2</i>	4.56E-08	-0.309	6.13E-07
<i>DNMT3B</i>	4.52E-08	-0.309	6.09E-07
<i>VPS25</i>	4.42E-08	-0.310	5.96E-07
<i>RAP1GAP</i>	4.33E-08	-0.310	5.85E-07
<i>EPB41L4B</i>	4.27E-08	-0.310	5.78E-07
<i>CRABP2</i>	4.16E-08	-0.310	5.64E-07
<i>PTK2</i>	4.15E-08	-0.310	5.63E-07
<i>C7orf13</i>	4.10E-08	-0.310	5.57E-07
<i>STX3</i>	4.07E-08	-0.310	5.53E-07
<i>DARS2</i>	4.04E-08	-0.310	5.50E-07
<i>ZNF771</i>	3.98E-08	-0.310	5.42E-07
<i>ABCC10</i>	3.97E-08	-0.311	5.41E-07
<i>MAP4K3</i>	3.84E-08	-0.311	5.23E-07
<i>SLC25A33</i>	3.72E-08	-0.311	5.08E-07
<i>PPP1R14C</i>	3.71E-08	-0.311	5.07E-07
<i>NPAS2</i>	3.70E-08	-0.311	5.06E-07
<i>LRRD1</i>	3.65E-08	-0.311	5.01E-07
<i>DNAJA3</i>	3.57E-08	-0.312	4.90E-07
<i>FARSB</i>	3.51E-08	-0.312	4.82E-07
<i>AMACR</i>	3.43E-08	-0.312	4.72E-07
<i>STKLD1</i>	3.43E-08	-0.312	4.72E-07
<i>PPP1R14B</i>	3.42E-08	-0.312	4.71E-07
<i>ID11</i>	3.40E-08	-0.312	4.69E-07

<i>COQ4</i>	3.37E-08	-0.312	4.66E-07
<i>CCAR2</i>	3.36E-08	-0.312	4.64E-07
<i>UBE2C</i>	3.35E-08	-0.312	4.63E-07
<i>PPP1R1B</i>	3.33E-08	-0.312	4.61E-07
<i>GFPT1</i>	3.33E-08	-0.312	4.60E-07
<i>CLMN</i>	3.32E-08	-0.312	4.60E-07
<i>CAMSAP3</i>	3.30E-08	-0.312	4.57E-07
<i>PERP</i>	3.28E-08	-0.312	4.54E-07
<i>B3GNT7</i>	3.21E-08	-0.313	4.46E-07
<i>KIAA0556</i>	3.21E-08	-0.313	4.46E-07
<i>NSDHL</i>	3.19E-08	-0.313	4.43E-07
<i>ESPN</i>	3.19E-08	-0.313	4.43E-07
<i>DANCR</i>	3.07E-08	-0.313	4.28E-07
<i>PPL</i>	3.03E-08	-0.313	4.23E-07
<i>PPDPF</i>	3.01E-08	-0.313	4.21E-07
<i>LINC01057</i>	2.99E-08	-0.313	4.18E-07
<i>TUG1</i>	2.98E-08	-0.313	4.17E-07
<i>GSTA4</i>	2.96E-08	-0.313	4.14E-07
<i>C14orf1</i>	2.96E-08	-0.313	4.14E-07
<i>ARF1</i>	2.94E-08	-0.313	4.12E-07
<i>WDR46</i>	2.92E-08	-0.313	4.09E-07
<i>RHPN1-AS1</i>	2.90E-08	-0.313	4.07E-07
<i>ISG20L2</i>	2.89E-08	-0.314	4.05E-07
<i>ALG3</i>	2.88E-08	-0.314	4.04E-07
<i>ANAPC1</i>	2.88E-08	-0.314	4.04E-07
<i>BMP7</i>	2.87E-08	-0.314	4.03E-07
<i>ARFGEF3</i>	2.84E-08	-0.314	4.00E-07
<i>ACPI</i>	2.78E-08	-0.314	3.92E-07
<i>PTPN3</i>	2.76E-08	-0.314	3.89E-07
<i>PSMG3</i>	2.69E-08	-0.314	3.80E-07
<i>IYD</i>	2.68E-08	-0.314	3.80E-07
<i>TFCP2L1</i>	2.67E-08	-0.314	3.78E-07
<i>POLD2</i>	2.66E-08	-0.314	3.77E-07
<i>HDAC6</i>	2.66E-08	-0.314	3.77E-07
<i>EBLN2</i>	2.66E-08	-0.314	3.76E-07
<i>SLC25A1</i>	2.63E-08	-0.314	3.73E-07
<i>TYRO3</i>	2.61E-08	-0.314	3.71E-07
<i>NT5DC2</i>	2.59E-08	-0.315	3.68E-07
<i>TRMT61A</i>	2.59E-08	-0.315	3.68E-07
<i>NR1I2</i>	2.58E-08	-0.315	3.67E-07
<i>PRPF6</i>	2.56E-08	-0.315	3.65E-07
<i>LOC643085</i>	2.54E-08	-0.315	3.61E-07
<i>CLDN6</i>	2.54E-08	-0.315	3.61E-07
<i>TPRA1</i>	2.51E-08	-0.315	3.58E-07
<i>TUBB3</i>	2.43E-08	-0.315	3.48E-07
<i>SLC17A9</i>	2.41E-08	-0.315	3.45E-07
<i>SERINC3</i>	2.38E-08	-0.315	3.41E-07
<i>TMEM192</i>	2.35E-08	-0.315	3.37E-07
<i>ALG11</i>	2.33E-08	-0.316	3.34E-07
<i>UTPI4C</i>	2.33E-08	-0.316	3.34E-07
<i>CHKA</i>	2.24E-08	-0.316	3.23E-07
<i>ATP2C2</i>	2.22E-08	-0.316	3.20E-07
<i>TRIM45</i>	2.18E-08	-0.316	3.14E-07
<i>HSD17B7</i>	2.16E-08	-0.316	3.12E-07
<i>TNFRSF11B</i>	2.15E-08	-0.316	3.11E-07
<i>ZNF697</i>	2.13E-08	-0.316	3.08E-07

<i>ZC2HC1C</i>	2.11E-08	-0.316	3.05E-07
<i>RAD9A</i>	2.11E-08	-0.316	3.05E-07
<i>TM4SF20</i>	2.11E-08	-0.316	3.05E-07
<i>PMM2</i>	2.09E-08	-0.317	3.03E-07
<i>CYP2B6</i>	2.07E-08	-0.317	3.00E-07
<i>TBRG4</i>	2.05E-08	-0.317	2.98E-07
<i>SUV420H1</i>	1.98E-08	-0.317	2.88E-07
<i>TMEM53</i>	1.98E-08	-0.317	2.88E-07
<i>COA4</i>	1.97E-08	-0.317	2.87E-07
<i>MRPL45</i>	1.96E-08	-0.317	2.85E-07
<i>MSTO1</i>	1.95E-08	-0.317	2.84E-07
<i>MACC1</i>	1.94E-08	-0.317	2.82E-07
<i>DPH2</i>	1.93E-08	-0.317	2.81E-07
<i>ASXL1</i>	1.92E-08	-0.317	2.81E-07
<i>NELFB</i>	1.91E-08	-0.317	2.79E-07
<i>CLDN4</i>	1.86E-08	-0.318	2.72E-07
<i>EIF2S2</i>	1.77E-08	-0.318	2.60E-07
<i>NEURL2</i>	1.77E-08	-0.318	2.59E-07
<i>SQLE</i>	1.76E-08	-0.318	2.59E-07
<i>GCNT7</i>	1.76E-08	-0.318	2.59E-07
<i>SLC5A6</i>	1.69E-08	-0.318	2.49E-07
<i>WFDC3</i>	1.66E-08	-0.319	2.45E-07
<i>CCT3</i>	1.65E-08	-0.319	2.44E-07
<i>PAK6</i>	1.63E-08	-0.319	2.41E-07
<i>FOXP4</i>	1.63E-08	-0.319	2.41E-07
<i>CSEIL</i>	1.61E-08	-0.319	2.39E-07
<i>MYBL2</i>	1.61E-08	-0.319	2.39E-07
<i>THEM6</i>	1.60E-08	-0.319	2.38E-07
<i>PREPL</i>	1.60E-08	-0.319	2.37E-07
<i>CD9</i>	1.59E-08	-0.319	2.36E-07
<i>NMU</i>	1.56E-08	-0.319	2.32E-07
<i>TBC1D16</i>	1.54E-08	-0.319	2.30E-07
<i>TFB2M</i>	1.54E-08	-0.319	2.29E-07
<i>PI-UPK3BP1-PM.</i>	1.53E-08	-0.319	2.28E-07
<i>DLGAP4</i>	1.53E-08	-0.319	2.28E-07
<i>LOC101929728</i>	1.51E-08	-0.320	2.25E-07
<i>SLC35E4</i>	1.51E-08	-0.320	2.25E-07
<i>HOXA10</i>	1.50E-08	-0.320	2.24E-07
<i>CERS2</i>	1.48E-08	-0.320	2.21E-07
<i>OTUD7B</i>	1.40E-08	-0.320	2.10E-07
<i>HYLS1</i>	1.40E-08	-0.320	2.10E-07
<i>GNB1L</i>	1.40E-08	-0.320	2.10E-07
<i>POLR1C</i>	1.40E-08	-0.320	2.10E-07
<i>PARS2</i>	1.37E-08	-0.320	2.06E-07
<i>MAPK13</i>	1.37E-08	-0.320	2.05E-07
<i>PLA2G4F</i>	1.34E-08	-0.321	2.01E-07
<i>NBR2</i>	1.32E-08	-0.321	1.98E-07
<i>CRIP1</i>	1.30E-08	-0.321	1.96E-07
<i>RASL10B</i>	1.30E-08	-0.321	1.95E-07
<i>HDHD3</i>	1.29E-08	-0.321	1.95E-07
<i>MACROD1</i>	1.27E-08	-0.321	1.92E-07
<i>PRORY</i>	1.23E-08	-0.321	1.86E-07
<i>NEU4</i>	1.22E-08	-0.321	1.85E-07
<i>CTTN</i>	1.18E-08	-0.322	1.79E-07
<i>SOGA1</i>	1.18E-08	-0.322	1.79E-07
<i>PPM1H</i>	1.16E-08	-0.322	1.76E-07

<i>FAM86B3P</i>	1.16E-08	-0.322	1.76E-07
<i>HCG18</i>	1.15E-08	-0.322	1.75E-07
<i>USP21</i>	1.15E-08	-0.322	1.74E-07
<i>WFDC2</i>	1.15E-08	-0.322	1.74E-07
<i>CASKIN1</i>	1.14E-08	-0.322	1.74E-07
<i>LOC101927826</i>	1.13E-08	-0.322	1.72E-07
<i>FBXO41</i>	1.13E-08	-0.322	1.72E-07
<i>TMEM184A</i>	1.10E-08	-0.322	1.68E-07
<i>C6orf132</i>	1.09E-08	-0.322	1.67E-07
<i>TXNRD2</i>	1.09E-08	-0.323	1.67E-07
<i>RIPPLY3</i>	1.08E-08	-0.323	1.65E-07
<i>HSD11B1L</i>	1.08E-08	-0.323	1.65E-07
<i>LOC730202</i>	1.05E-08	-0.323	1.61E-07
<i>NAT9</i>	1.02E-08	-0.323	1.57E-07
<i>SLC44A3</i>	1.02E-08	-0.323	1.57E-07
<i>GLYCTK</i>	1.00E-08	-0.323	1.55E-07
<i>STX1A</i>	1.00E-08	-0.323	1.54E-07
<i>TCFL5</i>	9.90E-09	-0.323	1.53E-07
<i>ULBP2</i>	9.87E-09	-0.323	1.53E-07
<i>LOC102724985</i>	9.85E-09	-0.323	1.52E-07
<i>MRPS5</i>	9.80E-09	-0.323	1.52E-07
<i>SH3BP5L</i>	9.76E-09	-0.324	1.51E-07
<i>ZNF664</i>	9.74E-09	-0.324	1.51E-07
<i>ZFAND2B</i>	9.49E-09	-0.324	1.47E-07
<i>SLC25A15</i>	9.29E-09	-0.324	1.44E-07
<i>CMTM8</i>	9.15E-09	-0.324	1.42E-07
<i>WIP12</i>	9.06E-09	-0.324	1.41E-07
<i>COASY</i>	8.97E-09	-0.324	1.40E-07
<i>SDHC</i>	8.84E-09	-0.324	1.38E-07
<i>KCNK15</i>	8.56E-09	-0.325	1.34E-07
<i>POU6F2</i>	8.44E-09	-0.325	1.32E-07
<i>UCKL1</i>	8.41E-09	-0.325	1.32E-07
<i>GTF2H4</i>	8.32E-09	-0.325	1.30E-07
<i>MUC13</i>	8.15E-09	-0.325	1.28E-07
<i>E2F1</i>	8.15E-09	-0.325	1.28E-07
<i>ARL4A</i>	8.06E-09	-0.325	1.27E-07
<i>AKAP1</i>	8.04E-09	-0.325	1.26E-07
<i>ZFP64</i>	7.64E-09	-0.326	1.20E-07
<i>FARP1</i>	7.57E-09	-0.326	1.19E-07
<i>ACTR5</i>	7.49E-09	-0.326	1.18E-07
<i>FOXK2</i>	7.44E-09	-0.326	1.17E-07
<i>FGFR3</i>	7.42E-09	-0.326	1.17E-07
<i>APTR</i>	7.24E-09	-0.326	1.15E-07
<i>ALG14</i>	7.22E-09	-0.326	1.15E-07
<i>ACSS2</i>	7.04E-09	-0.326	1.12E-07
<i>LOC101928927</i>	7.02E-09	-0.326	1.12E-07
<i>SNHG15</i>	7.02E-09	-0.326	1.12E-07
<i>SNORA9</i>	7.02E-09	-0.326	1.11E-07
<i>CACNA1D</i>	7.01E-09	-0.326	1.11E-07
<i>CMTM4</i>	6.88E-09	-0.327	1.10E-07
<i>ITCH</i>	6.72E-09	-0.327	1.07E-07
<i>SLC2A1</i>	6.67E-09	-0.327	1.07E-07
<i>ACVR2B</i>	6.62E-09	-0.327	1.06E-07
<i>PLEKHG6</i>	6.51E-09	-0.327	1.04E-07
<i>AKR1E2</i>	6.39E-09	-0.327	1.02E-07
<i>ATXN7L3</i>	6.10E-09	-0.328	9.80E-08

<i>LOC102723542</i>	6.04E-09	-0.328	9.71E-08
<i>SLC19A2</i>	6.02E-09	-0.328	9.68E-08
<i>PLEKHG3</i>	6.00E-09	-0.328	9.66E-08
<i>HSD17B12</i>	5.98E-09	-0.328	9.62E-08
<i>SLC25A39</i>	5.89E-09	-0.328	9.49E-08
<i>SLC4A2</i>	5.71E-09	-0.328	9.21E-08
<i>MFSD9</i>	5.68E-09	-0.328	9.17E-08
<i>TMEM198</i>	5.39E-09	-0.329	8.73E-08
<i>ADNP</i>	5.30E-09	-0.329	8.58E-08
<i>RPL7L1</i>	5.29E-09	-0.329	8.57E-08
<i>DGKH</i>	5.29E-09	-0.329	8.57E-08
<i>ELMO3</i>	5.01E-09	-0.329	8.16E-08
<i>THRIL</i>	4.97E-09	-0.330	8.10E-08
<i>ZNF789</i>	4.97E-09	-0.330	8.09E-08
<i>SRC</i>	4.92E-09	-0.330	8.03E-08
<i>TMEM223</i>	4.83E-09	-0.330	7.88E-08
<i>OGDH</i>	4.76E-09	-0.330	7.78E-08
<i>SLC1A5</i>	4.68E-09	-0.330	7.67E-08
<i>LINC01296</i>	4.68E-09	-0.330	7.66E-08
<i>DIDO1</i>	4.60E-09	-0.330	7.54E-08
<i>SKA3</i>	4.60E-09	-0.330	7.54E-08
<i>LRP4</i>	4.47E-09	-0.330	7.34E-08
<i>TUBB4B</i>	4.46E-09	-0.330	7.34E-08
<i>BLCAP</i>	4.43E-09	-0.331	7.28E-08
<i>MPZL3</i>	4.29E-09	-0.331	7.06E-08
<i>MKKS</i>	4.27E-09	-0.331	7.03E-08
<i>MYOM3</i>	4.26E-09	-0.331	7.01E-08
<i>ANXA13</i>	4.22E-09	-0.331	6.95E-08
<i>ODF2</i>	4.17E-09	-0.331	6.88E-08
<i>DCUNID2</i>	3.97E-09	-0.332	6.58E-08
<i>RUSC1</i>	3.91E-09	-0.332	6.49E-08
<i>YIPF2</i>	3.48E-09	-0.333	5.81E-08
<i>MEST</i>	3.39E-09	-0.333	5.68E-08
<i>PITRM1</i>	3.37E-09	-0.333	5.64E-08
<i>PHGDH</i>	3.30E-09	-0.333	5.53E-08
<i>SLC39A5</i>	3.27E-09	-0.333	5.49E-08
<i>ACTR1B</i>	3.22E-09	-0.333	5.41E-08
<i>DOLK</i>	3.19E-09	-0.333	5.37E-08
<i>STAMBP</i>	3.18E-09	-0.333	5.36E-08
<i>CLDN12</i>	3.14E-09	-0.334	5.29E-08
<i>CAMKK1</i>	3.10E-09	-0.334	5.23E-08
<i>DGAT2</i>	3.08E-09	-0.334	5.21E-08
<i>METTL1</i>	3.05E-09	-0.334	5.15E-08
<i>LCLAT1</i>	3.04E-09	-0.334	5.14E-08
<i>MPST</i>	3.00E-09	-0.334	5.07E-08
<i>PRSS3</i>	2.98E-09	-0.334	5.04E-08
<i>NUFIP2</i>	2.93E-09	-0.334	4.97E-08
<i>RNF5P1</i>	2.90E-09	-0.334	4.92E-08
<i>ACOT11</i>	2.89E-09	-0.334	4.91E-08
<i>AURKA</i>	2.88E-09	-0.334	4.90E-08
<i>LIG3</i>	2.80E-09	-0.335	4.76E-08
<i>GPRC5C</i>	2.77E-09	-0.335	4.72E-08
<i>METTL7B</i>	2.72E-09	-0.335	4.63E-08
<i>DUXAP10</i>	2.70E-09	-0.335	4.60E-08
<i>TMEM52</i>	2.64E-09	-0.335	4.51E-08
<i>PODXL2</i>	2.61E-09	-0.335	4.47E-08

<i>SLC52A2</i>	2.60E-09	-0.335	4.46E-08
<i>WASIR2</i>	2.59E-09	-0.335	4.44E-08
<i>UQCCI</i>	2.57E-09	-0.335	4.41E-08
<i>ROMO1</i>	2.52E-09	-0.335	4.33E-08
<i>GRB7</i>	2.49E-09	-0.336	4.28E-08
<i>MTX1</i>	2.45E-09	-0.336	4.22E-08
<i>CPNE1</i>	2.43E-09	-0.336	4.17E-08
<i>STK31</i>	2.29E-09	-0.336	3.95E-08
<i>WNK2</i>	2.27E-09	-0.336	3.91E-08
<i>BRWDI-IT2</i>	2.26E-09	-0.336	3.90E-08
<i>KIF12</i>	2.25E-09	-0.336	3.88E-08
<i>MAPK8</i>	2.15E-09	-0.337	3.72E-08
<i>C3orf67</i>	2.14E-09	-0.337	3.70E-08
<i>C1orf115</i>	2.07E-09	-0.337	3.60E-08
<i>PI3</i>	2.05E-09	-0.337	3.56E-08
<i>LOC284926</i>	2.04E-09	-0.337	3.55E-08
<i>PCAT7</i>	2.01E-09	-0.337	3.50E-08
<i>NCOA6</i>	1.88E-09	-0.338	3.29E-08
<i>CHCHD2</i>	1.86E-09	-0.338	3.26E-08
<i>PSMD4</i>	1.86E-09	-0.338	3.26E-08
<i>SLCO4A1-AS1</i>	1.85E-09	-0.338	3.24E-08
<i>LOC101927668</i>	1.84E-09	-0.338	3.22E-08
<i>DNAH3</i>	1.81E-09	-0.338	3.18E-08
<i>LSM14B</i>	1.78E-09	-0.338	3.13E-08
<i>MUC3A</i>	1.78E-09	-0.338	3.13E-08
<i>GPR173</i>	1.77E-09	-0.339	3.12E-08
<i>SLC9A8</i>	1.75E-09	-0.339	3.08E-08
<i>SCAP</i>	1.67E-09	-0.339	2.95E-08
<i>CNTNAP2</i>	1.63E-09	-0.339	2.89E-08
<i>FAM222A</i>	1.62E-09	-0.339	2.87E-08
<i>AGPAT1</i>	1.59E-09	-0.339	2.82E-08
<i>FDPS</i>	1.53E-09	-0.340	2.72E-08
<i>PDCD6</i>	1.52E-09	-0.340	2.70E-08
<i>KDF1</i>	1.50E-09	-0.340	2.68E-08
<i>ZNF717</i>	1.43E-09	-0.340	2.55E-08
<i>EPHX4</i>	1.42E-09	-0.340	2.55E-08
<i>LRRC16A</i>	1.41E-09	-0.340	2.52E-08
<i>NANP</i>	1.41E-09	-0.340	2.52E-08
<i>GGT7</i>	1.39E-09	-0.341	2.50E-08
<i>PPP4R1L</i>	1.34E-09	-0.341	2.41E-08
<i>NR6A1</i>	1.32E-09	-0.341	2.37E-08
<i>RPRD1B</i>	1.27E-09	-0.341	2.28E-08
<i>RNF39</i>	1.24E-09	-0.342	2.24E-08
<i>C1orf35</i>	1.22E-09	-0.342	2.20E-08
<i>RUSC1-AS1</i>	1.17E-09	-0.342	2.12E-08
<i>MRPL14</i>	1.13E-09	-0.342	2.05E-08
<i>BYSL</i>	1.13E-09	-0.342	2.05E-08
<i>RHOD</i>	1.12E-09	-0.342	2.04E-08
<i>NGEF</i>	1.11E-09	-0.342	2.03E-08
<i>UBQLN4</i>	1.11E-09	-0.342	2.03E-08
<i>LOC101928487</i>	1.11E-09	-0.343	2.01E-08
<i>RRNAD1</i>	1.06E-09	-0.343	1.94E-08
<i>FNBPI1</i>	1.06E-09	-0.343	1.93E-08
<i>RAB17</i>	1.04E-09	-0.343	1.89E-08
<i>CDX2</i>	9.94E-10	-0.343	1.82E-08
<i>TNNC2</i>	9.86E-10	-0.343	1.81E-08

<i>RTFDC1</i>	9.70E-10	-0.344	1.78E-08
<i>SLC27A4</i>	9.64E-10	-0.344	1.77E-08
<i>C22orf29</i>	9.37E-10	-0.344	1.73E-08
<i>NCR3LG1</i>	9.03E-10	-0.344	1.67E-08
<i>OSBP</i>	8.82E-10	-0.344	1.63E-08
<i>COBL</i>	8.65E-10	-0.345	1.60E-08
<i>MIR1236</i>	8.53E-10	-0.345	1.58E-08
<i>NELFE</i>	8.53E-10	-0.345	1.58E-08
<i>PUS7</i>	8.50E-10	-0.345	1.58E-08
<i>APOA1BP</i>	8.50E-10	-0.345	1.58E-08
<i>TEX261</i>	8.34E-10	-0.345	1.55E-08
<i>POLDIP2</i>	8.16E-10	-0.345	1.52E-08
<i>NINL</i>	8.14E-10	-0.345	1.51E-08
<i>TP53RK</i>	8.07E-10	-0.345	1.50E-08
<i>DTD1</i>	7.90E-10	-0.345	1.47E-08
<i>LOC102724387</i>	7.90E-10	-0.345	1.47E-08
<i>A1CF</i>	7.82E-10	-0.345	1.46E-08
<i>PRSS3P2</i>	7.17E-10	-0.346	1.35E-08
<i>MRPS17</i>	7.14E-10	-0.346	1.34E-08
<i>GTF2IRD1</i>	7.07E-10	-0.346	1.33E-08
<i>GUCY2C</i>	7.04E-10	-0.346	1.32E-08
<i>GPAA1</i>	6.89E-10	-0.346	1.30E-08
<i>ZNF703</i>	6.71E-10	-0.347	1.27E-08
<i>C1orf56</i>	6.69E-10	-0.347	1.26E-08
<i>PSMA7</i>	6.68E-10	-0.347	1.26E-08
<i>HDGF</i>	6.66E-10	-0.347	1.26E-08
<i>ACTL10</i>	6.44E-10	-0.347	1.22E-08
<i>ZMYND19</i>	6.23E-10	-0.347	1.18E-08
<i>TARBPI</i>	6.22E-10	-0.347	1.18E-08
<i>DYNLRB1</i>	6.13E-10	-0.347	1.16E-08
<i>SYT7</i>	6.13E-10	-0.347	1.16E-08
<i>GSS</i>	6.10E-10	-0.348	1.16E-08
<i>LRRC8E</i>	5.85E-10	-0.348	1.11E-08
<i>MAPILC3A</i>	5.84E-10	-0.348	1.11E-08
<i>NSF</i>	5.83E-10	-0.348	1.11E-08
<i>IL17C</i>	5.80E-10	-0.348	1.11E-08
<i>MVK</i>	5.73E-10	-0.348	1.09E-08
<i>CCHCR1</i>	5.66E-10	-0.348	1.08E-08
<i>MSH5-SAPCD1</i>	5.45E-10	-0.348	1.04E-08
<i>SAPCD1</i>	5.45E-10	-0.348	1.04E-08
<i>MSI2</i>	5.44E-10	-0.348	1.04E-08
<i>ACSSI</i>	5.25E-10	-0.349	1.01E-08
<i>ABC6</i>	5.19E-10	-0.349	9.95E-09
<i>BAG6</i>	5.19E-10	-0.349	9.95E-09
<i>FAM173B</i>	5.06E-10	-0.349	9.72E-09
<i>ARFGAP1</i>	4.96E-10	-0.349	9.54E-09
<i>ACACA</i>	4.90E-10	-0.349	9.43E-09
<i>RALY</i>	4.82E-10	-0.349	9.28E-09
<i>LOC101927811</i>	4.59E-10	-0.350	8.88E-09
<i>CCNJL</i>	4.49E-10	-0.350	8.68E-09
<i>LLGL2</i>	4.45E-10	-0.350	8.62E-09
<i>LAPTM4B</i>	4.36E-10	-0.350	8.45E-09
<i>DUSP23</i>	4.32E-10	-0.350	8.38E-09
<i>DNAJC3-AS1</i>	4.28E-10	-0.350	8.30E-09
<i>CYP2B7P</i>	4.22E-10	-0.351	8.20E-09
<i>MMAB</i>	4.17E-10	-0.351	8.11E-09

<i>LADI</i>	4.00E-10	-0.351	7.79E-09
<i>DVL1</i>	3.99E-10	-0.351	7.78E-09
<i>PNMT</i>	3.97E-10	-0.351	7.73E-09
<i>C6orf136</i>	3.96E-10	-0.351	7.71E-09
<i>BEND3</i>	3.95E-10	-0.351	7.71E-09
<i>ESRRA</i>	3.71E-10	-0.352	7.26E-09
<i>LINC00511</i>	3.67E-10	-0.352	7.19E-09
<i>AGAPI</i>	3.59E-10	-0.352	7.04E-09
<i>RP9</i>	3.55E-10	-0.352	6.97E-09
<i>LOC100134822</i>	3.36E-10	-0.352	6.60E-09
<i>TGIF2-C20orf24</i>	3.21E-10	-0.353	6.34E-09
<i>C20orf24</i>	3.21E-10	-0.353	6.34E-09
<i>HOXB13</i>	3.20E-10	-0.353	6.32E-09
<i>SBNO1</i>	3.09E-10	-0.353	6.11E-09
<i>LOC101929240</i>	2.98E-10	-0.353	5.91E-09
<i>TRAF4</i>	2.78E-10	-0.354	5.54E-09
<i>RALY-AS1</i>	2.75E-10	-0.354	5.48E-09
<i>LOC100505938</i>	2.70E-10	-0.354	5.38E-09
<i>PARD3</i>	2.59E-10	-0.355	5.19E-09
<i>MEX3A</i>	2.58E-10	-0.355	5.16E-09
<i>RNF183</i>	2.53E-10	-0.355	5.09E-09
<i>KIAA1549</i>	2.52E-10	-0.355	5.06E-09
<i>GSK3B</i>	2.51E-10	-0.355	5.05E-09
<i>SMIM2-AS1</i>	2.26E-10	-0.356	4.56E-09
<i>DDX56</i>	2.11E-10	-0.356	4.28E-09
<i>REEP6</i>	2.07E-10	-0.356	4.20E-09
<i>SPIN3</i>	2.03E-10	-0.356	4.12E-09
<i>EBP</i>	1.97E-10	-0.357	4.02E-09
<i>DHCR7</i>	1.94E-10	-0.357	3.96E-09
<i>ABLIM2</i>	1.76E-10	-0.358	3.60E-09
<i>URGCP-MRPS24</i>	1.71E-10	-0.358	3.50E-09
<i>MRPS24</i>	1.71E-10	-0.358	3.50E-09
<i>FBXL18</i>	1.70E-10	-0.358	3.49E-09
<i>RPP21</i>	1.69E-10	-0.358	3.46E-09
<i>BCL2L10</i>	1.58E-10	-0.359	3.25E-09
<i>MYO7B</i>	1.53E-10	-0.359	3.16E-09
<i>LNX2</i>	1.52E-10	-0.359	3.13E-09
<i>TMED3</i>	1.45E-10	-0.359	3.01E-09
<i>SERINC5</i>	1.44E-10	-0.359	2.99E-09
<i>SH3BP4</i>	1.42E-10	-0.359	2.94E-09
<i>SLC13A3</i>	1.39E-10	-0.360	2.87E-09
<i>ABCF1</i>	1.35E-10	-0.360	2.80E-09
<i>RAB15</i>	1.32E-10	-0.360	2.75E-09
<i>CACNB3</i>	1.32E-10	-0.360	2.75E-09
<i>ATAT1</i>	1.32E-10	-0.360	2.74E-09
<i>TRUB2</i>	1.28E-10	-0.360	2.67E-09
<i>BZW2</i>	1.21E-10	-0.361	2.53E-09
<i>RCOR2</i>	1.20E-10	-0.361	2.51E-09
<i>SLC6A10P</i>	1.16E-10	-0.361	2.44E-09
<i>ATG9A</i>	1.13E-10	-0.361	2.38E-09
<i>LOC101927338</i>	1.10E-10	-0.361	2.32E-09
<i>KCNQ1OT1</i>	1.10E-10	-0.361	2.32E-09
<i>SOWAHC</i>	1.10E-10	-0.361	2.32E-09
<i>LINC00673</i>	1.04E-10	-0.362	2.21E-09
<i>NOL3</i>	1.03E-10	-0.362	2.19E-09
<i>ITPA</i>	9.81E-11	-0.362	2.08E-09

<i>ATP9A</i>	9.25E-11	-0.363	1.97E-09
<i>MGA</i>	8.87E-11	-0.363	1.90E-09
<i>ADRM1</i>	8.55E-11	-0.363	1.83E-09
<i>MIR3658</i>	8.46E-11	-0.363	1.81E-09
<i>UCK2</i>	8.46E-11	-0.363	1.81E-09
<i>MOCS3</i>	8.37E-11	-0.364	1.80E-09
<i>LOC101929715</i>	7.69E-11	-0.364	1.66E-09
<i>LOC100653149</i>	7.43E-11	-0.364	1.61E-09
<i>LOC102725127</i>	7.43E-11	-0.364	1.61E-09
<i>XPO5</i>	7.41E-11	-0.364	1.60E-09
<i>PIGM</i>	7.12E-11	-0.365	1.54E-09
<i>CHD1L</i>	6.90E-11	-0.365	1.50E-09
<i>MUTYH</i>	6.84E-11	-0.365	1.49E-09
<i>MAP3K9</i>	6.69E-11	-0.365	1.45E-09
<i>CARD14</i>	6.47E-11	-0.366	1.41E-09
<i>GSTP1</i>	6.37E-11	-0.366	1.39E-09
<i>MMP24-AS1</i>	6.35E-11	-0.366	1.38E-09
<i>SMG5</i>	6.19E-11	-0.366	1.35E-09
<i>CLRN3</i>	6.10E-11	-0.366	1.33E-09
<i>RP9P</i>	5.97E-11	-0.366	1.31E-09
<i>OVOL1</i>	5.97E-11	-0.366	1.31E-09
<i>MLXIPL</i>	5.78E-11	-0.366	1.27E-09
<i>PFDN2</i>	5.64E-11	-0.367	1.24E-09
<i>C1orf86</i>	5.57E-11	-0.367	1.23E-09
<i>SLMO2</i>	5.48E-11	-0.367	1.21E-09
<i>MUC20</i>	5.35E-11	-0.367	1.18E-09
<i>SGOL1</i>	5.30E-11	-0.367	1.17E-09
<i>ATP6VIC2</i>	4.83E-11	-0.368	1.07E-09
<i>LOC101060363</i>	4.79E-11	-0.368	1.06E-09
<i>ARHGAP5-AS1</i>	4.76E-11	-0.368	1.05E-09
<i>GGCT</i>	4.58E-11	-0.368	1.02E-09
<i>PLEKHA8</i>	4.33E-11	-0.369	9.65E-10
<i>AMPD2</i>	4.31E-11	-0.369	9.59E-10
<i>SORT1</i>	4.19E-11	-0.369	9.35E-10
<i>HNF4A</i>	4.11E-11	-0.369	9.18E-10
<i>C9orf69</i>	4.10E-11	-0.369	9.17E-10
<i>EIF2B4</i>	4.00E-11	-0.369	8.95E-10
<i>NHSL1</i>	3.88E-11	-0.370	8.72E-10
<i>TNRC18</i>	3.79E-11	-0.370	8.52E-10
<i>MIR6834</i>	3.77E-11	-0.370	8.49E-10
<i>PFDN6</i>	3.77E-11	-0.370	8.49E-10
<i>KDM5B</i>	3.74E-11	-0.370	8.43E-10
<i>PTK7</i>	3.71E-11	-0.370	8.37E-10
<i>SLC6A10PB</i>	3.52E-11	-0.370	7.96E-10
<i>PRPF3</i>	3.29E-11	-0.371	7.46E-10
<i>PPIA</i>	3.06E-11	-0.371	6.95E-10
<i>AGO1</i>	3.05E-11	-0.371	6.94E-10
<i>LRPPRC</i>	2.92E-11	-0.372	6.65E-10
<i>EIF2AK1</i>	2.76E-11	-0.372	6.30E-10
<i>SPIRE2</i>	2.73E-11	-0.372	6.25E-10
<i>NBEAL1</i>	2.46E-11	-0.373	5.65E-10
<i>NMB</i>	2.45E-11	-0.373	5.62E-10
<i>SNHG11</i>	2.38E-11	-0.373	5.46E-10
<i>SNORA71E</i>	2.38E-11	-0.373	5.46E-10
<i>SNORA60</i>	2.38E-11	-0.373	5.46E-10
<i>CNNM3</i>	2.30E-11	-0.373	5.31E-10

<i>ATPIA1</i>	2.26E-11	-0.374	5.23E-10
<i>INADL</i>	2.25E-11	-0.374	5.19E-10
<i>PRSS22</i>	2.18E-11	-0.374	5.04E-10
<i>LARP4B</i>	2.07E-11	-0.374	4.80E-10
<i>PYCR1</i>	1.92E-11	-0.375	4.47E-10
<i>MSH5</i>	1.90E-11	-0.375	4.42E-10
<i>PIGU</i>	1.86E-11	-0.375	4.33E-10
<i>STAUI</i>	1.73E-11	-0.376	4.05E-10
<i>ETV4</i>	1.69E-11	-0.376	3.96E-10
<i>CDH17</i>	1.69E-11	-0.376	3.95E-10
<i>MFSD2A</i>	1.64E-11	-0.376	3.84E-10
<i>SLC35C2</i>	1.57E-11	-0.376	3.69E-10
<i>CSTFI</i>	1.56E-11	-0.376	3.66E-10
<i>AVL9</i>	1.47E-11	-0.377	3.47E-10
<i>ILVBL</i>	1.47E-11	-0.377	3.46E-10
<i>TRIB3</i>	1.25E-11	-0.378	2.97E-10
<i>GTF3C5</i>	1.24E-11	-0.378	2.94E-10
<i>PAGR1</i>	1.21E-11	-0.378	2.88E-10
<i>GYG2</i>	1.19E-11	-0.378	2.84E-10
<i>TMEM9</i>	1.14E-11	-0.379	2.72E-10
<i>FAM168B</i>	1.07E-11	-0.379	2.56E-10
<i>PCYT2</i>	1.02E-11	-0.380	2.44E-10
<i>SPRED2</i>	9.75E-12	-0.380	2.34E-10
<i>EPS8L3</i>	9.26E-12	-0.380	2.22E-10
<i>PPARA</i>	8.43E-12	-0.381	2.03E-10
<i>YTHDF1</i>	8.42E-12	-0.381	2.03E-10
<i>MIR4640</i>	8.30E-12	-0.381	2.00E-10
<i>DDR1</i>	8.30E-12	-0.381	2.00E-10
<i>KIF3B</i>	8.27E-12	-0.381	2.00E-10
<i>TMEM63A</i>	8.18E-12	-0.381	1.98E-10
<i>CREG2</i>	7.68E-12	-0.382	1.86E-10
<i>GRTP1</i>	7.50E-12	-0.382	1.82E-10
<i>CBFA2T2</i>	6.39E-12	-0.383	1.56E-10
<i>POR</i>	6.23E-12	-0.383	1.52E-10
<i>MCF2L</i>	5.76E-12	-0.384	1.41E-10
<i>SLC7A4</i>	5.58E-12	-0.384	1.37E-10
<i>SNHG17</i>	5.49E-12	-0.384	1.35E-10
<i>TAF4</i>	5.47E-12	-0.384	1.35E-10
<i>NOL4L</i>	5.45E-12	-0.384	1.34E-10
<i>NPCIL1</i>	5.41E-12	-0.384	1.33E-10
<i>ASHIL-AS1</i>	5.34E-12	-0.384	1.32E-10
<i>TOMM6</i>	5.12E-12	-0.385	1.26E-10
<i>PRICKLE4</i>	5.12E-12	-0.385	1.26E-10
<i>CAMK2N1</i>	4.31E-12	-0.386	1.07E-10
<i>MUC3B</i>	3.72E-12	-0.387	9.30E-11
<i>TMEM117</i>	3.66E-12	-0.387	9.17E-11
<i>RALGAPB</i>	3.57E-12	-0.387	8.94E-11
<i>RMND5A</i>	3.42E-12	-0.388	8.58E-11
<i>NEK3</i>	3.24E-12	-0.388	8.16E-11
<i>CNIH4</i>	2.98E-12	-0.389	7.55E-11
<i>PDXDC1</i>	2.94E-12	-0.389	7.46E-11
<i>LINC01558</i>	2.89E-12	-0.389	7.34E-11
<i>GMEB2</i>	2.89E-12	-0.389	7.33E-11
<i>CGN</i>	2.73E-12	-0.389	6.96E-11
<i>COA3</i>	2.65E-12	-0.389	6.77E-11
<i>ROCK2</i>	2.49E-12	-0.390	6.37E-11

<i>MRPL48</i>	2.44E-12	-0.390	6.24E-11
<i>LOC157860</i>	2.24E-12	-0.391	5.78E-11
<i>B4GALT2</i>	2.18E-12	-0.391	5.63E-11
<i>GRB10</i>	2.13E-12	-0.391	5.51E-11
<i>SLC6A8</i>	2.12E-12	-0.391	5.49E-11
<i>VIL1</i>	1.68E-12	-0.393	4.38E-11
<i>AAR2</i>	1.66E-12	-0.393	4.33E-11
<i>KNOP1</i>	1.41E-12	-0.394	3.71E-11
<i>P2RY2</i>	1.31E-12	-0.394	3.47E-11
<i>MANBAL</i>	1.27E-12	-0.395	3.37E-11
<i>LINC00858</i>	1.19E-12	-0.395	3.15E-11
<i>AIMP2</i>	1.15E-12	-0.395	3.06E-11
<i>EIF6</i>	1.01E-12	-0.396	2.68E-11
<i>TLCD1</i>	1.00E-12	-0.396	2.66E-11
<i>TOMM34</i>	8.51E-13	-0.397	2.28E-11
<i>EPB4IL5</i>	8.42E-13	-0.398	2.26E-11
<i>SREBF2</i>	8.20E-13	-0.398	2.21E-11
<i>CIB2</i>	7.78E-13	-0.398	2.10E-11
<i>KDELR2</i>	7.26E-13	-0.399	1.97E-11
<i>SNORA5B</i>	7.20E-13	-0.399	1.95E-11
<i>RASEF</i>	7.11E-13	-0.399	1.93E-11
<i>NOL10</i>	6.89E-13	-0.399	1.87E-11
<i>GPR89B</i>	6.05E-13	-0.400	1.66E-11
<i>GPR89A</i>	6.05E-13	-0.400	1.66E-11
<i>SOCS7</i>	5.85E-13	-0.400	1.60E-11
<i>ZNF514</i>	5.32E-13	-0.401	1.47E-11
<i>STK35</i>	5.16E-13	-0.401	1.43E-11
<i>FIIR</i>	4.83E-13	-0.401	1.34E-11
<i>OTUD3</i>	4.60E-13	-0.402	1.28E-11
<i>MCUR1</i>	4.03E-13	-0.403	1.13E-11
<i>PTPRF</i>	3.71E-13	-0.403	1.04E-11
<i>CNOT11</i>	3.29E-13	-0.404	9.30E-12
<i>AIFM3</i>	2.91E-13	-0.405	8.26E-12
<i>MIR4647</i>	2.84E-13	-0.405	8.07E-12
<i>SLC35B2</i>	2.84E-13	-0.405	8.07E-12
<i>SOWAHA</i>	2.39E-13	-0.406	6.82E-12
<i>SPATA2</i>	2.34E-13	-0.406	6.69E-12
<i>LOC101927929</i>	2.31E-13	-0.406	6.60E-12
<i>BDHI</i>	2.29E-13	-0.407	6.56E-12
<i>FITM2</i>	1.96E-13	-0.408	5.65E-12
<i>CLDN3</i>	1.72E-13	-0.408	4.99E-12
<i>RAE1</i>	1.65E-13	-0.409	4.79E-12
<i>MAFG</i>	1.47E-13	-0.409	4.29E-12
<i>DNAJC5</i>	1.22E-13	-0.411	3.56E-12
<i>SYNJ2</i>	1.10E-13	-0.411	3.23E-12
<i>IGSF3</i>	9.58E-14	-0.412	2.83E-12
<i>PIGT</i>	9.31E-14	-0.413	2.75E-12
<i>DDX27</i>	9.11E-14	-0.413	2.70E-12
<i>ADGRA3</i>	8.67E-14	-0.413	2.57E-12
<i>LOC221272</i>	7.19E-14	-0.414	2.15E-12
<i>RBP4</i>	5.90E-14	-0.416	1.78E-12
<i>TMEM74B</i>	5.51E-14	-0.416	1.66E-12
<i>YAE1D1</i>	5.45E-14	-0.416	1.65E-12
<i>TMEM141</i>	5.15E-14	-0.416	1.56E-12
<i>GOLT1A</i>	3.11E-14	-0.420	9.57E-13
<i>ZDHHC9</i>	2.96E-14	-0.420	9.12E-13

<i>SLC39A4</i>	2.68E-14	-0.421	8.30E-13
<i>MLLT4</i>	2.50E-14	-0.421	7.77E-13
<i>GET4</i>	2.29E-14	-0.422	7.13E-13
<i>ICA1</i>	2.27E-14	-0.422	7.08E-13
<i>P3H4</i>	2.24E-14	-0.422	6.99E-13
<i>STRN</i>	1.98E-14	-0.423	6.20E-13
<i>PXMP4</i>	1.61E-14	-0.424	5.09E-13
<i>POFUT1</i>	6.80E-15	-0.429	2.23E-13
<i>EFNA1</i>	5.25E-15	-0.431	1.74E-13
<i>EIF3B</i>	4.20E-15	-0.432	1.40E-13
<i>SUN1</i>	3.14E-15	-0.434	1.06E-13
<i>MORC2</i>	2.68E-15	-0.435	9.09E-14
<i>FOXP4-AS1</i>	2.56E-15	-0.436	8.67E-14
<i>SLC25A13</i>	1.91E-15	-0.437	6.55E-14
<i>SLC41A3</i>	1.64E-15	-0.438	5.65E-14
<i>MRGBP</i>	1.15E-15	-0.440	4.05E-14
<i>NECAB3</i>	1.12E-15	-0.441	3.92E-14
<i>CLCN2</i>	7.93E-16	-0.443	2.81E-14
<i>SWI5</i>	7.66E-16	-0.443	2.72E-14
<i>ERGIC3</i>	5.56E-16	-0.445	1.99E-14
<i>ZSWIM1</i>	3.67E-16	-0.447	1.33E-14
<i>MLLT4-AS1</i>	3.26E-16	-0.448	1.19E-14
<i>TUFT1</i>	2.85E-16	-0.449	1.04E-14
<i>FAH</i>	2.41E-16	-0.450	8.88E-15
<i>NSMF</i>	1.92E-16	-0.451	7.11E-15
<i>ACOT8</i>	1.84E-16	-0.451	6.82E-15
<i>TP53I13</i>	1.65E-16	-0.452	6.16E-15
<i>ARFGEF2</i>	1.28E-16	-0.453	4.81E-15
<i>KCTD3</i>	7.05E-17	-0.457	2.71E-15
<i>MIR7114</i>	3.76E-17	-0.460	1.47E-15
<i>OSBPL2</i>	5.89E-18	-0.471	2.41E-16
<i>GID8</i>	5.43E-18	-0.471	2.23E-16
<i>TMEM189</i>	5.20E-18	-0.471	2.14E-16
<i>MEM189-UBE2V</i>	5.20E-18	-0.471	2.14E-16
<i>UBE2V1</i>	5.20E-18	-0.471	2.14E-16
<i>NELFCD</i>	2.12E-18	-0.476	9.06E-17
<i>RAB22A</i>	1.51E-18	-0.478	6.55E-17
<i>VAPB</i>	1.88E-20	-0.501	9.27E-19
<i>SS18L1</i>	8.35E-22	-0.516	4.57E-20

Immune cytolytic activity

TCGA				Common
Gene symbol	p-value	PCC	FDR	Gene symbol
<i>GZMA</i>	4.65E-229	0.959	9.54E-225	<i>GZMA</i>
<i>PRF1</i>	1.97E-202	0.945	3.03E-198	<i>PRF1</i>
<i>NKG7</i>	4.19E-144	0.891	2.58E-140	<i>CCL5</i>
<i>CCL5</i>	2.02E-138	0.884	1.04E-134	<i>NKG7</i>
<i>SLA2</i>	3.57E-131	0.873	1.29E-127	<i>GZMH</i>
<i>IL2RB</i>	5.32E-130	0.872	1.82E-126	<i>IL2RB</i>
<i>GZMH</i>	4.70E-127	0.867	1.45E-123	<i>CD96</i>
<i>CXCR6</i>	6.27E-123	0.860	1.75E-119	<i>CD8A</i>
<i>CD96</i>	2.50E-121	0.858	6.68E-118	<i>GPR171</i>
<i>FASLG</i>	3.63E-120	0.856	9.31E-117	<i>KLRK1</i>
<i>CD8A</i>	3.38E-117	0.850	7.71E-114	<i>CD247</i>
<i>CD247</i>	6.61E-116	0.848	1.45E-112	<i>CD3D</i>

<i>CD2</i>	4.17E-115	0.846	8.85E-112	<i>THEMIS</i>
<i>GZMB</i>	8.30E-115	0.846	1.65E-111	<i>CXCR6</i>
<i>GBP5</i>	9.12E-114	0.844	1.65E-110	<i>CD2</i>
<i>TBX21</i>	3.22E-113	0.843	5.51E-110	<i>APOBEC3G</i>
<i>KLRK1</i>	8.14E-111	0.838	1.32E-107	<i>CD3G</i>
<i>SIRPG</i>	3.29E-106	0.829	4.50E-103	<i>GZMB</i>
<i>LAG3</i>	1.01E-105	0.828	1.35E-102	<i>PTPN22</i>
<i>CCR5</i>	1.71E-103	0.823	2.11E-100	<i>PYHIN1</i>
<i>CD3E</i>	4.35E-103	0.822	5.25E-100	<i>SH2D1A</i>
<i>THEMIS</i>	1.29E-100	0.817	1.50E-97	<i>TIGIT</i>
<i>CD3D</i>	1.71E-100	0.816	1.95E-97	<i>ITK</i>
<i>SH2D1A</i>	9.48E-100	0.815	1.02E-96	<i>FASLG</i>
<i>GPR171</i>	2.93E-98	0.811	2.96E-95	<i>GBP5</i>
<i>CRTAM</i>	1.66E-97	0.809	1.65E-94	<i>CRTAM</i>
<i>JAKMIP1</i>	2.51E-95	0.804	2.30E-92	<i>GBP4</i>
<i>PYHIN1</i>	6.95E-95	0.803	6.20E-92	<i>CCR5</i>
<i>TIGIT</i>	4.10E-93	0.799	3.55E-90	<i>CXCL9</i>
<i>CD3G</i>	4.72E-93	0.798	4.04E-90	<i>NLRC3</i>
<i>GBP1</i>	1.20E-90	0.792	9.37E-88	<i>TBX21</i>
<i>GBP4</i>	1.47E-90	0.792	1.13E-87	<i>GBP1</i>
<i>TRAT1</i>	1.46E-87	0.784	1.02E-84	<i>TRAT1</i>
<i>IFNG</i>	2.48E-87	0.783	1.72E-84	<i>KLRD1</i>
<i>FCRL6</i>	2.74E-86	0.781	1.80E-83	<i>IFNG</i>
<i>CXCL9</i>	5.49E-86	0.780	3.56E-83	<i>SPI40</i>
<i>IL12RB1</i>	3.55E-83	0.772	2.23E-80	<i>LAG3</i>
<i>UBASH3A</i>	1.16E-80	0.764	7.00E-78	<i>GNLY</i>
<i>ZNF683</i>	2.09E-80	0.763	1.23E-77	<i>APOL3</i>
<i>GZMK</i>	3.76E-80	0.763	2.18E-77	<i>GZMK</i>
<i>CD244</i>	5.93E-80	0.762	3.41E-77	<i>ITGAL</i>
<i>ARHGAP9</i>	2.11E-79	0.760	1.19E-76	<i>SIRPG</i>
<i>APOBEC3H</i>	2.21E-79	0.760	1.24E-76	<i>JAKMIP1</i>
<i>ITGAL</i>	3.22E-79	0.760	1.77E-76	<i>SLAMF7</i>
<i>IDO1</i>	8.27E-79	0.758	4.47E-76	<i>TNFSF13B</i>
<i>XCL2</i>	7.79E-78	0.755	4.06E-75	<i>CD226</i>
<i>GNLY</i>	6.53E-77	0.752	3.30E-74	<i>HCST</i>
<i>TNFSF13B</i>	2.02E-76	0.751	1.00E-73	<i>PTPRC</i>
<i>ITK</i>	2.51E-76	0.751	1.24E-73	<i>IL21R</i>
<i>APOBEC3G</i>	2.38E-75	0.747	1.11E-72	<i>IDO1</i>
<i>APOL3</i>	9.12E-75	0.745	4.16E-72	<i>PTPRCAP</i>
<i>KLRD1</i>	1.50E-74	0.745	6.79E-72	<i>SLA2</i>
<i>LCP2</i>	2.12E-73	0.741	9.21E-71	<i>CXCL10</i>
<i>SLAMF7</i>	2.24E-73	0.741	9.66E-71	<i>ICOS</i>
<i>CCL4</i>	3.16E-73	0.740	1.34E-70	<i>IL18BP</i>
<i>GPR174</i>	3.33E-73	0.740	1.41E-70	<i>FYB</i>
<i>TRAF3IP3</i>	5.81E-73	0.739	2.43E-70	<i>UBASH3A</i>
<i>BIN2</i>	7.45E-73	0.739	3.10E-70	<i>CD244</i>
<i>CXCL10</i>	2.39E-72	0.737	9.80E-70	<i>TBC1D10C</i>
<i>CD226</i>	2.55E-72	0.737	1.04E-69	<i>ICA1</i>
<i>IL21R</i>	9.30E-72	0.735	3.72E-69	<i>PRPF40B</i>
<i>DOK2</i>	2.54E-71	0.734	1.01E-68	<i>RMND5A</i>
<i>ACAP1</i>	3.05E-71	0.733	1.20E-68	<i>GTF2IRD1</i>
<i>CD6</i>	1.77E-70	0.731	6.84E-68	<i>TMEM198</i>
<i>ICOS</i>	4.81E-70	0.729	1.83E-67	<i>DNMT3B</i>
<i>PDCD1</i>	1.34E-69	0.728	4.99E-67	<i>MLLT4</i>
<i>ITGAE</i>	1.66E-69	0.727	6.17E-67	<i>BCL2L10</i>
<i>CD48</i>	1.87E-69	0.727	6.91E-67	<i>PPL</i>

<i>GRAP2</i>	9.42E-69	0.725	3.39E-66	<i>DCUNID2</i>
<i>CXCR2P1</i>	2.03E-68	0.723	7.27E-66	<i>NOL3</i>
<i>TBC1D10C</i>	5.74E-68	0.722	2.03E-65	<i>ARHGAP5-AS1</i>
<i>ZAP70</i>	7.51E-68	0.721	2.63E-65	<i>SYT7</i>
<i>IL18BP</i>	1.01E-67	0.721	3.49E-65	<i>TM7SF2</i>
<i>PTPRC</i>	1.45E-67	0.720	4.95E-65	<i>FOXP4</i>
<i>SLAMF6</i>	2.42E-67	0.719	8.19E-65	<i>TRMT61A</i>
<i>PTPN22</i>	3.71E-67	0.719	1.22E-64	<i>SH3BP4</i>
<i>CXCR3</i>	1.63E-66	0.716	5.22E-64	<i>PIGM</i>
<i>FYB</i>	1.90E-66	0.716	6.03E-64	<i>PGAP3</i>
<i>PDCD1LG2</i>	3.67E-66	0.715	1.15E-63	<i>PRKAB2</i>
<i>CD53</i>	4.21E-66	0.715	1.31E-63	<i>RRNAD1</i>
<i>P2RY10</i>	2.84E-65	0.711	8.62E-63	<i>TMEM74B</i>
<i>GZMM</i>	3.65E-65	0.711	1.10E-62	<i>ANKRD46</i>
<i>CIQA</i>	6.13E-65	0.710	1.83E-62	<i>RAP1GAP</i>
<i>SLAMF8</i>	1.38E-64	0.709	4.06E-62	<i>GPRC5C</i>
<i>SASH3</i>	2.77E-64	0.708	8.07E-62	<i>RCOR2</i>
<i>HCST</i>	3.77E-64	0.707	1.10E-61	<i>SPRED2</i>
<i>MYO1G</i>	4.02E-64	0.707	1.16E-61	<i>NOL4L</i>
<i>MYO1F</i>	6.39E-64	0.706	1.83E-61	<i>ETV4</i>
<i>HAVCR2</i>	1.05E-63	0.705	2.97E-61	<i>TEX261</i>
<i>SPI40</i>	1.51E-63	0.705	4.20E-61	<i>DIDO1</i>
<i>PTPRCAP</i>	1.62E-63	0.705	4.49E-61	<i>EFNA1</i>
<i>KLRC3</i>	1.85E-63	0.704	5.12E-61	<i>NINL</i>
<i>CD4</i>	3.21E-63	0.703	8.64E-61	<i>TMEM9</i>
<i>GBP1P1</i>	3.44E-63	0.703	9.22E-61	<i>RGL2</i>
<i>NLRC3</i>	1.08E-62	0.701	2.84E-60	<i>MTURN</i>
<i>MAP4K1</i>	1.29E-62	0.701	3.39E-60	<i>GRB10</i>
<i>CIQB</i>	2.43E-62	0.700	6.25E-60	<i>MUC20</i>
<i>CTSW</i>	3.95E-62	0.699	9.98E-60	<i>SOWAHA</i>
<i>CD38</i>	6.61E-62	0.698	1.66E-59	<i>Clorf56</i>
<i>IL2RA</i>	6.66E-62	0.698	1.66E-59	<i>MLLT4-AS1</i>
<i>GIMAP5</i>	1.97E-61	0.696	4.83E-59	<i>PIGT</i>
<i>SAMSN1</i>	2.25E-61	0.696	5.48E-59	<i>GSTA4</i>
<i>LCPI</i>	2.37E-61	0.696	5.75E-59	<i>MAFG</i>
<i>IL18RAP</i>	2.50E-61	0.696	6.04E-59	<i>TMEM117</i>
<i>SPN</i>	3.15E-61	0.695	7.55E-59	<i>SUN1</i>
<i>WAS</i>	9.37E-61	0.693	2.19E-58	<i>KCTD3</i>
<i>SIT1</i>	1.17E-60	0.693	2.70E-58	<i>TMEM189</i>
<i>NCR1</i>	2.78E-60	0.691	6.28E-58	<i>FAM168B</i>
<i>CIQC</i>	4.96E-60	0.690	1.11E-57	<i>OSBPL2</i>
<i>RASAL3</i>	5.06E-60	0.690	1.13E-57	<i>PXMP4</i>
<i>KIR2DL4</i>	7.80E-60	0.690	1.73E-57	<i>KDM5B</i>
<i>TIFAB</i>	7.99E-60	0.689	1.77E-57	<i>NECAB3</i>
<i>SLA</i>	1.10E-59	0.689	2.40E-57	<i>GID8</i>
<i>EVI2B</i>	1.89E-59	0.688	4.11E-57	<i>SLC41A3</i>
<i>PTPN7</i>	2.33E-59	0.688	5.03E-57	<i>SSI8L1</i>
<i>IRF1</i>	4.14E-59	0.686	8.88E-57	<i>VAPB</i>
<i>HLA-DRA</i>	4.58E-59	0.686	9.80E-57	
<i>CD86</i>	4.61E-59	0.686	9.82E-57	
<i>SELPLG</i>	8.03E-59	0.685	1.70E-56	
<i>CD74</i>	8.78E-59	0.685	1.85E-56	
<i>EVI2A</i>	9.11E-59	0.685	1.91E-56	
<i>STAT4</i>	1.10E-58	0.685	2.31E-56	
<i>IKZF1</i>	1.35E-58	0.684	2.80E-56	
<i>RHOH</i>	1.49E-58	0.684	3.08E-56	

<i>FAM26F</i>	2.07E-58	0.683	4.26E-56
<i>STX11</i>	2.66E-58	0.683	5.42E-56
<i>KLRB1</i>	3.00E-58	0.683	6.10E-56
<i>CST7</i>	9.20E-58	0.681	1.82E-55
<i>IL10RA</i>	1.52E-57	0.680	3.00E-55
<i>GIMAP4</i>	1.54E-57	0.680	3.04E-55
<i>GNGT2</i>	1.98E-57	0.679	3.87E-55
<i>EOMES</i>	2.87E-57	0.678	5.57E-55
<i>KLRC4</i>	3.59E-57	0.678	6.96E-55
<i>LILRB1</i>	3.81E-57	0.678	7.35E-55
<i>LTA</i>	5.44E-57	0.677	1.04E-54
<i>CYTIP</i>	1.31E-56	0.675	2.48E-54
<i>CYTH4</i>	2.20E-56	0.674	4.14E-54
<i>NCF1</i>	2.29E-56	0.674	4.29E-54
<i>ITGB7</i>	2.91E-56	0.674	5.44E-54
<i>I-Sep</i>	4.25E-56	0.673	7.94E-54
<i>HLA-DMB</i>	5.90E-56	0.673	1.08E-53
<i>CYBB</i>	6.76E-56	0.672	1.24E-53
<i>CORO1A</i>	6.76E-56	0.672	1.24E-53
<i>AIFI</i>	1.39E-55	0.671	2.52E-53
<i>TAGAP</i>	1.42E-55	0.671	2.57E-53
<i>PSTPIP1</i>	1.44E-55	0.671	2.59E-53
<i>TARP</i>	1.55E-55	0.671	2.78E-53
<i>PLA2G2D</i>	2.10E-55	0.670	3.71E-53
<i>AOAH</i>	2.29E-55	0.670	4.01E-53
<i>SLAMF1</i>	3.10E-55	0.669	5.43E-53
<i>LILRB4</i>	3.29E-55	0.669	5.74E-53
<i>AIM2</i>	3.37E-55	0.669	5.86E-53
<i>LPXN</i>	4.50E-55	0.669	7.76E-53
<i>SNX20</i>	4.81E-55	0.668	8.27E-53
<i>PLEK</i>	8.40E-55	0.667	1.43E-52
<i>CD69</i>	1.16E-54	0.667	1.97E-52
<i>TLR8</i>	1.25E-54	0.666	2.12E-52
<i>SIGLEC10</i>	1.43E-54	0.666	2.42E-52
<i>KLRC1</i>	1.63E-54	0.666	2.74E-52
<i>TRIM22</i>	2.75E-54	0.665	4.59E-52
<i>LAIR1</i>	4.33E-54	0.664	7.17E-52
<i>CXCL11</i>	8.50E-54	0.663	1.40E-51
<i>HLA-DPA1</i>	1.10E-53	0.662	1.78E-51
<i>WARS</i>	1.22E-53	0.662	1.96E-51
<i>NCKAP1L</i>	1.54E-53	0.661	2.48E-51
<i>ADAMDEC1</i>	1.56E-53	0.661	2.51E-51
<i>CD27</i>	1.80E-53	0.661	2.85E-51
<i>CD274</i>	2.00E-53	0.661	3.17E-51
<i>SLFN12L</i>	2.82E-53	0.660	4.40E-51
<i>HCLS1</i>	3.08E-53	0.660	4.77E-51
<i>TNFAIP8L2</i>	5.65E-53	0.659	8.70E-51
<i>UBE2L6</i>	7.46E-53	0.658	1.14E-50
<i>CD52</i>	9.46E-53	0.658	1.45E-50
<i>ARHGAP25</i>	1.23E-52	0.657	1.87E-50
<i>IGFLR1</i>	1.40E-52	0.657	2.12E-50
<i>CLEC12A</i>	1.70E-52	0.656	2.59E-50
<i>HLA-DPB1</i>	1.74E-52	0.656	2.64E-50
<i>ITGB2</i>	3.98E-52	0.655	5.99E-50
<i>GVINP1</i>	4.83E-52	0.654	7.24E-50
<i>P2RY13</i>	5.75E-52	0.654	8.57E-50

<i>GFII</i>	5.76E-52	0.654	8.58E-50
<i>ARHGAP30</i>	8.18E-52	0.653	1.21E-49
<i>ABI3</i>	8.24E-52	0.653	1.21E-49
<i>IGSF6</i>	1.36E-51	0.652	1.99E-49
<i>ABCD2</i>	2.06E-51	0.651	2.98E-49
<i>GPR65</i>	3.31E-51	0.650	4.78E-49
<i>LY9</i>	3.78E-51	0.650	5.44E-49
<i>MS4A6A</i>	4.49E-51	0.649	6.42E-49
<i>LAP3</i>	6.32E-51	0.649	8.96E-49
<i>TNFRSF9</i>	6.59E-51	0.649	9.33E-49
<i>LAPTM5</i>	9.26E-51	0.648	1.30E-48
<i>DOCK2</i>	1.01E-50	0.648	1.43E-48
<i>FOXP3</i>	1.31E-50	0.647	1.83E-48
<i>CD300LF</i>	1.48E-50	0.647	2.06E-48
<i>IL9R</i>	3.22E-50	0.645	4.43E-48
<i>SCIMP</i>	6.88E-50	0.644	9.42E-48
<i>SRGN</i>	7.26E-50	0.643	9.91E-48
<i>HLA-DOA</i>	8.25E-50	0.643	1.12E-47
<i>CCR2</i>	8.57E-50	0.643	1.17E-47
<i>GMFG</i>	8.61E-50	0.643	1.17E-47
<i>DTHD1</i>	2.60E-49	0.641	3.50E-47
<i>HLA-DQA1</i>	2.71E-49	0.640	3.64E-47
<i>ZNF831</i>	6.03E-49	0.639	8.03E-47
<i>LAX1</i>	7.25E-49	0.638	9.62E-47
<i>LINC00426</i>	8.19E-49	0.638	1.09E-46
<i>CTLA4</i>	1.09E-48	0.637	1.44E-46
<i>MIAT</i>	1.92E-48	0.636	2.52E-46
<i>ST8SIA4</i>	2.64E-48	0.635	3.46E-46
<i>KCNA3</i>	2.67E-48	0.635	3.49E-46
<i>CD84</i>	3.20E-48	0.635	4.17E-46
<i>FCGR3A</i>	6.28E-48	0.633	8.08E-46
<i>SAMD3</i>	7.39E-48	0.633	9.48E-46
<i>CECR1</i>	1.25E-47	0.632	1.58E-45
<i>C19orf38</i>	1.29E-47	0.632	1.64E-45
<i>CIITA</i>	1.34E-47	0.632	1.69E-45
<i>ARHGAP15</i>	1.43E-47	0.632	1.80E-45
<i>FCGR1A</i>	1.90E-47	0.631	2.38E-45
<i>GPR25</i>	2.57E-47	0.630	3.20E-45
<i>FAM78A</i>	2.74E-47	0.630	3.40E-45
<i>CD300A</i>	3.12E-47	0.630	3.86E-45
<i>APOL6</i>	3.33E-47	0.630	4.11E-45
<i>CMKLR1</i>	3.51E-47	0.629	4.32E-45
<i>RAB33A</i>	4.50E-47	0.629	5.51E-45
<i>DOCK10</i>	4.97E-47	0.629	6.05E-45
<i>LSP1</i>	7.05E-47	0.628	8.53E-45
<i>BTN3A1</i>	7.13E-47	0.628	8.61E-45
<i>CXCL13</i>	2.23E-46	0.625	2.67E-44
<i>TTC24</i>	2.78E-46	0.625	3.32E-44
<i>PARVG</i>	6.15E-46	0.623	7.27E-44
<i>NCF1B</i>	7.57E-46	0.622	8.93E-44
<i>CLEC4A</i>	8.25E-46	0.622	9.70E-44
<i>LST1</i>	8.80E-46	0.622	1.03E-43
<i>CCR1</i>	1.14E-45	0.621	1.33E-43
<i>SPI1</i>	1.30E-45	0.621	1.51E-43
<i>C5orf56</i>	7.74E-45	0.617	8.89E-43
<i>NCF1C</i>	1.57E-44	0.615	1.78E-42

<i>CD101</i>	1.58E-44	0.615	1.79E-42
<i>HCK</i>	1.94E-44	0.614	2.19E-42
<i>CLEC7A</i>	2.30E-44	0.614	2.60E-42
<i>DOCK8</i>	2.49E-44	0.614	2.80E-42
<i>FCER1G</i>	3.22E-44	0.613	3.61E-42
<i>CXorf21</i>	4.12E-44	0.613	4.61E-42
<i>BTLA</i>	4.21E-44	0.613	4.69E-42
<i>IRF4</i>	4.81E-44	0.612	5.35E-42
<i>RARRES3</i>	5.58E-44	0.612	6.19E-42
<i>IPCEF1</i>	5.61E-44	0.612	6.21E-42
<i>IKZF3</i>	6.91E-44	0.611	7.60E-42
<i>GPR18</i>	7.06E-44	0.611	7.75E-42
<i>MPEG1</i>	7.23E-44	0.611	7.92E-42
<i>CD200R1</i>	7.70E-44	0.611	8.42E-42
<i>MIR155HG</i>	8.83E-44	0.611	9.65E-42
<i>CD7</i>	1.15E-43	0.610	1.25E-41
<i>TESPA1</i>	1.16E-43	0.610	1.26E-41
<i>AMICA1</i>	1.26E-43	0.610	1.36E-41
<i>SIGLEC7</i>	1.74E-43	0.609	1.88E-41
<i>MMP25</i>	2.91E-43	0.608	3.12E-41
<i>TFEC</i>	2.94E-43	0.608	3.16E-41
<i>CD8B</i>	3.13E-43	0.608	3.35E-41
<i>STAT1</i>	3.56E-43	0.607	3.80E-41
<i>PRKCQ</i>	4.53E-43	0.607	4.81E-41
<i>NFAM1</i>	6.06E-43	0.606	6.40E-41
<i>TMIGD2</i>	6.99E-43	0.606	7.38E-41
<i>GBP2</i>	7.44E-43	0.605	7.82E-41
<i>GIMAP6</i>	8.29E-43	0.605	8.70E-41
<i>DCANPI</i>	8.75E-43	0.605	9.17E-41
<i>LILRB2</i>	1.12E-42	0.604	1.16E-40
<i>HLA-DRB1</i>	2.04E-42	0.603	2.10E-40
<i>DNAJC5B</i>	2.46E-42	0.602	2.53E-40
<i>GAB3</i>	2.95E-42	0.602	3.02E-40
<i>IL16</i>	3.75E-42	0.601	3.84E-40
<i>SIGLEC8</i>	3.92E-42	0.601	4.00E-40
<i>MS4A7</i>	4.35E-42	0.601	4.43E-40
<i>FMNL1</i>	8.19E-42	0.599	8.19E-40
<i>CD80</i>	8.33E-42	0.599	8.31E-40
<i>FPR3</i>	9.76E-42	0.599	9.73E-40
<i>ARHGDB</i>	1.34E-41	0.598	1.32E-39
<i>PIK3R5</i>	1.39E-41	0.598	1.38E-39
<i>LRRC25</i>	1.43E-41	0.598	1.41E-39
<i>WIPF1</i>	1.50E-41	0.598	1.48E-39
<i>RNASE6</i>	2.07E-41	0.597	2.03E-39
<i>GRIN3A</i>	2.26E-41	0.597	2.22E-39
<i>SAMD9L</i>	2.71E-41	0.596	2.64E-39
<i>KLHL6</i>	2.74E-41	0.596	2.67E-39
<i>GIMAP7</i>	5.02E-41	0.595	4.84E-39
<i>FCGR1B</i>	7.39E-41	0.594	7.07E-39
<i>MNDA</i>	7.90E-41	0.593	7.54E-39
<i>IL4II</i>	8.17E-41	0.593	7.79E-39
<i>HLA-DMA</i>	9.00E-41	0.593	8.56E-39
<i>C3AR1</i>	1.04E-40	0.593	9.79E-39
<i>ZNF80</i>	1.64E-40	0.591	1.54E-38
<i>C16orf54</i>	2.39E-40	0.590	2.24E-38
<i>ITGA4</i>	2.45E-40	0.590	2.29E-38

<i>TMEM156</i>	5.71E-40	0.588	5.26E-38
<i>IL15</i>	6.53E-40	0.588	5.98E-38
<i>GPR141</i>	7.28E-40	0.587	6.64E-38
<i>CLEC2B</i>	8.25E-40	0.587	7.51E-38
<i>PSMB9</i>	1.07E-39	0.586	9.67E-38
<i>BTN3A3</i>	1.92E-39	0.585	1.72E-37
<i>CLEC2D</i>	2.36E-39	0.584	2.10E-37
<i>BTK</i>	3.06E-39	0.584	2.72E-37
<i>I-Mar</i>	6.93E-39	0.581	6.07E-37
<i>TNIP3</i>	7.12E-39	0.581	6.23E-37
<i>LGALS17A</i>	7.71E-39	0.581	6.73E-37
<i>TYROBP</i>	7.83E-39	0.581	6.82E-37
<i>PIK3CD</i>	7.91E-39	0.581	6.88E-37
<i>CD37</i>	8.23E-39	0.581	7.15E-37
<i>ICAM1</i>	1.20E-38	0.580	1.04E-36
<i>GIMAP1</i>	1.26E-38	0.580	1.08E-36
<i>TNFSF8</i>	1.26E-38	0.580	1.08E-36
<i>JAK3</i>	1.33E-38	0.580	1.14E-36
<i>CD28</i>	2.98E-38	0.577	2.53E-36
<i>RASGRP1</i>	5.18E-38	0.576	4.37E-36
<i>RGS18</i>	5.37E-38	0.576	4.52E-36
<i>SLC15A3</i>	5.68E-38	0.576	4.77E-36
<i>SIPR4</i>	5.76E-38	0.575	4.83E-36
<i>PCED1B-AS1</i>	7.79E-38	0.575	6.48E-36
<i>CYSLTR2</i>	1.02E-37	0.574	8.44E-36
<i>CCR8</i>	1.11E-37	0.574	9.14E-36
<i>FGR</i>	1.26E-37	0.573	1.03E-35
<i>CD72</i>	1.36E-37	0.573	1.12E-35
<i>NCR3</i>	1.59E-37	0.573	1.30E-35
<i>CARD16</i>	2.01E-37	0.572	1.64E-35
<i>RAC2</i>	2.17E-37	0.572	1.76E-35
<i>CLEC4E</i>	3.23E-37	0.571	2.61E-35
<i>MS4A4A</i>	3.25E-37	0.571	2.62E-35
<i>RGS1</i>	3.52E-37	0.570	2.83E-35
<i>HLA-DQB1</i>	4.49E-37	0.570	3.59E-35
<i>CD209</i>	4.85E-37	0.569	3.86E-35
<i>HLA-E</i>	5.03E-37	0.569	4.00E-35
<i>TAP1</i>	7.48E-37	0.568	5.91E-35
<i>FCGR1C</i>	8.95E-37	0.568	7.06E-35
<i>HAPLN3</i>	1.31E-36	0.567	1.02E-34
<i>SIGLEC1</i>	1.57E-36	0.566	1.22E-34
<i>MEI1</i>	1.75E-36	0.566	1.35E-34
<i>EBI3</i>	1.77E-36	0.566	1.37E-34
<i>CCDC109B</i>	2.37E-36	0.565	1.83E-34
<i>FCGR2A</i>	3.95E-36	0.563	3.02E-34
<i>KLHDC7B</i>	4.03E-36	0.563	3.08E-34
<i>TLR7</i>	4.87E-36	0.563	3.71E-34
<i>CEACAM21</i>	6.13E-36	0.562	4.66E-34
<i>B2M</i>	6.54E-36	0.562	4.96E-34
<i>C1orf162</i>	8.99E-36	0.561	6.76E-34
<i>APOBEC3D</i>	1.37E-35	0.560	1.02E-33
<i>NLRC5</i>	1.48E-35	0.559	1.10E-33
<i>VAV1</i>	1.76E-35	0.559	1.30E-33
<i>SFMBT2</i>	1.84E-35	0.559	1.36E-33
<i>SELL</i>	2.18E-35	0.558	1.61E-33
<i>GIMAP2</i>	2.44E-35	0.558	1.79E-33

<i>RGL4</i>	3.47E-35	0.557	2.54E-33
<i>CD14</i>	3.89E-35	0.557	2.85E-33
<i>APOL2</i>	4.36E-35	0.556	3.18E-33
<i>TMEM140</i>	4.43E-35	0.556	3.22E-33
<i>PLA2G7</i>	4.86E-35	0.556	3.53E-33
<i>CSF2RB</i>	5.05E-35	0.556	3.66E-33
<i>FGD2</i>	5.92E-35	0.555	4.29E-33
<i>PIK3R6</i>	7.06E-35	0.555	5.09E-33
<i>UBD</i>	8.22E-35	0.554	5.91E-33
<i>CD33</i>	8.42E-35	0.554	6.05E-33
<i>SYTL3</i>	1.03E-34	0.554	7.36E-33
<i>PVRIG</i>	1.27E-34	0.553	9.04E-33
<i>TMC8</i>	1.80E-34	0.552	1.28E-32
<i>PIM2</i>	1.95E-34	0.552	1.39E-32
<i>CASP1</i>	2.01E-34	0.552	1.42E-32
<i>CLEC6A</i>	2.25E-34	0.551	1.59E-32
<i>RCSD1</i>	2.27E-34	0.551	1.61E-32
<i>CTSS</i>	2.36E-34	0.551	1.67E-32
<i>NUGGC</i>	2.53E-34	0.551	1.78E-32
<i>PIK3CG</i>	3.19E-34	0.550	2.23E-32
<i>ZBP1</i>	3.26E-34	0.550	2.28E-32
<i>CCL4L1</i>	5.72E-34	0.548	3.98E-32
<i>CD163</i>	1.30E-33	0.546	9.05E-32
<i>BMS1P20</i>	1.36E-33	0.546	9.41E-32
<i>CLECL1</i>	1.48E-33	0.546	1.02E-31
<i>CD40LG</i>	1.67E-33	0.545	1.15E-31
<i>ZBTB32</i>	3.28E-33	0.543	2.24E-31
<i>CAMK4</i>	3.73E-33	0.543	2.53E-31
<i>CCR4</i>	3.99E-33	0.542	2.70E-31
<i>CASS4</i>	5.22E-33	0.542	3.52E-31
<i>P2RX7</i>	5.61E-33	0.541	3.77E-31
<i>ARHGEF6</i>	7.51E-33	0.540	5.03E-31
<i>ZBED2</i>	7.73E-33	0.540	5.17E-31
<i>THEMIS2</i>	1.03E-32	0.539	6.83E-31
<i>FCRL3</i>	1.04E-32	0.539	6.92E-31
<i>HLA-DOB</i>	1.26E-32	0.539	8.28E-31
<i>CLEC10A</i>	1.54E-32	0.538	1.01E-30
<i>EPST11</i>	1.64E-32	0.538	1.08E-30
<i>TNFSF14</i>	1.73E-32	0.538	1.13E-30
<i>FUT7</i>	1.90E-32	0.538	1.25E-30
<i>CSF1R</i>	1.99E-32	0.537	1.30E-30
<i>NCF4</i>	2.07E-32	0.537	1.35E-30
<i>TYMP</i>	2.12E-32	0.537	1.38E-30
<i>IFIT3</i>	2.51E-32	0.537	1.63E-30
<i>CD5</i>	2.52E-32	0.537	1.63E-30
<i>PPP1R16B</i>	2.72E-32	0.536	1.76E-30
<i>GPSM3</i>	4.33E-32	0.535	2.78E-30
<i>ADAP2</i>	4.56E-32	0.535	2.92E-30
<i>VCAM1</i>	4.65E-32	0.535	2.97E-30
<i>RTP5</i>	4.99E-32	0.534	3.18E-30
<i>FGL2</i>	5.17E-32	0.534	3.30E-30
<i>SIGLEC9</i>	5.41E-32	0.534	3.45E-30
<i>FAS</i>	7.75E-32	0.533	4.92E-30
<i>TNFRSF17</i>	9.50E-32	0.532	6.02E-30
<i>FCGR2B</i>	1.03E-31	0.532	6.51E-30
<i>MZB1</i>	1.33E-31	0.531	8.34E-30

<i>BCL2A1</i>	1.40E-31	0.531	8.75E-30
<i>CD180</i>	1.92E-31	0.530	1.20E-29
<i>NCF2</i>	2.11E-31	0.530	1.31E-29
<i>TNFAIP8</i>	2.41E-31	0.529	1.49E-29
<i>SLC31A2</i>	2.86E-31	0.529	1.77E-29
<i>KIR3DL2</i>	3.00E-31	0.529	1.85E-29
<i>LCK</i>	3.83E-31	0.528	2.35E-29
<i>TRAFD1</i>	3.85E-31	0.528	2.37E-29
<i>SLC2A5</i>	3.88E-31	0.528	2.38E-29
<i>FCRL5</i>	4.00E-31	0.528	2.45E-29
<i>GLIPR2</i>	4.67E-31	0.527	2.86E-29
<i>MATK</i>	5.19E-31	0.527	3.16E-29
<i>PILRA</i>	6.26E-31	0.526	3.79E-29
<i>SAMHD1</i>	9.02E-31	0.525	5.42E-29
<i>XCR1</i>	9.53E-31	0.525	5.72E-29
<i>BTN2A2</i>	1.04E-30	0.524	6.25E-29
<i>LOC606724</i>	1.25E-30	0.524	7.48E-29
<i>KMO</i>	1.41E-30	0.524	8.38E-29
<i>ALOX5AP</i>	1.89E-30	0.523	1.12E-28
<i>GIMAP8</i>	1.96E-30	0.522	1.15E-28
<i>GPR183</i>	2.05E-30	0.522	1.21E-28
<i>FCGR2C</i>	2.47E-30	0.522	1.45E-28
<i>VAMP5</i>	4.61E-30	0.520	2.68E-28
<i>GPR82</i>	4.75E-30	0.519	2.75E-28
<i>PSME1</i>	5.14E-30	0.519	2.97E-28
<i>HK3</i>	5.51E-30	0.519	3.19E-28
<i>CYLD</i>	6.36E-30	0.518	3.66E-28
<i>IFI16</i>	7.03E-30	0.518	4.04E-28
<i>PRKCB</i>	7.07E-30	0.518	4.05E-28
<i>AKNA</i>	7.60E-30	0.518	4.36E-28
<i>SP110</i>	7.99E-30	0.518	4.57E-28
<i>SCML4</i>	9.78E-30	0.517	5.58E-28
<i>NUB1</i>	1.09E-29	0.517	6.20E-28
<i>FLII</i>	1.63E-29	0.515	9.20E-28
<i>PRAM1</i>	2.44E-29	0.514	1.36E-27
<i>ATP8B4</i>	3.29E-29	0.513	1.83E-27
<i>WDFY4</i>	3.54E-29	0.513	1.96E-27
<i>HVCN1</i>	4.60E-29	0.512	2.54E-27
<i>PDE4B</i>	5.72E-29	0.511	3.15E-27
<i>LAT2</i>	6.71E-29	0.510	3.69E-27
<i>ITGAX</i>	8.72E-29	0.509	4.77E-27
<i>EVL</i>	9.22E-29	0.509	5.04E-27
<i>LY96</i>	1.15E-28	0.508	6.28E-27
<i>CCR7</i>	1.48E-28	0.508	8.01E-27
<i>CLEC9A</i>	1.58E-28	0.507	8.54E-27
<i>LY86</i>	1.64E-28	0.507	8.86E-27
<i>TLR1</i>	1.74E-28	0.507	9.39E-27
<i>GNG2</i>	2.53E-28	0.506	1.36E-26
<i>CTSC</i>	4.75E-28	0.503	2.52E-26
<i>GPR34</i>	5.12E-28	0.503	2.71E-26
<i>HLA-DQB2</i>	6.60E-28	0.502	3.47E-26
<i>CYSLTR1</i>	9.85E-28	0.501	5.15E-26
<i>NLRC4</i>	1.01E-27	0.501	5.28E-26
<i>ADGRE2</i>	1.02E-27	0.501	5.30E-26
<i>UBA7</i>	1.26E-27	0.500	6.53E-26
<i>PREX1</i>	1.38E-27	0.500	7.13E-26

<i>MAFB</i>	1.39E-27	0.500	7.18E-26
<i>DPYD</i>	1.40E-27	0.500	7.25E-26
<i>CD1D</i>	1.55E-27	0.499	8.01E-26
<i>TRIM21</i>	1.63E-27	0.499	8.39E-26
<i>DPEP2</i>	1.66E-27	0.499	8.53E-26
<i>PNOC</i>	1.76E-27	0.499	9.06E-26
<i>MSR1</i>	2.05E-27	0.498	1.05E-25
<i>TNFRSF1B</i>	3.05E-27	0.497	1.54E-25
<i>ETV7</i>	3.22E-27	0.497	1.63E-25
<i>TRAF1</i>	3.76E-27	0.496	1.90E-25
<i>TAP2</i>	3.88E-27	0.496	1.96E-25
<i>PLCB2</i>	3.90E-27	0.496	1.97E-25
<i>DOK3</i>	6.95E-27	0.494	3.48E-25
<i>IL7R</i>	7.32E-27	0.494	3.65E-25
<i>VSIG4</i>	7.69E-27	0.493	3.84E-25
<i>CSF2RA</i>	1.02E-26	0.492	5.04E-25
<i>LAT</i>	1.02E-26	0.492	5.07E-25
<i>PSMB10</i>	1.45E-26	0.491	7.14E-25
<i>PSME2</i>	1.55E-26	0.491	7.61E-25
<i>LAMP3</i>	1.57E-26	0.491	7.69E-25
<i>AGAP2</i>	2.03E-26	0.490	9.91E-25
<i>GATA3</i>	2.07E-26	0.490	1.01E-24
<i>P2RY8</i>	2.14E-26	0.490	1.04E-24
<i>SLCIA3</i>	2.26E-26	0.489	1.10E-24
<i>IDO2</i>	2.45E-26	0.489	1.19E-24
<i>BTN3A2</i>	2.94E-26	0.488	1.43E-24
<i>STAT2</i>	2.98E-26	0.488	1.44E-24
<i>IFI30</i>	3.15E-26	0.488	1.52E-24
<i>TCAF2</i>	3.16E-26	0.488	1.53E-24
<i>KIAA0125</i>	3.22E-26	0.488	1.55E-24
<i>FERMT3</i>	3.24E-26	0.488	1.56E-24
<i>CEACAM4</i>	3.32E-26	0.488	1.60E-24
<i>ADAM6</i>	3.48E-26	0.488	1.67E-24
<i>ANKRD44</i>	3.86E-26	0.487	1.85E-24
<i>GGTA1P</i>	4.75E-26	0.487	2.27E-24
<i>FAM49A</i>	4.89E-26	0.486	2.33E-24
<i>DRAM1</i>	5.60E-26	0.486	2.67E-24
<i>ICAM3</i>	5.86E-26	0.486	2.79E-24
<i>IL21</i>	6.11E-26	0.486	2.90E-24
<i>ADGRE1</i>	6.37E-26	0.485	3.02E-24
<i>FLT3LG</i>	8.02E-26	0.485	3.80E-24
<i>PLEKHO2</i>	9.15E-26	0.484	4.33E-24
<i>HLA-DRB5</i>	1.17E-25	0.483	5.50E-24
<i>NAPSB</i>	1.49E-25	0.482	6.96E-24
<i>RUNX3</i>	1.53E-25	0.482	7.16E-24
<i>ACP5</i>	1.58E-25	0.482	7.41E-24
<i>MEFV</i>	1.84E-25	0.481	8.58E-24
<i>CELF2</i>	1.91E-25	0.481	8.91E-24
<i>CCL8</i>	1.92E-25	0.481	8.93E-24
<i>KLRC2</i>	1.92E-25	0.481	8.93E-24
<i>JAK2</i>	2.38E-25	0.480	1.10E-23
<i>DENND1C</i>	2.63E-25	0.480	1.22E-23
<i>IL2RG</i>	2.99E-25	0.480	1.38E-23
<i>ADORA3</i>	3.01E-25	0.480	1.38E-23
<i>SPI00</i>	3.26E-25	0.479	1.50E-23
<i>HMHA1</i>	3.27E-25	0.479	1.50E-23

<i>BATF2</i>	3.83E-25	0.479	1.75E-23
<i>BATF3</i>	4.45E-25	0.478	2.03E-23
<i>IFITM1</i>	4.68E-25	0.478	2.13E-23
<i>KCNJ10</i>	5.27E-25	0.477	2.40E-23
<i>MRC1</i>	5.67E-25	0.477	2.57E-23
<i>CD79A</i>	6.02E-25	0.477	2.72E-23
<i>CR1</i>	7.79E-25	0.476	3.52E-23
<i>TNFRSF8</i>	9.11E-25	0.475	4.10E-23
<i>CD300C</i>	9.80E-25	0.475	4.41E-23
<i>TNFRSF4</i>	1.04E-24	0.475	4.66E-23
<i>C10orf128</i>	1.20E-24	0.474	5.35E-23
<i>SIGLEC5</i>	1.21E-24	0.474	5.41E-23
<i>APOL1</i>	1.24E-24	0.474	5.55E-23
<i>XAF1</i>	1.30E-24	0.474	5.80E-23
<i>LILRB3</i>	1.34E-24	0.474	5.98E-23
<i>CCL3</i>	1.59E-24	0.473	7.07E-23
<i>PPP2R2B</i>	1.78E-24	0.473	7.91E-23
<i>LILRB5</i>	1.97E-24	0.472	8.70E-23
<i>IL15RA</i>	1.98E-24	0.472	8.74E-23
<i>MILR1</i>	2.78E-24	0.471	1.22E-22
<i>KCNK13</i>	3.46E-24	0.470	1.51E-22
<i>SIRPB2</i>	3.98E-24	0.469	1.74E-22
<i>SERPING1</i>	4.09E-24	0.469	1.78E-22
<i>IL27</i>	4.66E-24	0.469	2.02E-22
<i>SH2D1B</i>	5.00E-24	0.468	2.17E-22
<i>NRROS</i>	5.22E-24	0.468	2.26E-22
<i>ITGAM</i>	5.83E-24	0.468	2.52E-22
<i>P2RY12</i>	6.17E-24	0.468	2.66E-22
<i>AKAP5</i>	7.19E-24	0.467	3.10E-22
<i>PTGDR</i>	7.19E-24	0.467	3.10E-22
<i>CXCR4</i>	8.11E-24	0.467	3.48E-22
<i>ITM2A</i>	9.37E-24	0.466	4.01E-22
<i>APOE</i>	1.01E-23	0.466	4.29E-22
<i>HLA-DPB2</i>	1.20E-23	0.465	5.12E-22
<i>IL10</i>	1.24E-23	0.465	5.26E-22
<i>GPR132</i>	1.25E-23	0.465	5.32E-22
<i>PARP9</i>	1.39E-23	0.464	5.89E-22
<i>BIRC3</i>	1.45E-23	0.464	6.12E-22
<i>APOC1</i>	1.47E-23	0.464	6.20E-22
<i>IL12B</i>	1.60E-23	0.464	6.75E-22
<i>CCL22</i>	1.70E-23	0.464	7.16E-22
<i>FCMR</i>	1.81E-23	0.463	7.59E-22
<i>ETS1</i>	2.02E-23	0.463	8.48E-22
<i>APOBEC3C</i>	2.08E-23	0.463	8.72E-22
<i>JCHAIN</i>	2.15E-23	0.463	8.98E-22
<i>CD83</i>	2.15E-23	0.463	8.99E-22
<i>SNX10</i>	2.46E-23	0.462	1.03E-21
<i>IFI35</i>	2.49E-23	0.462	1.04E-21
<i>BST2</i>	3.05E-23	0.461	1.27E-21
<i>GJD3</i>	3.23E-23	0.461	1.34E-21
<i>CSF3R</i>	3.26E-23	0.461	1.35E-21
<i>TMEM106A</i>	3.48E-23	0.461	1.44E-21
<i>ITGAD</i>	3.66E-23	0.460	1.52E-21
<i>PARP14</i>	3.75E-23	0.460	1.55E-21
<i>TNFAIP3</i>	4.01E-23	0.460	1.66E-21
<i>RGS10</i>	4.79E-23	0.459	1.97E-21

<i>GM2A</i>	5.34E-23	0.459	2.19E-21
<i>STK17B</i>	6.09E-23	0.458	2.49E-21
<i>LILRA1</i>	6.87E-23	0.458	2.80E-21
<i>NLRP3</i>	6.94E-23	0.458	2.83E-21
<i>IL32</i>	7.33E-23	0.458	2.99E-21
<i>CDC42SE2</i>	7.80E-23	0.457	3.17E-21
<i>OAS2</i>	9.20E-23	0.457	3.73E-21
<i>SLC25A53</i>	9.26E-23	0.457	3.75E-21
<i>FGD3</i>	9.77E-23	0.456	3.96E-21
<i>C9orf139</i>	1.00E-22	0.456	4.05E-21
<i>SOCS1</i>	1.16E-22	0.456	4.67E-21
<i>NECAP2</i>	1.49E-22	0.455	5.96E-21
<i>IFIT2</i>	1.69E-22	0.454	6.77E-21
<i>STAT5A</i>	2.06E-22	0.453	8.17E-21
<i>CLIC2</i>	2.68E-22	0.452	1.06E-20
<i>SMAP2</i>	2.86E-22	0.452	1.13E-20
<i>TREM2</i>	2.98E-22	0.452	1.18E-20
<i>FAM65B</i>	3.47E-22	0.451	1.37E-20
<i>CD40</i>	4.14E-22	0.450	1.63E-20
<i>CSF1</i>	5.00E-22	0.449	1.95E-20
<i>IFIT5</i>	5.04E-22	0.449	1.97E-20
<i>KIR3DL1</i>	5.17E-22	0.449	2.02E-20
<i>IFIH1</i>	5.39E-22	0.449	2.10E-20
<i>LOC154761</i>	5.44E-22	0.449	2.12E-20
<i>PIK3CD-AS1</i>	5.82E-22	0.449	2.27E-20
<i>PRDM1</i>	6.31E-22	0.448	2.45E-20
<i>KIR2DS4</i>	7.02E-22	0.448	2.72E-20
<i>KIR2DL3</i>	8.54E-22	0.447	3.30E-20
<i>SH2D2A</i>	8.60E-22	0.447	3.32E-20
<i>OSCAR</i>	8.67E-22	0.447	3.34E-20
<i>POU2AF1</i>	8.71E-22	0.447	3.36E-20
<i>6-Sep</i>	9.35E-22	0.447	3.59E-20
<i>RASSF5</i>	1.25E-21	0.446	4.76E-20
<i>FCRL2</i>	1.40E-21	0.445	5.31E-20
<i>LINC00158</i>	1.65E-21	0.444	6.25E-20
<i>KLRG1</i>	1.76E-21	0.444	6.65E-20
<i>CD79B</i>	1.78E-21	0.444	6.72E-20
<i>LILRA5</i>	1.82E-21	0.444	6.87E-20
<i>FLT3</i>	3.11E-21	0.442	1.16E-19
<i>GPR84</i>	3.19E-21	0.441	1.19E-19
<i>TLR6</i>	5.90E-21	0.439	2.19E-19
<i>LGALS9</i>	7.64E-21	0.438	2.82E-19
<i>LINC01550</i>	7.72E-21	0.438	2.85E-19
<i>C5orf15</i>	7.89E-21	0.437	2.91E-19
<i>RNF213</i>	8.99E-21	0.437	3.31E-19
<i>PTCRA</i>	1.10E-20	0.436	4.02E-19
<i>TSHR</i>	1.26E-20	0.435	4.60E-19
<i>DERL3</i>	1.27E-20	0.435	4.62E-19
<i>C1orf54</i>	1.39E-20	0.435	5.05E-19
<i>ST3GAL5</i>	1.43E-20	0.435	5.19E-19
<i>SECTM1</i>	1.45E-20	0.435	5.28E-19
<i>MAX</i>	1.52E-20	0.435	5.49E-19
<i>NPL</i>	1.69E-20	0.434	6.13E-19
<i>SH2B3</i>	1.76E-20	0.434	6.35E-19
<i>LIPA</i>	1.88E-20	0.434	6.78E-19
<i>TCN2</i>	2.18E-20	0.433	7.85E-19

<i>NELL2</i>	2.21E-20	0.433	7.95E-19
<i>S100B</i>	2.32E-20	0.433	8.34E-19
<i>FCRL4</i>	2.37E-20	0.433	8.51E-19
<i>APOBR</i>	2.40E-20	0.433	8.61E-19
<i>LRMP</i>	2.44E-20	0.432	8.72E-19
<i>CCL19</i>	2.46E-20	0.432	8.80E-19
<i>LILRA6</i>	2.54E-20	0.432	9.09E-19
<i>STAC3</i>	2.83E-20	0.432	1.01E-18
<i>PDE6G</i>	3.05E-20	0.431	1.09E-18
<i>TNFSF10</i>	3.12E-20	0.431	1.11E-18
<i>IL12RB2</i>	3.43E-20	0.431	1.22E-18
<i>CASP4</i>	4.24E-20	0.430	1.50E-18
<i>HTRA4</i>	4.70E-20	0.429	1.65E-18
<i>FAM20A</i>	5.48E-20	0.429	1.92E-18
<i>SLC9A9</i>	5.49E-20	0.429	1.93E-18
<i>NAIP</i>	5.52E-20	0.429	1.93E-18
<i>TLR4</i>	6.80E-20	0.428	2.37E-18
<i>DTX3L</i>	7.88E-20	0.427	2.74E-18
<i>TMEM71</i>	7.97E-20	0.427	2.77E-18
<i>CFP</i>	8.08E-20	0.427	2.80E-18
<i>ADORA2A</i>	8.89E-20	0.427	3.08E-18
<i>PML</i>	1.01E-19	0.426	3.50E-18
<i>FPR1</i>	1.05E-19	0.426	3.63E-18
<i>FOLR2</i>	1.10E-19	0.426	3.81E-18
<i>MSN</i>	1.12E-19	0.425	3.86E-18
<i>HLA-DQA2</i>	1.14E-19	0.425	3.92E-18
<i>GPR55</i>	1.20E-19	0.425	4.14E-18
<i>ESR1</i>	1.33E-19	0.425	4.57E-18
<i>RUFY4</i>	1.42E-19	0.424	4.85E-18
<i>ARRDC5</i>	1.43E-19	0.424	4.90E-18
<i>IRF2</i>	1.55E-19	0.424	5.29E-18
<i>BCL2</i>	1.93E-19	0.423	6.55E-18
<i>MICB</i>	2.12E-19	0.423	7.19E-18
<i>LILRA4</i>	2.25E-19	0.422	7.62E-18
<i>CLNK</i>	2.26E-19	0.422	7.66E-18
<i>IFI44L</i>	2.53E-19	0.422	8.56E-18
<i>C5AR1</i>	2.85E-19	0.421	9.59E-18
<i>SIGLEC11</i>	3.03E-19	0.421	1.02E-17
<i>SMTNL1</i>	3.79E-19	0.420	1.28E-17
<i>NMI</i>	3.94E-19	0.420	1.32E-17
<i>TIFA</i>	4.17E-19	0.419	1.40E-17
<i>FAM179A</i>	4.19E-19	0.419	1.40E-17
<i>TNFSF4</i>	4.21E-19	0.419	1.41E-17
<i>HLA-F</i>	4.35E-19	0.419	1.46E-17
<i>PLEKHO1</i>	4.85E-19	0.419	1.62E-17
<i>DHX58</i>	4.97E-19	0.419	1.66E-17
<i>PSMB8</i>	5.27E-19	0.418	1.76E-17
<i>TMEM155</i>	5.43E-19	0.418	1.81E-17
<i>CCL13</i>	6.10E-19	0.418	2.03E-17
<i>TLR10</i>	6.11E-19	0.418	2.03E-17
<i>GPNMB</i>	7.81E-19	0.416	2.58E-17
<i>STAB1</i>	9.06E-19	0.416	2.99E-17
<i>SDS</i>	1.03E-18	0.415	3.40E-17
<i>PLXNC1</i>	1.07E-18	0.415	3.52E-17
<i>CCL18</i>	1.33E-18	0.414	4.35E-17
<i>CD1B</i>	1.38E-18	0.414	4.50E-17

<i>SLCO2B1</i>	1.46E-18	0.413	4.74E-17
<i>FAM46C</i>	1.55E-18	0.413	5.04E-17
<i>TMEM229B</i>	1.57E-18	0.413	5.10E-17
<i>STAPI</i>	1.64E-18	0.413	5.34E-17
<i>SUCNR1</i>	1.66E-18	0.413	5.38E-17
<i>CX3CL1</i>	1.77E-18	0.412	5.72E-17
<i>TNFRSF18</i>	1.92E-18	0.412	6.21E-17
<i>CHST11</i>	3.18E-18	0.410	1.01E-16
<i>HSD11B1</i>	3.55E-18	0.409	1.13E-16
<i>PARP15</i>	3.57E-18	0.409	1.13E-16
<i>ODF3B</i>	3.60E-18	0.409	1.14E-16
<i>PRKCH</i>	3.70E-18	0.409	1.17E-16
<i>STK10</i>	3.90E-18	0.409	1.23E-16
<i>TNFRSF13B</i>	4.12E-18	0.408	1.30E-16
<i>CIS</i>	4.17E-18	0.408	1.31E-16
<i>ZEB2</i>	4.21E-18	0.408	1.33E-16
<i>RAB8B</i>	4.65E-18	0.408	1.46E-16
<i>RSAD2</i>	4.80E-18	0.408	1.50E-16
<i>S1PR2</i>	4.86E-18	0.408	1.52E-16
<i>RTN1</i>	5.01E-18	0.407	1.57E-16
<i>TM6SF1</i>	5.49E-18	0.407	1.72E-16
<i>PTPN6</i>	5.55E-18	0.407	1.73E-16
<i>KIR3DX1</i>	6.34E-18	0.406	1.97E-16
<i>HPS5</i>	7.48E-18	0.405	2.32E-16
<i>FCRLA</i>	7.72E-18	0.405	2.39E-16
<i>FCN1</i>	7.99E-18	0.405	2.47E-16
<i>RNF19B</i>	8.64E-18	0.405	2.67E-16
<i>DPF3</i>	8.68E-18	0.405	2.68E-16
<i>FRMD3</i>	8.71E-18	0.405	2.68E-16
<i>PTAFR</i>	9.33E-18	0.404	2.87E-16
<i>CXCR5</i>	9.77E-18	0.404	3.00E-16
<i>IFFO1</i>	1.00E-17	0.404	3.07E-16
<i>C15orf53</i>	1.02E-17	0.404	3.12E-16
<i>SPOCK2</i>	1.11E-17	0.404	3.39E-16
<i>C1R</i>	1.46E-17	0.402	4.42E-16
<i>IL22RA2</i>	1.55E-17	0.402	4.71E-16
<i>ANKRD36BP2</i>	1.80E-17	0.401	5.45E-16
<i>PCED1B</i>	1.91E-17	0.401	5.79E-16
<i>PIK3API</i>	2.12E-17	0.400	6.41E-16
<i>HLA-B</i>	2.24E-17	0.400	6.76E-16
<i>ERAPI</i>	2.31E-17	0.400	6.99E-16
<i>GAL3ST4</i>	2.41E-17	0.400	7.28E-16
<i>MPP1</i>	2.49E-17	0.399	7.51E-16
<i>ACSM5</i>	2.49E-17	0.399	7.51E-16
<i>DEF6</i>	2.73E-17	0.399	8.20E-16
<i>MS4A14</i>	3.15E-17	0.398	9.47E-16
<i>HS3ST3B1</i>	3.39E-17	0.398	1.02E-15
<i>RASSF4</i>	3.43E-17	0.398	1.03E-15
<i>IRF8</i>	3.60E-17	0.398	1.08E-15
<i>GAPT</i>	3.92E-17	0.397	1.17E-15
<i>MS4A1</i>	4.57E-17	0.396	1.36E-15
<i>KIAA1618</i>	4.65E-17	0.396	1.38E-15
<i>CMAHP</i>	4.68E-17	0.396	1.39E-15
<i>ACKR4</i>	4.78E-17	0.396	1.42E-15
<i>SOWAHD</i>	4.83E-17	0.396	1.43E-15
<i>RASGRP4</i>	5.36E-17	0.396	1.59E-15

<i>APOBEC3F</i>	5.47E-17	0.395	1.61E-15
<i>RLTPR</i>	5.61E-17	0.395	1.65E-15
<i>TAPBP</i>	6.54E-17	0.395	1.92E-15
<i>KLRF1</i>	6.81E-17	0.394	2.00E-15
<i>TRIM69</i>	6.89E-17	0.394	2.02E-15
<i>LACTB</i>	7.13E-17	0.394	2.09E-15
<i>CLEC4D</i>	7.67E-17	0.394	2.24E-15
<i>RASGRP3</i>	7.98E-17	0.394	2.33E-15
<i>RAB39B</i>	8.39E-17	0.393	2.44E-15
<i>LTB</i>	8.80E-17	0.393	2.56E-15
<i>TRANK1</i>	9.08E-17	0.393	2.64E-15
<i>SLFN5</i>	9.65E-17	0.393	2.80E-15
<i>TRPV2</i>	1.03E-16	0.392	2.99E-15
<i>RTP4</i>	1.12E-16	0.392	3.22E-15
<i>RNF166</i>	1.18E-16	0.392	3.41E-15
<i>NFKB1</i>	1.21E-16	0.391	3.48E-15
<i>GYPC</i>	1.24E-16	0.391	3.58E-15
<i>PIP4K2A</i>	1.53E-16	0.390	4.37E-15
<i>ALOX15B</i>	1.71E-16	0.390	4.87E-15
<i>TLR3</i>	1.74E-16	0.390	4.94E-15
<i>CFH</i>	1.88E-16	0.389	5.34E-15
<i>FAM159A</i>	2.42E-16	0.388	6.82E-15
<i>SUSD3</i>	3.32E-16	0.386	9.29E-15
<i>BHLHE22</i>	3.65E-16	0.386	1.02E-14
<i>LRRK2</i>	3.88E-16	0.385	1.08E-14
<i>KIR2DL1</i>	4.06E-16	0.385	1.13E-14
<i>MGC12916</i>	4.29E-16	0.385	1.19E-14
<i>DAPP1</i>	4.66E-16	0.384	1.29E-14
<i>PATL2</i>	4.87E-16	0.384	1.35E-14
<i>CD68</i>	5.14E-16	0.384	1.42E-14
<i>C4orf50</i>	5.80E-16	0.383	1.60E-14
<i>HSD3B7</i>	5.84E-16	0.383	1.61E-14
<i>HRH2</i>	5.85E-16	0.383	1.61E-14
<i>CD19</i>	5.90E-16	0.383	1.63E-14
<i>DBH</i>	7.59E-16	0.382	2.08E-14
<i>HLA-C</i>	9.00E-16	0.381	2.46E-14
<i>LRRC8C</i>	9.07E-16	0.381	2.48E-14
<i>APOL4</i>	1.09E-15	0.380	2.96E-14
<i>CEP120</i>	1.14E-15	0.380	3.10E-14
<i>LOC374443</i>	1.15E-15	0.380	3.11E-14
<i>PPM1M</i>	1.15E-15	0.380	3.12E-14
<i>HEATR9</i>	1.15E-15	0.380	3.13E-14
<i>SLC24A4</i>	1.22E-15	0.379	3.30E-14
<i>APBB1IP</i>	1.31E-15	0.379	3.54E-14
<i>RASGEF1B</i>	1.31E-15	0.379	3.56E-14
<i>PPP1R18</i>	1.48E-15	0.378	4.00E-14
<i>CTSO</i>	1.52E-15	0.378	4.09E-14
<i>MGAT1</i>	1.53E-15	0.378	4.13E-14
<i>SNAI3</i>	1.68E-15	0.377	4.50E-14
<i>MAT2B</i>	2.11E-15	0.376	5.63E-14
<i>GPR31</i>	2.34E-15	0.376	6.21E-14
<i>TAPBPL</i>	2.52E-15	0.375	6.69E-14
<i>UBASH3B</i>	3.13E-15	0.374	8.27E-14
<i>ENTHD1</i>	3.23E-15	0.374	8.53E-14
<i>LINC00925</i>	3.54E-15	0.373	9.33E-14
<i>FMNL3</i>	3.61E-15	0.373	9.51E-14

<i>KCNN3</i>	3.77E-15	0.373	9.91E-14
<i>EPB41L3</i>	3.92E-15	0.373	1.03E-13
<i>CRYBB1</i>	4.25E-15	0.372	1.11E-13
<i>RILPL2</i>	4.44E-15	0.372	1.16E-13
<i>CD163L1</i>	4.96E-15	0.372	1.29E-13
<i>GPR68</i>	5.38E-15	0.371	1.40E-13
<i>CFLAR</i>	5.84E-15	0.371	1.51E-13
<i>CD70</i>	5.85E-15	0.371	1.52E-13
<i>CD1E</i>	5.89E-15	0.371	1.53E-13
<i>USP18</i>	5.99E-15	0.370	1.55E-13
<i>FCHSD2</i>	6.49E-15	0.370	1.67E-13
<i>TMEM52B</i>	6.90E-15	0.370	1.77E-13
<i>C3</i>	6.95E-15	0.370	1.79E-13
<i>CEBPE</i>	7.27E-15	0.369	1.87E-13
<i>ADAM19</i>	7.77E-15	0.369	1.99E-13
<i>LIMD2</i>	8.75E-15	0.368	2.24E-13
<i>BEND4</i>	8.80E-15	0.368	2.25E-13
<i>NINJI</i>	8.90E-15	0.368	2.27E-13
<i>MCOLN2</i>	1.16E-14	0.367	2.94E-13
<i>RHOG</i>	1.21E-14	0.367	3.05E-13
<i>XRN1</i>	1.30E-14	0.366	3.27E-13
<i>CCL17</i>	1.30E-14	0.366	3.27E-13
<i>RASSF2</i>	1.31E-14	0.366	3.30E-13
<i>CHIT1</i>	1.39E-14	0.366	3.48E-13
<i>TOX2</i>	1.39E-14	0.366	3.50E-13
<i>NR1H3</i>	1.42E-14	0.366	3.56E-13
<i>MFNG</i>	1.68E-14	0.365	4.19E-13
<i>IL27RA</i>	1.89E-14	0.364	4.70E-13
<i>SIRPD</i>	1.97E-14	0.364	4.91E-13
<i>ASPHD2</i>	2.03E-14	0.364	5.06E-13
<i>SERPINB9</i>	2.04E-14	0.364	5.08E-13
<i>IL18R1</i>	2.18E-14	0.363	5.40E-13
<i>CPNE5</i>	2.20E-14	0.363	5.44E-13
<i>PARP8</i>	2.57E-14	0.362	6.35E-13
<i>DNASE2</i>	2.59E-14	0.362	6.38E-13
<i>RNF122</i>	2.63E-14	0.362	6.47E-13
<i>IFI44</i>	2.73E-14	0.362	6.71E-13
<i>TIMD4</i>	2.83E-14	0.362	6.97E-13
<i>GLIPR1</i>	2.84E-14	0.362	6.98E-13
<i>BFSP2</i>	2.88E-14	0.362	7.08E-13
<i>SH2D3C</i>	3.29E-14	0.361	8.03E-13
<i>LHFPL2</i>	3.35E-14	0.361	8.17E-13
<i>LGMN</i>	3.78E-14	0.360	9.19E-13
<i>CYFIP2</i>	4.66E-14	0.359	1.13E-12
<i>ANKRD32</i>	4.74E-14	0.359	1.15E-12
<i>ST8SIA1</i>	4.95E-14	0.359	1.20E-12
<i>MDFIC</i>	5.26E-14	0.358	1.27E-12
<i>P2RY14</i>	5.48E-14	0.358	1.32E-12
<i>GIT2</i>	5.71E-14	0.358	1.37E-12
<i>OASL</i>	6.07E-14	0.357	1.46E-12
<i>RFTN1</i>	6.34E-14	0.357	1.52E-12
<i>AMPD1</i>	6.65E-14	0.357	1.59E-12
<i>ATP6V1B2</i>	7.67E-14	0.356	1.83E-12
<i>POU2F2</i>	8.15E-14	0.356	1.93E-12
<i>RAB39A</i>	8.65E-14	0.355	2.04E-12
<i>COTL1</i>	8.66E-14	0.355	2.04E-12

<i>LYN</i>	9.29E-14	0.355	2.19E-12
<i>OPTN</i>	9.85E-14	0.354	2.32E-12
<i>FGFBP2</i>	1.02E-13	0.354	2.40E-12
<i>DDX60</i>	1.13E-13	0.354	2.64E-12
<i>YWHAH</i>	1.34E-13	0.353	3.13E-12
<i>TRIM5</i>	1.39E-13	0.352	3.23E-12
<i>FCRL1</i>	1.43E-13	0.352	3.31E-12
<i>WISPI</i>	1.58E-13	0.352	3.64E-12
<i>GNB4</i>	1.59E-13	0.352	3.68E-12
<i>SLC25A28</i>	1.65E-13	0.351	3.82E-12
<i>HLA-A</i>	1.71E-13	0.351	3.93E-12
<i>AMZ1</i>	1.94E-13	0.350	4.45E-12
<i>NTRK1</i>	2.01E-13	0.350	4.59E-12
<i>OTOA</i>	2.02E-13	0.350	4.62E-12
<i>TNFRSF14</i>	2.17E-13	0.350	4.96E-12
<i>ZNF804A</i>	2.26E-13	0.350	5.16E-12
<i>C19orf35</i>	2.37E-13	0.349	5.39E-12
<i>CHST2</i>	2.53E-13	0.349	5.77E-12
<i>DUSP2</i>	2.54E-13	0.349	5.78E-12
<i>FKBP5</i>	2.82E-13	0.348	6.39E-12
<i>P2RX5</i>	3.37E-13	0.347	7.59E-12
<i>BASPI</i>	3.39E-13	0.347	7.65E-12
<i>PPP3CC</i>	3.44E-13	0.347	7.76E-12
<i>ENPP2</i>	3.82E-13	0.346	8.56E-12
<i>CMPK2</i>	4.07E-13	0.346	9.10E-12
<i>LILRA2</i>	4.18E-13	0.346	9.35E-12
<i>PLD3</i>	4.19E-13	0.346	9.36E-12
<i>SIRPB1</i>	4.65E-13	0.345	1.04E-11
<i>MYO9B</i>	4.73E-13	0.345	1.05E-11
<i>ARHGAP31</i>	4.97E-13	0.345	1.11E-11
<i>TMEM86A</i>	5.60E-13	0.344	1.24E-11
<i>LYSMD2</i>	5.99E-13	0.344	1.32E-11
<i>ARID5A</i>	6.09E-13	0.344	1.35E-11
<i>PTGDS</i>	6.38E-13	0.343	1.40E-11
<i>CCL3L3</i>	6.51E-13	0.343	1.43E-11
<i>VNN2</i>	6.59E-13	0.343	1.45E-11
<i>CHRNA6</i>	6.59E-13	0.343	1.45E-11
<i>TREML1</i>	6.78E-13	0.343	1.49E-11
<i>FPR2</i>	6.92E-13	0.343	1.52E-11
<i>OLR1</i>	7.37E-13	0.342	1.61E-11
<i>FAM92B</i>	7.89E-13	0.342	1.72E-11
<i>NAGK</i>	8.07E-13	0.342	1.76E-11
<i>SEMA4A</i>	8.16E-13	0.342	1.78E-11
<i>PARP3</i>	8.77E-13	0.341	1.91E-11
<i>HLA-H</i>	9.86E-13	0.341	2.14E-11
<i>C21orf91</i>	1.07E-12	0.340	2.31E-11
<i>DCSTAMP</i>	1.09E-12	0.340	2.35E-11
<i>MAN2B1</i>	1.16E-12	0.340	2.51E-11
<i>KCNJ5</i>	1.19E-12	0.339	2.56E-11
<i>HERPUDI</i>	1.45E-12	0.338	3.10E-11
<i>SOD2</i>	1.50E-12	0.338	3.19E-11
<i>MLKL</i>	1.72E-12	0.337	3.65E-11
<i>SQRDL</i>	1.81E-12	0.337	3.83E-11
<i>XCL1</i>	1.88E-12	0.337	3.97E-11
<i>TLR2</i>	1.88E-12	0.337	3.97E-11
<i>TRIM38</i>	1.89E-12	0.337	3.98E-11

<i>ALPK1</i>	1.96E-12	0.336	4.11E-11
<i>ADCY7</i>	2.02E-12	0.336	4.23E-11
<i>TNFAIP2</i>	2.08E-12	0.336	4.35E-11
<i>GTSFIL</i>	2.13E-12	0.336	4.45E-11
<i>TLR9</i>	2.18E-12	0.336	4.56E-11
<i>IL3RA</i>	2.19E-12	0.336	4.58E-11
<i>TGM2</i>	2.22E-12	0.336	4.64E-11
<i>CARD8</i>	2.23E-12	0.336	4.65E-11
<i>PLCL2</i>	2.29E-12	0.335	4.78E-11
<i>PARP12</i>	2.32E-12	0.335	4.82E-11
<i>SLFN11</i>	2.40E-12	0.335	5.00E-11
<i>MOV10</i>	2.44E-12	0.335	5.07E-11
<i>CD22</i>	2.46E-12	0.335	5.11E-11
<i>C19orf66</i>	2.54E-12	0.335	5.26E-11
<i>TBXAS1</i>	2.54E-12	0.335	5.26E-11
<i>MOB3A</i>	2.55E-12	0.335	5.29E-11
<i>ADAMTS2</i>	2.63E-12	0.334	5.45E-11
<i>DDB2</i>	2.70E-12	0.334	5.58E-11
<i>SSTR3</i>	2.86E-12	0.334	5.90E-11
<i>CCL21</i>	3.31E-12	0.333	6.82E-11
<i>OAS3</i>	3.38E-12	0.333	6.93E-11
<i>TCL1A</i>	3.50E-12	0.333	7.16E-11
<i>LILRP2</i>	3.81E-12	0.332	7.79E-11
<i>CRIL</i>	3.86E-12	0.332	7.89E-11
<i>CNDP2</i>	3.93E-12	0.332	8.01E-11
<i>PLXDC2</i>	4.32E-12	0.331	8.78E-11
<i>MOB3C</i>	4.79E-12	0.331	9.70E-11
<i>CCL11</i>	4.80E-12	0.331	9.71E-11
<i>HMOX1</i>	4.90E-12	0.331	9.91E-11
<i>CTSL</i>	5.23E-12	0.330	1.06E-10
<i>CRHBP</i>	5.37E-12	0.330	1.08E-10
<i>RAB27A</i>	5.41E-12	0.330	1.09E-10
<i>NCK1</i>	5.43E-12	0.330	1.09E-10
<i>EMP3</i>	5.65E-12	0.330	1.13E-10
<i>NFKB1A</i>	5.69E-12	0.330	1.14E-10
<i>DDX58</i>	5.70E-12	0.330	1.14E-10
<i>PIK3IP1</i>	6.06E-12	0.329	1.21E-10
<i>CD47</i>	6.33E-12	0.329	1.26E-10
<i>GBP3</i>	6.33E-12	0.329	1.26E-10
<i>CCL3L1</i>	6.39E-12	0.329	1.27E-10
<i>B3GAT1</i>	6.45E-12	0.329	1.28E-10
<i>EEF2</i>	6.59E-12	0.329	1.31E-10
<i>C11orf21</i>	7.06E-12	0.328	1.40E-10
<i>APOC2</i>	7.20E-12	0.328	1.42E-10
<i>POU3F1</i>	7.34E-12	0.328	1.45E-10
<i>ARL4C</i>	7.50E-12	0.328	1.48E-10
<i>RABGAP1L</i>	7.52E-12	0.328	1.48E-10
<i>IFITM3</i>	8.11E-12	0.327	1.59E-10
<i>ALPK2</i>	8.80E-12	0.327	1.72E-10
<i>TXK</i>	9.46E-12	0.326	1.84E-10
<i>SLC2A3</i>	9.53E-12	0.326	1.86E-10
<i>PAXIP1-AS2</i>	9.74E-12	0.326	1.89E-10
<i>PAPD4</i>	9.87E-12	0.326	1.92E-10
<i>TXNDC15</i>	1.01E-11	0.326	1.96E-10
<i>CIRL</i>	1.03E-11	0.326	2.00E-10
<i>SLC37A2</i>	1.08E-11	0.325	2.09E-10

<i>PNRC1</i>	1.09E-11	0.325	2.10E-10
<i>KIAA0226L</i>	1.16E-11	0.325	2.24E-10
<i>C9orf91</i>	1.25E-11	0.324	2.41E-10
<i>BLK</i>	1.26E-11	0.324	2.42E-10
<i>PTPRO</i>	1.28E-11	0.324	2.45E-10
<i>FBXO6</i>	1.30E-11	0.324	2.49E-10
<i>SKAPI</i>	1.32E-11	0.324	2.53E-10
<i>SYT6</i>	1.42E-11	0.324	2.71E-10
<i>STK17A</i>	1.48E-11	0.323	2.82E-10
<i>RNASE2</i>	1.49E-11	0.323	2.84E-10
<i>TMEM173</i>	1.62E-11	0.323	3.08E-10
<i>IL5RA</i>	1.76E-11	0.322	3.33E-10
<i>PLD4</i>	1.82E-11	0.322	3.45E-10
<i>SLC8A1</i>	1.83E-11	0.322	3.46E-10
<i>ADGRE4P</i>	1.85E-11	0.322	3.49E-10
<i>CLEC4C</i>	1.85E-11	0.322	3.50E-10
<i>CD1C</i>	1.87E-11	0.322	3.54E-10
<i>SARDH</i>	1.88E-11	0.322	3.55E-10
<i>MCTP1</i>	1.89E-11	0.322	3.56E-10
<i>PDE4D</i>	1.89E-11	0.322	3.56E-10
<i>MAF</i>	1.89E-11	0.322	3.56E-10
<i>BATF</i>	1.89E-11	0.322	3.57E-10
<i>CH13L1</i>	1.90E-11	0.322	3.58E-10
<i>DNASE1L3</i>	2.06E-11	0.321	3.88E-10
<i>VPREB3</i>	2.17E-11	0.321	4.05E-10
<i>IRF9</i>	2.17E-11	0.321	4.06E-10
<i>TSPAN4</i>	2.18E-11	0.321	4.07E-10
<i>EGR2</i>	2.23E-11	0.321	4.17E-10
<i>MYO7A</i>	2.32E-11	0.320	4.33E-10
<i>NLRP1</i>	2.35E-11	0.320	4.38E-10
<i>FCGR3B</i>	2.41E-11	0.320	4.47E-10
<i>CCL2</i>	2.44E-11	0.320	4.53E-10
<i>LHX2</i>	2.48E-11	0.320	4.59E-10
<i>HLA-DRB6</i>	2.50E-11	0.320	4.62E-10
<i>VRK2</i>	2.68E-11	0.319	4.95E-10
<i>PARP11</i>	2.80E-11	0.319	5.15E-10
<i>VIM</i>	2.92E-11	0.319	5.37E-10
<i>MBNL1</i>	3.16E-11	0.318	5.78E-10
<i>TXNIP</i>	3.63E-11	0.317	6.61E-10
<i>DENND2D</i>	3.67E-11	0.317	6.68E-10
<i>NOD2</i>	3.69E-11	0.317	6.71E-10
<i>SNTB2</i>	3.74E-11	0.317	6.79E-10
<i>INPP5D</i>	3.87E-11	0.317	7.01E-10
<i>PLCG2</i>	3.87E-11	0.317	7.01E-10
<i>NMUR1</i>	3.91E-11	0.317	7.08E-10
<i>RGS19</i>	4.00E-11	0.317	7.24E-10
<i>SCARF1</i>	4.06E-11	0.317	7.35E-10
<i>CH13L2</i>	4.08E-11	0.317	7.37E-10
<i>ZDHHC18</i>	5.32E-11	0.315	9.48E-10
<i>KYNU</i>	5.47E-11	0.315	9.73E-10
<i>ADAM28</i>	5.70E-11	0.314	1.01E-09
<i>TMEM255A</i>	5.77E-11	0.314	1.02E-09
<i>CREBL2</i>	5.90E-11	0.314	1.04E-09
<i>UCP2</i>	5.91E-11	0.314	1.04E-09
<i>RELB</i>	6.69E-11	0.313	1.17E-09
<i>RHBDF2</i>	7.24E-11	0.313	1.26E-09

<i>FKBP15</i>	7.34E-11	0.313	1.28E-09
<i>TMSB4XP8</i>	7.35E-11	0.313	1.28E-09
<i>CLEC17A</i>	7.53E-11	0.312	1.31E-09
<i>HS3ST3A1</i>	8.35E-11	0.312	1.45E-09
<i>MR1</i>	8.43E-11	0.312	1.46E-09
<i>DAZL</i>	8.53E-11	0.312	1.48E-09
<i>FBXO7</i>	8.55E-11	0.312	1.48E-09
<i>BMP2K</i>	8.81E-11	0.311	1.52E-09
<i>MX1</i>	9.68E-11	0.311	1.67E-09
<i>QKI</i>	9.71E-11	0.311	1.67E-09
<i>CXorf65</i>	9.80E-11	0.311	1.69E-09
<i>HSH2D</i>	1.05E-10	0.310	1.80E-09
<i>ZC3H12D</i>	1.14E-10	0.310	1.96E-09
<i>GLCCII</i>	1.16E-10	0.310	1.98E-09
<i>CD300LB</i>	1.20E-10	0.309	2.04E-09
<i>SIGLEC12</i>	1.24E-10	0.309	2.11E-09
<i>SLFN12</i>	1.38E-10	0.308	2.33E-09
<i>IFNL1</i>	1.42E-10	0.308	2.40E-09
<i>BCL11B</i>	1.42E-10	0.308	2.40E-09
<i>RBMXL1</i>	1.66E-10	0.307	2.79E-09
<i>RFX5</i>	1.67E-10	0.307	2.80E-09
<i>RELT</i>	1.76E-10	0.307	2.94E-09
<i>PLEKHA2</i>	1.81E-10	0.306	3.02E-09
<i>C2</i>	1.93E-10	0.306	3.20E-09
<i>GCHI</i>	1.94E-10	0.306	3.22E-09
<i>NFKB2</i>	1.96E-10	0.306	3.25E-09
<i>CNOT6L</i>	2.00E-10	0.306	3.32E-09
<i>CAMK1G</i>	2.05E-10	0.305	3.40E-09
<i>SYNE1</i>	2.18E-10	0.305	3.59E-09
<i>HDAC3</i>	2.24E-10	0.305	3.68E-09
<i>FMO1</i>	2.42E-10	0.304	3.95E-09
<i>MSC</i>	2.44E-10	0.304	3.98E-09
<i>ISG20</i>	2.46E-10	0.304	4.01E-09
<i>ICAM2</i>	2.46E-10	0.304	4.02E-09
<i>CI7orf62</i>	2.57E-10	0.304	4.19E-09
<i>BLVRA</i>	2.65E-10	0.304	4.32E-09
<i>PXK</i>	2.73E-10	0.304	4.43E-09
<i>IFNAR2</i>	2.76E-10	0.303	4.48E-09
<i>ZMYND15</i>	3.25E-10	0.302	5.21E-09
<i>HSPA7</i>	3.51E-10	0.302	5.60E-09
<i>GNAI2</i>	3.57E-10	0.302	5.68E-09
<i>TMSB10</i>	3.58E-10	0.302	5.71E-09
<i>MEF2C</i>	3.62E-10	0.301	5.75E-09
<i>EMILIN2</i>	3.62E-10	0.301	5.76E-09
<i>HCG26</i>	3.90E-10	0.301	6.17E-09
<i>RHEBL1</i>	3.99E-10	0.301	6.30E-09
<i>TXLNB</i>	4.07E-10	0.301	6.43E-09
<i>NUBP1</i>	4.12E-10	0.301	6.50E-09
<i>MTURN</i>	4.38E-10	-0.300	6.88E-09
<i>MORC2-ASI</i>	4.28E-10	-0.300	6.72E-09
<i>SC5D</i>	4.06E-10	-0.301	6.41E-09
<i>GPRC5C</i>	3.98E-10	-0.301	6.29E-09
<i>TM7SF2</i>	3.90E-10	-0.301	6.18E-09
<i>PPP2R5A</i>	3.81E-10	-0.301	6.04E-09
<i>ANXA9</i>	3.72E-10	-0.301	5.90E-09
<i>TFCP2L1</i>	3.71E-10	-0.301	5.88E-09

<i>MAVS</i>	3.65E-10	-0.301	5.79E-09
<i>SUGT1P3</i>	3.63E-10	-0.301	5.78E-09
<i>SLC41A3</i>	3.42E-10	-0.302	5.46E-09
<i>BAIAP2</i>	3.38E-10	-0.302	5.40E-09
<i>DIDO1</i>	3.13E-10	-0.303	5.04E-09
<i>PRKAB2</i>	3.10E-10	-0.303	5.00E-09
<i>SH2D5</i>	3.09E-10	-0.303	4.99E-09
<i>KLHL31</i>	3.07E-10	-0.303	4.96E-09
<i>NHLRC1</i>	3.07E-10	-0.303	4.96E-09
<i>C20orf195</i>	2.92E-10	-0.303	4.72E-09
<i>MCMDC2</i>	2.88E-10	-0.303	4.66E-09
<i>TMEM184A</i>	2.71E-10	-0.304	4.41E-09
<i>IL1RL2</i>	2.58E-10	-0.304	4.20E-09
<i>KLC4</i>	2.55E-10	-0.304	4.17E-09
<i>TMEM74B</i>	2.44E-10	-0.304	3.99E-09
<i>PTGES2-AS1</i>	2.36E-10	-0.305	3.87E-09
<i>C12orf56</i>	2.32E-10	-0.305	3.80E-09
<i>URAHP</i>	2.29E-10	-0.305	3.77E-09
<i>PXMP4</i>	2.29E-10	-0.305	3.77E-09
<i>TEX261</i>	2.20E-10	-0.305	3.63E-09
<i>MSH1</i>	2.18E-10	-0.305	3.59E-09
<i>SLC15A1</i>	2.11E-10	-0.305	3.48E-09
<i>TMEM65</i>	2.08E-10	-0.305	3.44E-09
<i>FAR2P1</i>	2.06E-10	-0.305	3.41E-09
<i>PIGT</i>	1.98E-10	-0.306	3.28E-09
<i>PPP1R13B</i>	1.93E-10	-0.306	3.21E-09
<i>PAK6</i>	1.87E-10	-0.306	3.11E-09
<i>TMEM9</i>	1.85E-10	-0.306	3.08E-09
<i>SFT2D3</i>	1.49E-10	-0.308	2.51E-09
<i>NOL3</i>	1.43E-10	-0.308	2.41E-09
<i>SH3BP4</i>	1.37E-10	-0.308	2.32E-09
<i>GRB10</i>	1.23E-10	-0.309	2.10E-09
<i>MUC20</i>	1.08E-10	-0.310	1.86E-09
<i>KBTBD7</i>	1.05E-10	-0.310	1.80E-09
<i>LINC00910</i>	9.12E-11	-0.311	1.58E-09
<i>C3orf67</i>	8.92E-11	-0.311	1.54E-09
<i>NEURL2</i>	8.41E-11	-0.312	1.46E-09
<i>RAP1GAP</i>	8.37E-11	-0.312	1.45E-09
<i>ICA1</i>	8.23E-11	-0.312	1.43E-09
<i>KAZN</i>	7.46E-11	-0.313	1.30E-09
<i>NECAB3</i>	7.41E-11	-0.313	1.29E-09
<i>ADGRG1</i>	7.18E-11	-0.313	1.25E-09
<i>FOXP4</i>	6.98E-11	-0.313	1.22E-09
<i>RGL2</i>	6.22E-11	-0.314	1.10E-09
<i>SLC29A4</i>	6.11E-11	-0.314	1.08E-09
<i>LOC389332</i>	6.00E-11	-0.314	1.06E-09
<i>DNMT3B</i>	5.88E-11	-0.314	1.04E-09
<i>FAM168B</i>	5.84E-11	-0.314	1.03E-09
<i>CELSR3</i>	5.75E-11	-0.314	1.02E-09
<i>GGT7</i>	5.46E-11	-0.315	9.71E-10
<i>TRMT61A</i>	4.91E-11	-0.315	8.77E-10
<i>RRNAD1</i>	4.86E-11	-0.315	8.69E-10
<i>WNK2</i>	4.81E-11	-0.316	8.60E-10
<i>LINC00346</i>	4.42E-11	-0.316	7.95E-10
<i>GSTA4</i>	4.34E-11	-0.316	7.83E-10
<i>SOWAHA</i>	4.23E-11	-0.316	7.63E-10

<i>OSBP2</i>	3.83E-11	-0.317	6.96E-10
<i>ERICH5</i>	3.78E-11	-0.317	6.87E-10
<i>PIGM</i>	3.65E-11	-0.317	6.64E-10
<i>PGAP3</i>	3.02E-11	-0.319	5.55E-10
<i>B3GNT7</i>	3.01E-11	-0.319	5.52E-10
<i>GTF2IRD1</i>	2.94E-11	-0.319	5.40E-10
<i>SPRED2</i>	2.47E-11	-0.320	4.58E-10
<i>FAM213A</i>	2.40E-11	-0.320	4.46E-10
<i>SQLE</i>	2.39E-11	-0.320	4.45E-10
<i>EFNA1</i>	2.30E-11	-0.320	4.30E-10
<i>ANKRD46</i>	2.26E-11	-0.321	4.21E-10
<i>PLEKHB1</i>	2.17E-11	-0.321	4.07E-10
<i>GJC3</i>	2.01E-11	-0.321	3.78E-10
<i>PPP1R14C</i>	1.53E-11	-0.323	2.91E-10
<i>CEACAM19</i>	1.26E-11	-0.324	2.41E-10
<i>LINC00482</i>	1.22E-11	-0.325	2.35E-10
<i>MAFG</i>	1.08E-11	-0.325	2.09E-10
<i>EFHC1</i>	9.70E-12	-0.326	1.89E-10
<i>PPL</i>	9.12E-12	-0.327	1.78E-10
<i>SRPK3</i>	8.89E-12	-0.327	1.74E-10
<i>ENTPD8</i>	8.18E-12	-0.327	1.60E-10
<i>CLDN3</i>	8.11E-12	-0.327	1.59E-10
<i>WFDC2</i>	8.01E-12	-0.327	1.57E-10
<i>TMEM198</i>	7.42E-12	-0.328	1.46E-10
<i>FIIR</i>	7.23E-12	-0.328	1.43E-10
<i>ETV4</i>	7.08E-12	-0.328	1.40E-10
<i>RHPN1-AS1</i>	6.48E-12	-0.329	1.29E-10
<i>NINL</i>	6.04E-12	-0.329	1.21E-10
<i>TTC30A</i>	5.50E-12	-0.330	1.11E-10
<i>NOL4L</i>	5.23E-12	-0.330	1.05E-10
<i>KCNK15</i>	4.23E-12	-0.331	8.61E-11
<i>KDM5B</i>	2.71E-12	-0.334	5.61E-11
<i>KCNH8</i>	2.36E-12	-0.335	4.92E-11
<i>SS18L1</i>	2.34E-12	-0.335	4.87E-11
<i>TMEM51-AS1</i>	2.28E-12	-0.335	4.74E-11
<i>COL9A3</i>	2.10E-12	-0.336	4.40E-11
<i>OSBPL2</i>	1.85E-12	-0.337	3.91E-11
<i>DCUN1D2</i>	1.85E-12	-0.337	3.90E-11
<i>NKPD1</i>	1.69E-12	-0.337	3.59E-11
<i>TMEM241</i>	1.54E-12	-0.338	3.29E-11
<i>ESPNP</i>	1.43E-12	-0.338	3.07E-11
<i>LINC00319</i>	1.36E-12	-0.339	2.92E-11
<i>VAPB</i>	1.27E-12	-0.339	2.73E-11
<i>GID8</i>	1.09E-12	-0.340	2.35E-11
<i>RASSF10</i>	9.35E-13	-0.341	2.03E-11
<i>ACAP3</i>	9.15E-13	-0.341	1.99E-11
<i>ARHGAP5-AS1</i>	7.98E-13	-0.342	1.74E-11
<i>VWA2</i>	7.44E-13	-0.342	1.63E-11
<i>MLLT4</i>	6.52E-13	-0.343	1.43E-11
<i>RIPPLY3</i>	6.23E-13	-0.343	1.37E-11
<i>Clorf56</i>	5.74E-13	-0.344	1.27E-11
<i>SYT7</i>	5.39E-13	-0.344	1.20E-11
<i>SLC5A12</i>	3.61E-13	-0.347	8.11E-12
<i>IRF2BP2</i>	3.38E-13	-0.347	7.62E-12
<i>BCL2L10</i>	2.14E-13	-0.350	4.89E-12
<i>PROC</i>	1.91E-13	-0.351	4.38E-12

<i>SUN1</i>	1.34E-13	-0.353	3.12E-12
<i>ALGIL</i>	1.03E-13	-0.354	2.42E-12
<i>PPARGC1A</i>	8.76E-14	-0.355	2.06E-12
<i>INHA</i>	7.19E-14	-0.356	1.71E-12
<i>FAM174B</i>	6.31E-14	-0.357	1.51E-12
<i>CCDC24</i>	4.92E-14	-0.359	1.19E-12
<i>KCTD3</i>	6.31E-15	-0.370	1.63E-13
<i>FAM131C</i>	3.82E-15	-0.373	1.00E-13
<i>ABCB6</i>	2.18E-15	-0.376	5.80E-14
<i>RCOR2</i>	1.91E-15	-0.377	5.10E-14
<i>TMEM117</i>	1.61E-15	-0.378	4.33E-14
<i>TMEM189</i>	1.26E-15	-0.379	3.43E-14
<i>RMND5A</i>	1.74E-16	-0.390	4.94E-15
<i>STX1A</i>	1.54E-16	-0.390	4.38E-15
<i>TLL2</i>	4.55E-17	-0.396	1.35E-15
<i>PNMT</i>	3.36E-18	-0.409	1.07E-16
<i>C2orf70</i>	2.42E-18	-0.411	7.75E-17
<i>MLLT4-AS1</i>	4.88E-19	-0.419	1.63E-17
<i>PRPF40B</i>	1.58E-19	-0.424	5.40E-18
<i>BMP7</i>	1.01E-20	-0.436	3.70E-19

ACRG

Gene symbol	<i>p</i> -value	PCC	FDR
<i>GZMA</i>	9.87E-201	0.977	2.23E-196
<i>PRFI</i>	4.01E-125	0.922	5.43E-121
<i>CCL5</i>	1.16E-120	0.917	1.32E-116
<i>NKG7</i>	1.27E-113	0.907	9.58E-110
<i>GZMH</i>	3.78E-108	0.898	2.13E-104
<i>IL2RB</i>	3.75E-102	0.887	1.96E-98
<i>CD96</i>	5.81E-90	0.862	1.71E-86
<i>CD8A</i>	1.25E-89	0.861	3.53E-86
<i>GPR171</i>	3.29E-87	0.856	7.96E-84
<i>KLRC4-KLRK1</i>	5.03E-84	0.848	1.03E-80
<i>KLRK1</i>	5.03E-84	0.848	1.00E-80
<i>CD247</i>	6.19E-81	0.840	1.05E-77
<i>CD3D</i>	3.56E-80	0.837	5.89E-77
<i>THEMIS</i>	7.82E-80	0.836	1.23E-76
<i>CXCR6</i>	8.37E-80	0.836	1.29E-76
<i>CD2</i>	2.75E-78	0.832	4.14E-75
<i>TARP</i>	8.52E-78	0.831	1.23E-74
<i>APOBEC3G</i>	4.55E-77	0.829	6.43E-74
<i>CD3G</i>	2.88E-76	0.826	3.98E-73
<i>GZMB</i>	4.16E-76	0.826	5.64E-73
<i>TRGC2</i>	4.99E-76	0.826	6.63E-73
<i>TRGV9</i>	4.99E-76	0.826	6.51E-73
<i>TRAC</i>	1.53E-75	0.824	1.96E-72
<i>PTPN22</i>	3.45E-75	0.823	4.33E-72
<i>PYHIN1</i>	3.51E-75	0.823	4.33E-72
<i>SH2D1A</i>	1.52E-74	0.821	1.84E-71
<i>TIGIT</i>	5.15E-72	0.813	5.82E-69
<i>ITK</i>	2.02E-71	0.811	2.14E-68
<i>FASLG</i>	9.89E-70	0.806	9.72E-67
<i>GBP5</i>	4.90E-69	0.803	4.68E-66
<i>KLRC1</i>	6.71E-69	0.803	6.23E-66
<i>KLRC2</i>	6.71E-69	0.803	6.15E-66
<i>CRTAM</i>	1.16E-68	0.802	1.05E-65

<i>GBP4</i>	1.82E-68	0.801	1.62E-65
<i>CCR5</i>	2.49E-68	0.801	2.19E-65
<i>TRBC1</i>	5.80E-68	0.800	4.98E-65
<i>CXCL9</i>	7.88E-68	0.799	6.60E-65
<i>NLRC3</i>	5.77E-67	0.796	4.77E-64
<i>TRDV2</i>	7.68E-67	0.796	6.27E-64
<i>TRAV20</i>	7.68E-67	0.796	6.19E-64
<i>TRAJ17</i>	7.68E-67	0.796	6.12E-64
<i>TBX21</i>	8.70E-67	0.795	6.78E-64
<i>GBP1</i>	7.08E-66	0.792	5.33E-63
<i>TRAT1</i>	2.46E-64	0.787	1.79E-61
<i>IRF1</i>	4.76E-63	0.782	3.33E-60
<i>FAM26F</i>	1.91E-62	0.779	1.29E-59
<i>CLEC2D</i>	5.49E-62	0.778	3.62E-59
<i>YME1L1</i>	6.27E-62	0.777	4.09E-59
<i>KLRD1</i>	8.68E-62	0.777	5.61E-59
<i>IFNG</i>	9.72E-62	0.777	6.22E-59
<i>PVRIG</i>	1.82E-61	0.775	1.12E-58
<i>LOC101928789</i>	7.79E-61	0.773	4.71E-58
<i>SPI40</i>	7.79E-61	0.773	4.67E-58
<i>LAG3</i>	8.27E-61	0.773	4.92E-58
<i>GNLY</i>	3.60E-60	0.770	2.09E-57
<i>APOL3</i>	1.41E-59	0.768	8.13E-57
<i>GZMK</i>	2.28E-58	0.763	1.28E-55
<i>ITGAL</i>	8.94E-58	0.760	4.81E-55
<i>SIRPG</i>	1.02E-56	0.756	5.28E-54
<i>JAKMIP1</i>	3.34E-56	0.753	1.70E-53
<i>TRG-AS1</i>	4.42E-56	0.753	2.22E-53
<i>APOBEC3F</i>	6.88E-56	0.752	3.43E-53
<i>UBE2L6</i>	1.05E-55	0.751	5.18E-53
<i>TRDV3</i>	2.57E-55	0.749	1.25E-52
<i>SLAMF7</i>	3.05E-55	0.749	1.46E-52
<i>TNFSF13B</i>	7.04E-55	0.747	3.29E-52
<i>GVINP1</i>	2.70E-54	0.745	1.24E-51
<i>CD226</i>	6.42E-54	0.743	2.84E-51
<i>HCST</i>	7.31E-54	0.743	3.22E-51
<i>PTPRC</i>	1.47E-53	0.741	6.44E-51
<i>IL21R</i>	1.59E-53	0.741	6.87E-51
<i>IDO1</i>	3.90E-53	0.739	1.65E-50
<i>TRIM22</i>	4.08E-53	0.739	1.72E-50
<i>PTPRCAP</i>	1.97E-52	0.736	8.08E-50
<i>SLA2</i>	2.09E-51	0.731	8.35E-49
<i>IKZF1</i>	2.21E-51	0.731	8.75E-49
<i>CD52</i>	3.64E-51	0.730	1.43E-48
<i>IL15</i>	4.16E-50	0.725	1.55E-47
<i>GIMAP4</i>	9.23E-50	0.723	3.38E-47
<i>CXCL10</i>	9.94E-50	0.723	3.62E-47
<i>GPR18</i>	1.88E-49	0.721	6.80E-47
<i>SAMD9L</i>	2.13E-49	0.721	7.62E-47
<i>DOCK8</i>	4.55E-49	0.719	1.58E-46
<i>CD38</i>	1.32E-48	0.717	4.46E-46
<i>CORO1A</i>	1.49E-48	0.717	5.02E-46
<i>USP30-AS1</i>	7.44E-48	0.713	2.42E-45
<i>ICOS</i>	1.46E-47	0.711	4.68E-45
<i>WIPF1</i>	1.95E-47	0.711	6.24E-45
<i>IL18BP</i>	2.17E-47	0.710	6.87E-45

<i>STAT4</i>	2.75E-47	0.710	8.51E-45
<i>FYB</i>	2.86E-47	0.710	8.81E-45
<i>NLRC5</i>	6.43E-47	0.708	1.92E-44
<i>EOMES</i>	7.46E-47	0.708	2.22E-44
<i>UBASH3A</i>	1.77E-46	0.706	5.16E-44
<i>CD244</i>	2.17E-46	0.705	6.25E-44
<i>TLR8</i>	2.32E-46	0.705	6.66E-44
<i>AIM2</i>	4.25E-46	0.703	1.20E-43
<i>SAMD3</i>	4.61E-46	0.703	1.29E-43
<i>EVI2B</i>	5.96E-46	0.703	1.66E-43
<i>TBCID10C</i>	1.54E-45	0.700	4.26E-43
<i>CYBB</i>	1.58E-45	0.700	4.34E-43
<i>LAP3</i>	4.40E-45	0.698	1.20E-42
<i>IL12RB1</i>	4.47E-45	0.698	1.22E-42
<i>BIN2</i>	6.83E-45	0.697	1.84E-42
<i>HLA-DPB1</i>	9.21E-45	0.696	2.44E-42
<i>CXCL11</i>	1.97E-44	0.694	5.11E-42
<i>DOCK2</i>	2.39E-44	0.694	6.14E-42
<i>CD74</i>	3.36E-44	0.693	8.59E-42
<i>HLA-DMB</i>	4.12E-44	0.692	1.05E-41
<i>CD48</i>	5.00E-44	0.692	1.26E-41
<i>KLRC3</i>	5.00E-44	0.692	1.26E-41
<i>CIQA</i>	7.51E-44	0.691	1.89E-41
<i>PSMB9</i>	7.80E-44	0.691	1.95E-41
<i>ST8SIA4</i>	8.26E-44	0.690	2.06E-41
<i>MAP4K1</i>	1.16E-43	0.690	2.88E-41
<i>NCKAP1L</i>	1.17E-43	0.690	2.88E-41
<i>STX11</i>	1.77E-43	0.689	4.29E-41
<i>SASH3</i>	2.17E-43	0.688	5.22E-41
<i>ANKRD44</i>	3.16E-43	0.687	7.52E-41
<i>SLAMF8</i>	4.13E-43	0.686	9.76E-41
<i>GIMAP1-GIMAP5</i>	7.78E-43	0.685	1.83E-40
<i>GIMAP5</i>	7.78E-43	0.685	1.82E-40
<i>WARS</i>	9.87E-43	0.684	2.29E-40
<i>P2RY10</i>	3.65E-42	0.681	8.21E-40
<i>TMEM140</i>	5.21E-42	0.680	1.17E-39
<i>SIT1</i>	7.57E-42	0.679	1.68E-39
<i>MGC40069</i>	7.75E-42	0.679	1.72E-39
<i>STAT1</i>	7.80E-42	0.679	1.72E-39
<i>IGFLR1</i>	1.00E-41	0.678	2.20E-39
<i>CIQB</i>	1.18E-41	0.678	2.59E-39
<i>CMKLR1</i>	1.30E-41	0.677	2.84E-39
<i>LCPI</i>	1.39E-41	0.677	3.02E-39
<i>GIMAP7</i>	1.66E-41	0.677	3.61E-39
<i>TRIM69</i>	1.75E-41	0.676	3.79E-39
<i>RARRES3</i>	4.53E-41	0.674	9.69E-39
<i>IL10RA</i>	4.79E-41	0.674	1.02E-38
<i>CD84</i>	2.40E-40	0.669	4.98E-38
<i>AOAH</i>	3.91E-40	0.668	7.96E-38
<i>BTLA</i>	6.61E-40	0.667	1.32E-37
<i>ARHGAP9</i>	8.20E-40	0.666	1.62E-37
<i>HLA-DRA</i>	8.68E-40	0.666	1.71E-37
<i>GBP2</i>	1.11E-39	0.665	2.17E-37
<i>SNX20</i>	1.12E-39	0.665	2.18E-37
<i>GBP1P1</i>	1.76E-39	0.664	3.37E-37
<i>GIMAP6</i>	1.78E-39	0.664	3.41E-37

<i>CST7</i>	2.38E-39	0.663	4.50E-37
<i>ZAP70</i>	2.73E-39	0.663	5.13E-37
<i>ITGB7</i>	2.98E-39	0.662	5.54E-37
<i>LCK</i>	3.62E-39	0.662	6.69E-37
<i>EVI2A</i>	3.81E-39	0.662	7.03E-37
<i>ARHGAP25</i>	3.87E-39	0.662	7.11E-37
<i>CXCL13</i>	9.90E-39	0.659	1.79E-36
<i>ARHGAP30</i>	1.08E-38	0.659	1.95E-36
<i>KLHL6</i>	1.63E-38	0.657	2.90E-36
<i>PSMB10</i>	1.78E-38	0.657	3.17E-36
<i>CD274</i>	2.04E-38	0.657	3.59E-36
<i>SLA</i>	2.05E-38	0.657	3.61E-36
<i>GIMAP2</i>	2.26E-38	0.657	3.94E-36
<i>HLA-DPA1</i>	2.39E-38	0.656	4.13E-36
<i>IRF2</i>	2.47E-38	0.656	4.26E-36
<i>TRAF3IP3</i>	2.75E-38	0.656	4.73E-36
<i>IL2RA</i>	3.43E-38	0.655	5.85E-36
<i>IFIT3</i>	5.57E-38	0.654	9.39E-36
<i>SFMBT2</i>	7.49E-38	0.653	1.25E-35
<i>SIGLEC10</i>	8.65E-38	0.653	1.44E-35
<i>HAVCR2</i>	9.85E-38	0.652	1.63E-35
<i>LOC101060835</i>	2.95E-37	0.649	4.74E-35
<i>HLA-E</i>	3.39E-37	0.649	5.40E-35
<i>CYTIP</i>	3.59E-37	0.648	5.70E-35
<i>NCF1</i>	4.22E-37	0.648	6.66E-35
<i>RAB33A</i>	4.81E-37	0.648	7.53E-35
<i>FGL2</i>	5.67E-37	0.647	8.86E-35
<i>IL18RAP</i>	7.65E-37	0.646	1.18E-34
<i>DOCK10</i>	1.17E-36	0.645	1.79E-34
<i>NCFIB</i>	1.60E-36	0.644	2.42E-34
<i>NCFIC</i>	1.60E-36	0.644	2.41E-34
<i>CARD16</i>	2.25E-36	0.643	3.38E-34
<i>HLA-DQA2</i>	2.59E-36	0.642	3.87E-34
<i>RASGRP1</i>	2.74E-36	0.642	4.07E-34
<i>I-Mar</i>	2.79E-36	0.642	4.14E-34
<i>CECR1</i>	3.95E-36	0.641	5.82E-34
<i>APOL6</i>	4.86E-36	0.640	7.14E-34
<i>BTN3A3</i>	6.73E-36	0.639	9.79E-34
<i>XCL1</i>	8.73E-36	0.639	1.26E-33
<i>FCGR1A</i>	1.00E-35	0.638	1.44E-33
<i>XCL2</i>	1.23E-35	0.638	1.77E-33
<i>RAC2</i>	1.70E-35	0.637	2.40E-33
<i>RCSD1</i>	2.56E-35	0.635	3.58E-33
<i>CD27</i>	2.61E-35	0.635	3.63E-33
<i>FAM78A</i>	4.20E-35	0.634	5.78E-33
<i>CD72</i>	4.93E-35	0.633	6.77E-33
<i>ITGB2</i>	5.92E-35	0.633	8.07E-33
<i>ZBP1</i>	8.71E-35	0.631	1.18E-32
<i>SPI10</i>	8.87E-35	0.631	1.20E-32
<i>ZNF683</i>	8.88E-35	0.631	1.20E-32
<i>IKZF3</i>	1.02E-34	0.631	1.37E-32
<i>CD53</i>	1.06E-34	0.631	1.43E-32
<i>LAIR1</i>	1.62E-34	0.629	2.16E-32
<i>BTN3A1</i>	1.63E-34	0.629	2.16E-32
<i>HLA-DRB4</i>	2.13E-34	0.629	2.82E-32
<i>CIQC</i>	2.73E-34	0.628	3.56E-32

<i>CD300LF</i>	3.05E-34	0.627	3.98E-32
<i>FCGR1B</i>	3.55E-34	0.627	4.62E-32
<i>ADAMDEC1</i>	4.57E-34	0.626	5.88E-32
<i>HLA-DMA</i>	5.19E-34	0.626	6.65E-32
<i>CD86</i>	5.70E-34	0.625	7.30E-32
<i>HCLS1</i>	5.98E-34	0.625	7.64E-32
<i>GNGT2</i>	1.02E-33	0.624	1.29E-31
<i>TFEC</i>	1.04E-33	0.623	1.31E-31
<i>AIF1</i>	1.17E-33	0.623	1.47E-31
<i>PSME1</i>	1.21E-33	0.623	1.52E-31
<i>RASSF5</i>	1.72E-33	0.622	2.13E-31
<i>CCR2</i>	1.95E-33	0.621	2.39E-31
<i>TAPI</i>	2.18E-33	0.621	2.66E-31
<i>PRKCQ</i>	2.31E-33	0.621	2.81E-31
<i>PPP1R16B</i>	2.40E-33	0.621	2.92E-31
<i>HLA-DOA</i>	2.60E-33	0.620	3.15E-31
<i>DOK2</i>	3.21E-33	0.620	3.85E-31
<i>FCGR1C</i>	3.43E-33	0.620	4.10E-31
<i>DNAJC5B</i>	3.79E-33	0.619	4.53E-31
<i>CYLD</i>	5.31E-33	0.618	6.29E-31
<i>LAPTM5</i>	6.14E-33	0.618	7.24E-31
<i>SLC31A2</i>	6.16E-33	0.618	7.25E-31
<i>EPST11</i>	7.25E-33	0.617	8.48E-31
<i>P2RX7</i>	7.34E-33	0.617	8.55E-31
<i>GPR65</i>	1.22E-32	0.615	1.40E-30
<i>CLEC2B</i>	1.45E-32	0.615	1.66E-30
<i>GFII</i>	1.57E-32	0.614	1.79E-30
<i>IGSF6</i>	2.09E-32	0.613	2.35E-30
<i>KIR2DL4</i>	4.50E-32	0.611	4.92E-30
<i>TLR1</i>	5.05E-32	0.610	5.50E-30
<i>CXCR3</i>	5.05E-32	0.610	5.49E-30
<i>CTSC</i>	5.16E-32	0.610	5.61E-30
<i>MPEG1</i>	7.28E-32	0.609	7.87E-30
<i>GMFG</i>	8.21E-32	0.609	8.80E-30
<i>SLAMF6</i>	8.70E-32	0.609	9.31E-30
<i>CSF2RB</i>	9.36E-32	0.608	9.99E-30
<i>P2RY13</i>	1.02E-31	0.608	1.08E-29
<i>GIMAP1</i>	1.08E-31	0.608	1.15E-29
<i>LAMP3</i>	1.80E-31	0.606	1.89E-29
<i>CTLA4</i>	2.17E-31	0.605	2.27E-29
<i>LILRB4</i>	2.33E-31	0.605	2.43E-29
<i>TIFAB</i>	2.65E-31	0.605	2.76E-29
<i>ITGA4</i>	3.22E-31	0.604	3.31E-29
<i>FPR3</i>	3.28E-31	0.604	3.37E-29
<i>STAT2</i>	3.77E-31	0.603	3.84E-29
<i>PARVG</i>	4.29E-31	0.603	4.35E-29
<i>MS4A6A</i>	4.62E-31	0.603	4.65E-29
<i>PIK3CD</i>	4.85E-31	0.603	4.88E-29
<i>ZBED2</i>	4.97E-31	0.603	4.98E-29
<i>IFIH1</i>	6.42E-31	0.602	6.37E-29
<i>RGL4</i>	7.19E-31	0.601	7.11E-29
<i>PSMB8-AS1</i>	7.67E-31	0.601	7.56E-29
<i>CTSS</i>	8.69E-31	0.601	8.54E-29
<i>IL16</i>	1.04E-30	0.600	1.02E-28
<i>MIR155HG</i>	1.36E-30	0.599	1.32E-28
<i>MIR155</i>	1.36E-30	0.599	1.32E-28

<i>P2RY8</i>	1.53E-30	0.599	1.48E-28
<i>HLA-DRB1</i>	1.60E-30	0.598	1.55E-28
<i>GZMM</i>	1.60E-30	0.598	1.54E-28
<i>IFI16</i>	1.67E-30	0.598	1.60E-28
<i>KLRB1</i>	1.80E-30	0.598	1.73E-28
<i>SLAMF1</i>	2.28E-30	0.597	2.18E-28
<i>BTN2A2</i>	2.55E-30	0.597	2.44E-28
<i>WDFY4</i>	3.03E-30	0.596	2.89E-28
<i>CD160</i>	3.81E-30	0.595	3.58E-28
<i>SELPLG</i>	3.86E-30	0.595	3.62E-28
<i>KLRC4</i>	4.76E-30	0.594	4.46E-28
<i>KMO</i>	4.79E-30	0.594	4.48E-28
<i>PDCD1LG2</i>	5.32E-30	0.594	4.95E-28
<i>LPXN</i>	5.96E-30	0.594	5.53E-28
<i>IPCEF1</i>	6.69E-30	0.593	6.20E-28
<i>ARHGDB</i>	1.28E-29	0.591	1.17E-27
<i>HLA-DQB1</i>	1.46E-29	0.590	1.33E-27
<i>CASPI</i>	1.47E-29	0.590	1.34E-27
<i>DENND1C</i>	1.98E-29	0.589	1.79E-27
<i>C5orf56</i>	2.07E-29	0.589	1.86E-27
<i>NCF4</i>	4.26E-29	0.586	3.79E-27
<i>PTPN7</i>	4.71E-29	0.586	4.17E-27
<i>IFIT5</i>	5.08E-29	0.586	4.50E-27
<i>GPR174</i>	5.14E-29	0.586	4.54E-27
<i>TNFAIP8L2</i>	5.17E-29	0.586	4.56E-27
<i>RGS18</i>	5.98E-29	0.585	5.25E-27
<i>C16orf54</i>	6.55E-29	0.585	5.70E-27
<i>TNFSF10</i>	9.73E-29	0.583	8.43E-27
<i>SAMHD1</i>	1.08E-28	0.583	9.34E-27
<i>MIR7703</i>	1.38E-28	0.582	1.19E-26
<i>PSME2</i>	1.38E-28	0.582	1.18E-26
<i>FLII</i>	1.40E-28	0.582	1.20E-26
<i>LILRB1</i>	1.56E-28	0.581	1.33E-26
<i>LOC100996919</i>	1.63E-28	0.581	1.39E-26
<i>TYROBP</i>	1.64E-28	0.581	1.40E-26
<i>LOC285957</i>	2.11E-28	0.580	1.79E-26
<i>LY9</i>	2.67E-28	0.579	2.25E-26
<i>PRKCH</i>	3.55E-28	0.578	2.98E-26
<i>CD200R1</i>	7.05E-28	0.576	5.86E-26
<i>LY96</i>	7.63E-28	0.575	6.32E-26
<i>BTK</i>	1.05E-27	0.574	8.62E-26
<i>TNFAIP8</i>	1.21E-27	0.574	9.94E-26
<i>LINC00996</i>	1.28E-27	0.573	1.05E-25
<i>LOC100996809</i>	1.39E-27	0.573	1.14E-25
<i>GIMAP8</i>	1.49E-27	0.573	1.21E-25
<i>TRAFD1</i>	1.66E-27	0.572	1.35E-25
<i>ACP5</i>	1.86E-27	0.572	1.51E-25
<i>ETV7</i>	2.16E-27	0.571	1.73E-25
<i>GM2A</i>	2.39E-27	0.571	1.92E-25
<i>FCER1G</i>	2.43E-27	0.571	1.95E-25
<i>CD8B</i>	2.62E-27	0.571	2.10E-25
<i>SIGLEC1</i>	2.87E-27	0.570	2.29E-25
<i>RASAL3</i>	2.93E-27	0.570	2.33E-25
<i>TAP2</i>	3.33E-27	0.570	2.65E-25
<i>STK17A</i>	4.57E-27	0.568	3.59E-25
<i>FAS</i>	4.80E-27	0.568	3.76E-25

<i>LOC101928173</i>	5.04E-27	0.568	3.93E-25
<i>XAF1</i>	5.25E-27	0.568	4.08E-25
<i>LAX1</i>	6.06E-27	0.567	4.70E-25
<i>BIRC3</i>	6.08E-27	0.567	4.71E-25
<i>CDC42SE2</i>	7.63E-27	0.566	5.89E-25
<i>DPYD</i>	7.97E-27	0.566	6.13E-25
<i>SAMSN1</i>	8.26E-27	0.566	6.35E-25
<i>MIAT</i>	1.00E-26	0.565	7.68E-25
<i>SLC15A3</i>	1.26E-26	0.564	9.59E-25
<i>OAS2</i>	1.42E-26	0.564	1.08E-24
<i>MS4A4A</i>	1.43E-26	0.564	1.08E-24
<i>LST1</i>	1.49E-26	0.564	1.13E-24
<i>JAK3</i>	1.61E-26	0.563	1.21E-24
<i>TAGAP</i>	1.82E-26	0.563	1.37E-24
<i>PARP9</i>	1.92E-26	0.563	1.44E-24
<i>RNASE6</i>	2.05E-26	0.562	1.53E-24
<i>CD28</i>	2.60E-26	0.561	1.94E-24
<i>GAB3</i>	2.85E-26	0.561	2.12E-24
<i>CD300A</i>	2.86E-26	0.561	2.12E-24
<i>TRIM21</i>	3.34E-26	0.560	2.47E-24
<i>RGS1</i>	4.23E-26	0.559	3.12E-24
<i>PPP3CC</i>	5.92E-26	0.558	4.33E-24
<i>KLRFL1</i>	6.25E-26	0.558	4.56E-24
<i>RHOH</i>	6.78E-26	0.557	4.92E-24
<i>CYSLTR1</i>	1.15E-25	0.555	8.24E-24
<i>HAPLN3</i>	1.17E-25	0.555	8.38E-24
<i>UBD</i>	1.26E-25	0.555	9.02E-24
<i>DOK3</i>	1.41E-25	0.554	1.00E-23
<i>PIK3CG</i>	1.42E-25	0.554	1.01E-23
<i>STK17B</i>	1.47E-25	0.554	1.04E-23
<i>B2M</i>	1.50E-25	0.554	1.06E-23
<i>LOC101928361</i>	1.68E-25	0.554	1.18E-23
<i>ARHGAP15</i>	1.68E-25	0.554	1.18E-23
<i>DCANPI</i>	1.98E-25	0.553	1.39E-23
<i>BTN3A2</i>	2.08E-25	0.553	1.46E-23
<i>TCN2</i>	2.84E-25	0.552	1.98E-23
<i>CLECL1</i>	3.05E-25	0.551	2.12E-23
<i>HLA-G</i>	3.38E-25	0.551	2.34E-23
<i>GRIN3A</i>	3.67E-25	0.550	2.54E-23
<i>SELL</i>	3.68E-25	0.550	2.55E-23
<i>RSAD2</i>	3.82E-25	0.550	2.64E-23
<i>LYSMD2</i>	3.93E-25	0.550	2.71E-23
<i>C1orf162</i>	4.04E-25	0.550	2.79E-23
<i>IGHM</i>	4.54E-25	0.550	3.12E-23
<i>IGHG4</i>	5.53E-25	0.549	3.77E-23
<i>TMEM156</i>	6.00E-25	0.548	4.09E-23
<i>LAT</i>	6.42E-25	0.548	4.36E-23
<i>FCGR2B</i>	6.84E-25	0.548	4.64E-23
<i>CD163</i>	6.95E-25	0.548	4.70E-23
<i>MYO1G</i>	7.70E-25	0.547	5.19E-23
<i>HLA-C</i>	7.87E-25	0.547	5.31E-23
<i>IL15RA</i>	8.70E-25	0.547	5.84E-23
<i>IGHV3-23</i>	8.79E-25	0.547	5.90E-23
<i>HLA-F</i>	1.13E-24	0.546	7.58E-23
<i>CMPK2</i>	1.23E-24	0.545	8.22E-23
<i>IGHV4-31</i>	1.71E-24	0.544	1.13E-22

<i>ARHGEF6</i>	1.75E-24	0.544	1.16E-22
<i>FLT3LG</i>	1.80E-24	0.544	1.19E-22
<i>PRDM1</i>	1.95E-24	0.543	1.28E-22
<i>CD69</i>	2.29E-24	0.543	1.50E-22
<i>IGHG1</i>	2.33E-24	0.543	1.52E-22
<i>ABCD2</i>	2.35E-24	0.542	1.54E-22
<i>JAK2</i>	2.54E-24	0.542	1.66E-22
<i>VAMP5</i>	2.62E-24	0.542	1.71E-22
<i>THEMIS2</i>	2.64E-24	0.542	1.72E-22
<i>LOC643733</i>	2.72E-24	0.542	1.77E-22
<i>C5orf15</i>	2.80E-24	0.542	1.82E-22
<i>XRN1</i>	2.94E-24	0.542	1.90E-22
<i>TLR3</i>	3.22E-24	0.541	2.08E-22
<i>IFI44L</i>	3.79E-24	0.540	2.43E-22
<i>FCGR3B</i>	3.94E-24	0.540	2.52E-22
<i>BZRAP1-AS1</i>	4.08E-24	0.540	2.61E-22
<i>APOL1</i>	4.85E-24	0.539	3.09E-22
<i>TESPA1</i>	5.43E-24	0.539	3.46E-22
<i>GJD3</i>	6.14E-24	0.538	3.90E-22
<i>DDX60</i>	6.89E-24	0.538	4.35E-22
<i>FCGR3A</i>	7.89E-24	0.537	4.97E-22
<i>IGHD</i>	8.16E-24	0.537	5.13E-22
<i>GNG2</i>	8.86E-24	0.537	5.55E-22
<i>LOC102723479</i>	9.82E-24	0.536	6.15E-22
<i>TNFSF8</i>	1.15E-23	0.536	7.16E-22
<i>CLEC12A</i>	1.19E-23	0.535	7.41E-22
<i>IGHG3</i>	1.19E-23	0.535	7.41E-22
<i>MS4A7</i>	1.23E-23	0.535	7.62E-22
<i>CD80</i>	1.63E-23	0.534	1.00E-21
<i>SRGN</i>	1.79E-23	0.534	1.10E-21
<i>IFI35</i>	1.86E-23	0.533	1.14E-21
<i>IGHA1</i>	1.99E-23	0.533	1.21E-21
<i>C3AR1</i>	2.14E-23	0.533	1.30E-21
<i>CLEC7A</i>	2.16E-23	0.533	1.31E-21
<i>CELF2</i>	2.37E-23	0.532	1.44E-21
<i>MIR5193</i>	3.25E-23	0.531	1.96E-21
<i>UBA7</i>	3.25E-23	0.531	1.96E-21
<i>ETS1</i>	3.49E-23	0.531	2.09E-21
<i>HLA-B</i>	3.60E-23	0.530	2.16E-21
<i>CXCR4</i>	3.68E-23	0.530	2.20E-21
<i>VAV1</i>	3.86E-23	0.530	2.30E-21
<i>CCR1</i>	3.89E-23	0.530	2.32E-21
<i>SH2D1B</i>	4.38E-23	0.530	2.60E-21
<i>IFI30</i>	4.60E-23	0.529	2.73E-21
<i>PSMB8</i>	4.91E-23	0.529	2.91E-21
<i>APOE</i>	5.50E-23	0.529	3.25E-21
<i>TLR4</i>	5.98E-23	0.528	3.52E-21
<i>KIR3DL2</i>	6.24E-23	0.528	3.67E-21
<i>PREX1</i>	6.55E-23	0.528	3.84E-21
<i>PIK3R5</i>	6.63E-23	0.528	3.88E-21
<i>LCP2</i>	6.67E-23	0.528	3.91E-21
<i>DDX58</i>	7.05E-23	0.527	4.12E-21
<i>C21orf91</i>	9.62E-23	0.526	5.59E-21
<i>PARP3</i>	9.75E-23	0.526	5.66E-21
<i>HLA-J</i>	1.04E-22	0.526	6.03E-21
<i>LRMP</i>	1.51E-22	0.524	8.67E-21

<i>MYO1F</i>	1.75E-22	0.523	1.01E-20
<i>LOC101927933</i>	1.81E-22	0.523	1.04E-20
<i>LRRC8C</i>	1.81E-22	0.523	1.04E-20
<i>TRBV19</i>	1.97E-22	0.523	1.13E-20
<i>CLEC4A</i>	2.36E-22	0.522	1.34E-20
<i>CR1</i>	2.48E-22	0.522	1.41E-20
<i>TNFRSF14</i>	2.54E-22	0.522	1.44E-20
<i>IGHA2</i>	2.66E-22	0.521	1.51E-20
<i>TOX2</i>	2.84E-22	0.521	1.61E-20
<i>OASL</i>	3.43E-22	0.520	1.93E-20
<i>CD33</i>	4.00E-22	0.519	2.25E-20
<i>NMI</i>	4.04E-22	0.519	2.26E-20
<i>STAPI</i>	4.32E-22	0.519	2.42E-20
<i>FGD3</i>	4.71E-22	0.519	2.63E-20
<i>MAFB</i>	4.80E-22	0.519	2.68E-20
<i>ADORA3</i>	5.03E-22	0.518	2.80E-20
<i>LILRB3</i>	5.27E-22	0.518	2.93E-20
<i>C10orf128</i>	5.40E-22	0.518	3.00E-20
<i>ERAPI</i>	5.54E-22	0.518	3.07E-20
<i>DRAM1</i>	6.93E-22	0.517	3.81E-20
<i>RAB8B</i>	7.02E-22	0.517	3.86E-20
<i>LOC102725526</i>	7.86E-22	0.516	4.31E-20
<i>APOC1</i>	7.90E-22	0.516	4.32E-20
<i>DAPPI</i>	8.56E-22	0.516	4.68E-20
<i>KIR3DL1</i>	9.17E-22	0.515	5.00E-20
<i>GPR183</i>	1.10E-21	0.515	5.95E-20
<i>IGLJ3</i>	1.21E-21	0.514	6.53E-20
<i>LOC374443</i>	1.41E-21	0.513	7.59E-20
<i>TAPBPL</i>	1.42E-21	0.513	7.67E-20
<i>FAM49A</i>	1.52E-21	0.513	8.19E-20
<i>TNFRSF9</i>	1.55E-21	0.513	8.32E-20
<i>TLR7</i>	1.81E-21	0.512	9.67E-20
<i>CLIC2</i>	1.83E-21	0.512	9.77E-20
<i>LOC101928152</i>	1.97E-21	0.512	1.05E-19
<i>CCL4</i>	2.24E-21	0.511	1.19E-19
<i>IFIT2</i>	2.32E-21	0.511	1.23E-19
<i>TIFA</i>	2.36E-21	0.511	1.25E-19
<i>PLEK</i>	2.71E-21	0.510	1.43E-19
<i>LGMN</i>	2.90E-21	0.510	1.53E-19
<i>HCK</i>	3.30E-21	0.509	1.72E-19
<i>CD6</i>	3.36E-21	0.509	1.75E-19
<i>LAT2</i>	3.53E-21	0.509	1.84E-19
<i>BST2</i>	3.58E-21	0.509	1.86E-19
<i>FLJ32255</i>	3.73E-21	0.509	1.94E-19
<i>IGHG2</i>	4.41E-21	0.508	2.28E-19
<i>LIPA</i>	4.70E-21	0.508	2.43E-19
<i>CAMK4</i>	4.99E-21	0.507	2.57E-19
<i>RTP4</i>	5.41E-21	0.507	2.78E-19
<i>TLR10</i>	5.86E-21	0.507	3.00E-19
<i>PLA2G2D</i>	6.51E-21	0.506	3.32E-19
<i>ST3GAL5</i>	7.02E-21	0.506	3.57E-19
<i>BATF2</i>	7.42E-21	0.505	3.77E-19
<i>PRKCB</i>	7.59E-21	0.505	3.85E-19
<i>OPTN</i>	8.49E-21	0.505	4.30E-19
<i>SPI00</i>	8.73E-21	0.505	4.41E-19
<i>HLA-DOB</i>	8.75E-21	0.505	4.42E-19

<i>MNDA</i>	9.28E-21	0.504	4.67E-19
<i>FAM65B</i>	9.31E-21	0.504	4.68E-19
<i>PSTPIP1</i>	9.61E-21	0.504	4.83E-19
<i>MAT2B</i>	1.21E-20	0.503	6.04E-19
<i>NPL</i>	1.36E-20	0.502	6.75E-19
<i>LY86</i>	1.67E-20	0.501	8.26E-19
<i>ZNF831</i>	1.84E-20	0.501	9.10E-19
<i>PLA2G7</i>	1.87E-20	0.501	9.23E-19
<i>LRRK2</i>	2.01E-20	0.500	9.90E-19
<i>APOL2</i>	2.10E-20	0.500	1.03E-18
<i>AMICA1</i>	2.22E-20	0.500	1.09E-18
<i>LSP1</i>	2.23E-20	0.500	1.09E-18
<i>IFITM1</i>	2.77E-20	0.499	1.35E-18
<i>TYMP</i>	2.97E-20	0.499	1.44E-18
<i>KLHDC7B</i>	3.39E-20	0.498	1.64E-18
<i>HLA-DQA1</i>	3.69E-20	0.497	1.78E-18
<i>NRROS</i>	3.88E-20	0.497	1.87E-18
<i>SECTM1</i>	3.95E-20	0.497	1.91E-18
<i>VCAM1</i>	4.43E-20	0.497	2.14E-18
<i>MEI1</i>	4.96E-20	0.496	2.38E-18
<i>PARP8</i>	5.08E-20	0.496	2.44E-18
<i>WDR7</i>	5.68E-20	0.495	2.71E-18
<i>PARP14</i>	5.93E-20	0.495	2.83E-18
<i>IRF4</i>	7.64E-20	0.494	3.61E-18
<i>CEP120</i>	8.22E-20	0.493	3.88E-18
<i>LILRB2</i>	8.64E-20	0.493	4.07E-18
<i>GPR82</i>	9.51E-20	0.493	4.47E-18
<i>CHST11</i>	1.04E-19	0.492	4.88E-18
<i>CKAP2</i>	1.09E-19	0.492	5.10E-18
<i>SMAP2</i>	1.49E-19	0.490	6.97E-18
<i>IGH</i>	1.55E-19	0.490	7.24E-18
<i>HMHA1</i>	1.58E-19	0.490	7.34E-18
<i>PIM2</i>	1.62E-19	0.490	7.55E-18
<i>SLC8A1</i>	1.71E-19	0.490	7.93E-18
<i>IGLV@</i>	1.72E-19	0.490	7.97E-18
<i>PML</i>	1.89E-19	0.489	8.73E-18
<i>RNF213</i>	1.95E-19	0.489	8.99E-18
<i>EVL</i>	2.01E-19	0.489	9.26E-18
<i>GLUL</i>	2.02E-19	0.489	9.29E-18
<i>FCRL3</i>	2.47E-19	0.488	1.14E-17
<i>SNX10</i>	2.71E-19	0.487	1.24E-17
<i>ALOX5AP</i>	3.67E-19	0.486	1.66E-17
<i>IGLC1</i>	4.16E-19	0.485	1.88E-17
<i>NAPSB</i>	4.85E-19	0.484	2.18E-17
<i>IGLV1-44</i>	6.13E-19	0.483	2.74E-17
<i>SERPING1</i>	6.23E-19	0.483	2.78E-17
<i>CCR8</i>	6.78E-19	0.482	3.02E-17
<i>RNF19B</i>	7.80E-19	0.482	3.47E-17
<i>SQRDL</i>	7.87E-19	0.482	3.50E-17
<i>GIT2</i>	8.33E-19	0.481	3.69E-17
<i>GLIPR2</i>	8.39E-19	0.481	3.72E-17
<i>GCHI</i>	8.69E-19	0.481	3.84E-17
<i>FCGR2C</i>	8.97E-19	0.481	3.96E-17
<i>SLC2A5</i>	8.98E-19	0.481	3.96E-17
<i>STAT5A</i>	9.17E-19	0.481	4.04E-17
<i>SUCNRI</i>	1.26E-18	0.479	5.48E-17

<i>HSH2D</i>	1.29E-18	0.479	5.62E-17
<i>SIGLEC7</i>	1.29E-18	0.479	5.63E-17
<i>RGS10</i>	1.40E-18	0.479	6.09E-17
<i>ICAM1</i>	1.59E-18	0.478	6.91E-17
<i>VSIG4</i>	1.68E-18	0.478	7.27E-17
<i>IFITM2</i>	1.81E-18	0.477	7.78E-17
<i>ABI3</i>	1.93E-18	0.477	8.30E-17
<i>MIR8071-1</i>	1.96E-18	0.477	8.40E-17
<i>MIR8071-2</i>	1.96E-18	0.477	8.40E-17
<i>N4BP2L1</i>	2.04E-18	0.477	8.75E-17
<i>MYO5A</i>	2.07E-18	0.476	8.88E-17
<i>FAM179A</i>	2.09E-18	0.476	8.94E-17
<i>GGTA1P</i>	2.43E-18	0.476	1.03E-16
<i>IGLL5</i>	2.69E-18	0.475	1.14E-16
<i>CCL8</i>	3.20E-18	0.474	1.35E-16
<i>GCSAM</i>	3.40E-18	0.474	1.43E-16
<i>GATA3</i>	3.58E-18	0.474	1.50E-16
<i>CFLAR</i>	3.68E-18	0.473	1.54E-16
<i>MX1</i>	3.76E-18	0.473	1.57E-16
<i>TM6SF1</i>	3.83E-18	0.473	1.60E-16
<i>IL32</i>	3.89E-18	0.473	1.63E-16
<i>ACKR4</i>	4.34E-18	0.472	1.81E-16
<i>KCNA3</i>	4.58E-18	0.472	1.90E-16
<i>IGKC</i>	4.76E-18	0.472	1.97E-16
<i>IGK</i>	4.89E-18	0.472	2.02E-16
<i>IFI44</i>	5.23E-18	0.471	2.15E-16
<i>DEF6</i>	5.41E-18	0.471	2.22E-16
<i>PILRA</i>	5.56E-18	0.471	2.28E-16
<i>TRAF1</i>	5.73E-18	0.471	2.34E-16
<i>CCDC109B</i>	9.38E-18	0.468	3.81E-16
<i>MRC1</i>	1.15E-17	0.467	4.65E-16
<i>SLC9A9</i>	1.31E-17	0.466	5.25E-16
<i>RUNX3</i>	1.38E-17	0.466	5.54E-16
<i>TMC8</i>	1.38E-17	0.466	5.55E-16
<i>HLA-DRB6</i>	1.42E-17	0.466	5.67E-16
<i>WAS</i>	1.47E-17	0.466	5.88E-16
<i>SH2B3</i>	1.57E-17	0.465	6.24E-16
<i>TMED7-TICAM2</i>	1.73E-17	0.465	6.89E-16
<i>LOC101929272</i>	1.83E-17	0.465	7.24E-16
<i>APOBEC3C</i>	1.94E-17	0.464	7.68E-16
<i>IL4I1</i>	2.07E-17	0.464	8.18E-16
<i>AKAP5</i>	2.15E-17	0.464	8.50E-16
<i>1-Sep</i>	2.39E-17	0.463	9.42E-16
<i>KIR3DL3</i>	2.40E-17	0.463	9.45E-16
<i>CFHR1</i>	2.89E-17	0.462	1.14E-15
<i>ATP10D</i>	3.17E-17	0.461	1.24E-15
<i>SYTL3</i>	3.57E-17	0.461	1.40E-15
<i>CD180</i>	3.61E-17	0.461	1.41E-15
<i>MLKL</i>	3.95E-17	0.460	1.54E-15
<i>PTAFR</i>	4.20E-17	0.460	1.64E-15
<i>MAX</i>	4.23E-17	0.460	1.64E-15
<i>HLA-A</i>	4.66E-17	0.459	1.81E-15
<i>ATP6V1B2</i>	4.74E-17	0.459	1.84E-15
<i>USP18</i>	5.48E-17	0.458	2.12E-15
<i>AKNA</i>	6.85E-17	0.457	2.63E-15
<i>MZB1</i>	7.06E-17	0.457	2.70E-15

<i>CLEC4E</i>	7.27E-17	0.457	2.78E-15
<i>CD1D</i>	7.61E-17	0.456	2.91E-15
<i>ITGAM</i>	7.87E-17	0.456	3.00E-15
<i>SPCS3</i>	8.01E-17	0.456	3.06E-15
<i>CSF2RA</i>	8.03E-17	0.456	3.06E-15
<i>FCGR2A</i>	8.23E-17	0.456	3.14E-15
<i>STK10</i>	8.35E-17	0.456	3.18E-15
<i>KCNJ10</i>	9.22E-17	0.455	3.50E-15
<i>IL18R1</i>	9.33E-17	0.455	3.54E-15
<i>MCOLN2</i>	9.34E-17	0.455	3.54E-15
<i>CLEC10A</i>	9.52E-17	0.455	3.60E-15
<i>ADGRE1</i>	9.67E-17	0.455	3.66E-15
<i>PSAP</i>	1.23E-16	0.454	4.62E-15
<i>CD40</i>	1.29E-16	0.453	4.85E-15
<i>CR1L</i>	1.36E-16	0.453	5.10E-15
<i>GRAP2</i>	1.48E-16	0.453	5.55E-15
<i>ENPP2</i>	1.49E-16	0.453	5.59E-15
<i>CIITA</i>	1.63E-16	0.452	6.11E-15
<i>LINC01094</i>	1.65E-16	0.452	6.16E-15
<i>FBXO6</i>	1.78E-16	0.452	6.63E-15
<i>FERMT3</i>	1.90E-16	0.451	7.05E-15
<i>LACTB</i>	2.02E-16	0.451	7.44E-15
<i>PCED1B</i>	2.15E-16	0.450	7.94E-15
<i>CD3E</i>	2.59E-16	0.449	9.53E-15
<i>CD14</i>	2.90E-16	0.449	1.06E-14
<i>KIAA0922</i>	2.98E-16	0.449	1.09E-14
<i>ADAP2</i>	3.30E-16	0.448	1.20E-14
<i>HLA-DRB3</i>	3.60E-16	0.447	1.31E-14
<i>NLRC4</i>	3.91E-16	0.447	1.42E-14
<i>P2RX5</i>	4.03E-16	0.447	1.46E-14
<i>SKAPI</i>	4.10E-16	0.447	1.49E-14
<i>HPS5</i>	4.21E-16	0.446	1.52E-14
<i>HLA-DRB5</i>	5.05E-16	0.445	1.81E-14
<i>CYAT1</i>	5.07E-16	0.445	1.82E-14
<i>TICAM2</i>	5.35E-16	0.445	1.92E-14
<i>EBI3</i>	5.55E-16	0.445	1.99E-14
<i>GPR34</i>	5.59E-16	0.445	2.00E-14
<i>CCL18</i>	5.93E-16	0.444	2.12E-14
<i>EPS15</i>	7.05E-16	0.443	2.51E-14
<i>MS4A1</i>	7.85E-16	0.443	2.79E-14
<i>MDFIC</i>	8.44E-16	0.442	2.99E-14
<i>FBXW7</i>	1.02E-15	0.441	3.59E-14
<i>GPNMB</i>	1.06E-15	0.441	3.72E-14
<i>ACAPI</i>	1.16E-15	0.440	4.05E-14
<i>CCR7</i>	1.16E-15	0.440	4.08E-14
<i>NFAM1</i>	1.21E-15	0.440	4.22E-14
<i>MSR1</i>	1.25E-15	0.440	4.37E-14
<i>CTSO</i>	1.38E-15	0.439	4.81E-14
<i>LINC00158</i>	1.40E-15	0.439	4.88E-14
<i>CNOT6L</i>	1.44E-15	0.439	5.00E-14
<i>SAMD9</i>	1.53E-15	0.439	5.32E-14
<i>HERC5</i>	1.53E-15	0.439	5.32E-14
<i>LTB</i>	1.54E-15	0.439	5.34E-14
<i>LOC101928429</i>	1.72E-15	0.438	5.93E-14
<i>CTSLP8</i>	1.76E-15	0.438	6.07E-14
<i>BCL2</i>	1.78E-15	0.438	6.14E-14

<i>KLRG1</i>	1.85E-15	0.438	6.34E-14
<i>TAPBP</i>	1.99E-15	0.437	6.81E-14
<i>IL12B</i>	2.24E-15	0.436	7.64E-14
<i>NCF2</i>	2.33E-15	0.436	7.94E-14
<i>SLFN5</i>	2.46E-15	0.436	8.35E-14
<i>HK3</i>	2.68E-15	0.435	9.09E-14
<i>IL12RB2</i>	2.75E-15	0.435	9.29E-14
<i>CD19</i>	3.41E-15	0.434	1.14E-13
<i>BLVRA</i>	3.45E-15	0.434	1.16E-13
<i>IL7</i>	3.58E-15	0.433	1.20E-13
<i>C19orf66</i>	3.86E-15	0.433	1.29E-13
<i>FRMD3</i>	4.38E-15	0.432	1.46E-13
<i>LILRB5</i>	4.40E-15	0.432	1.46E-13
<i>CFH</i>	4.51E-15	0.432	1.50E-13
<i>TNFRSF1B</i>	4.89E-15	0.432	1.62E-13
<i>RAPGEF6</i>	5.46E-15	0.431	1.80E-13
<i>SEC14L1</i>	6.85E-15	0.429	2.24E-13
<i>KAT2B</i>	6.86E-15	0.429	2.25E-13
<i>MCTP1</i>	6.91E-15	0.429	2.26E-13
<i>PLEKHO2</i>	6.92E-15	0.429	2.26E-13
<i>PLEKHO1</i>	6.92E-15	0.429	2.26E-13
<i>PNOC</i>	7.03E-15	0.429	2.30E-13
<i>ATP8B4</i>	7.17E-15	0.429	2.34E-13
<i>PPP1R18</i>	7.63E-15	0.429	2.48E-13
<i>CD79B</i>	8.21E-15	0.428	2.66E-13
<i>PLXNC1</i>	9.17E-15	0.428	2.96E-13
<i>N4BPI</i>	9.52E-15	0.427	3.07E-13
<i>CD209</i>	9.90E-15	0.427	3.19E-13
<i>FGR</i>	1.05E-14	0.427	3.38E-13
<i>NAIP</i>	1.06E-14	0.427	3.41E-13
<i>PECCIL-ADORA2</i>	1.06E-14	0.427	3.41E-13
<i>ADORA2A</i>	1.06E-14	0.427	3.41E-13
<i>CD37</i>	1.06E-14	0.427	3.41E-13
<i>APOBR</i>	1.14E-14	0.426	3.64E-13
<i>NFKB1</i>	1.19E-14	0.426	3.81E-13
<i>IFIT1</i>	1.24E-14	0.426	3.95E-13
<i>TRANK1</i>	1.29E-14	0.425	4.12E-13
<i>DNASE2</i>	1.57E-14	0.424	4.96E-13
<i>ADGRE2</i>	1.65E-14	0.424	5.20E-13
<i>GABBR1</i>	1.65E-14	0.424	5.20E-13
<i>LOC101930405</i>	1.83E-14	0.423	5.74E-13
<i>CTSL</i>	1.94E-14	0.423	6.07E-13
<i>P2RY14</i>	1.95E-14	0.423	6.10E-13
<i>LINC00944</i>	2.05E-14	0.422	6.42E-13
<i>RILPL2</i>	2.08E-14	0.422	6.51E-13
<i>LGALS9</i>	2.08E-14	0.422	6.52E-13
<i>MSN</i>	2.12E-14	0.422	6.62E-13
<i>SLC1A3</i>	2.26E-14	0.422	7.05E-13
<i>ADCY7</i>	2.62E-14	0.421	8.13E-13
<i>HVCN1</i>	2.85E-14	0.420	8.82E-13
<i>CASP4</i>	2.92E-14	0.420	9.01E-13
<i>RNF166</i>	2.92E-14	0.420	9.01E-13
<i>IRF9</i>	3.01E-14	0.420	9.26E-13
<i>CD5</i>	3.25E-14	0.419	9.99E-13
<i>FCRL5</i>	3.30E-14	0.419	1.01E-12
<i>CEP128</i>	3.41E-14	0.419	1.05E-12

<i>LOC100293211</i>	3.51E-14	0.419	1.07E-12
<i>ISG20</i>	3.56E-14	0.419	1.09E-12
<i>TRIM5</i>	3.74E-14	0.419	1.14E-12
<i>PATL2</i>	3.75E-14	0.419	1.15E-12
<i>SLCO2B1</i>	3.90E-14	0.418	1.19E-12
<i>ITM2A</i>	4.07E-14	0.418	1.24E-12
<i>RASSF4</i>	4.24E-14	0.418	1.29E-12
<i>PDE4B</i>	4.46E-14	0.417	1.36E-12
<i>TRIM6-TRIM34</i>	4.64E-14	0.417	1.41E-12
<i>TRIM34</i>	4.64E-14	0.417	1.41E-12
<i>GLCCII</i>	4.76E-14	0.417	1.44E-12
<i>ARHGEF3</i>	5.10E-14	0.417	1.54E-12
<i>CDK17</i>	5.40E-14	0.416	1.63E-12
<i>BCL2A1</i>	7.10E-14	0.414	2.13E-12
<i>ERAP2</i>	7.45E-14	0.414	2.23E-12
<i>SUSD3</i>	7.50E-14	0.414	2.24E-12
<i>DTX3L</i>	7.80E-14	0.414	2.33E-12
<i>SMCHD1</i>	7.99E-14	0.414	2.38E-12
<i>GPSM3</i>	8.42E-14	0.413	2.51E-12
<i>ASAH1</i>	8.48E-14	0.413	2.52E-12
<i>CSF1R</i>	8.59E-14	0.413	2.55E-12
<i>FKBP5</i>	8.66E-14	0.413	2.57E-12
<i>PCED1B-AS1</i>	8.77E-14	0.413	2.60E-12
<i>TXNIP</i>	9.02E-14	0.413	2.67E-12
<i>MBNL1</i>	9.39E-14	0.412	2.78E-12
<i>ME2</i>	9.73E-14	0.412	2.87E-12
<i>RASGRP3</i>	9.91E-14	0.412	2.92E-12
<i>PCGF5</i>	9.99E-14	0.412	2.95E-12
<i>SLC16A6</i>	1.15E-13	0.411	3.37E-12
<i>SRR</i>	1.15E-13	0.411	3.37E-12
<i>LOC102725426</i>	1.34E-13	0.410	3.92E-12
<i>TSHR</i>	1.39E-13	0.410	4.07E-12
<i>TMEM155</i>	1.43E-13	0.410	4.16E-12
<i>P2RY12</i>	1.54E-13	0.409	4.47E-12
<i>EPB41L3</i>	1.70E-13	0.409	4.94E-12
<i>CARD8-AS1</i>	1.96E-13	0.408	5.65E-12
<i>FCRLA</i>	1.97E-13	0.408	5.67E-12
<i>LOC101929889</i>	2.04E-13	0.407	5.86E-12
<i>HSF5</i>	2.25E-13	0.407	6.45E-12
<i>EAF2</i>	2.33E-13	0.406	6.67E-12
<i>ZEB2</i>	2.46E-13	0.406	7.04E-12
<i>GSTO1</i>	2.50E-13	0.406	7.12E-12
<i>MR1</i>	2.53E-13	0.406	7.21E-12
<i>RGS19</i>	2.98E-13	0.405	8.46E-12
<i>LOC100509457</i>	3.03E-13	0.405	8.59E-12
<i>RBM43</i>	3.15E-13	0.404	8.90E-12
<i>ZNF101</i>	3.34E-13	0.404	9.44E-12
<i>RASSF2</i>	3.36E-13	0.404	9.49E-12
<i>CX3CL1</i>	3.56E-13	0.404	1.00E-11
<i>PIP4K2A</i>	3.60E-13	0.403	1.01E-11
<i>C1orf54</i>	3.60E-13	0.403	1.01E-11
<i>6-Sep</i>	3.72E-13	0.403	1.04E-11
<i>UCP2</i>	4.55E-13	0.402	1.27E-11
<i>PXK</i>	4.88E-13	0.401	1.35E-11
<i>MPP1</i>	4.92E-13	0.401	1.36E-11
<i>MOB3A</i>	4.99E-13	0.401	1.38E-11

<i>TMEM106A</i>	5.00E-13	0.401	1.38E-11
<i>S1PR4</i>	5.24E-13	0.401	1.44E-11
<i>HPSE</i>	5.46E-13	0.401	1.50E-11
<i>SLC25A28</i>	5.49E-13	0.401	1.51E-11
<i>CD68</i>	5.60E-13	0.400	1.54E-11
<i>FAM46C</i>	6.05E-13	0.400	1.66E-11
<i>CYTH4</i>	6.12E-13	0.400	1.68E-11
<i>PLD3</i>	6.80E-13	0.399	1.85E-11
<i>LEPROTL1</i>	7.08E-13	0.399	1.92E-11
<i>UBE2D1</i>	7.43E-13	0.398	2.01E-11
<i>VNN2</i>	8.16E-13	0.398	2.20E-11
<i>UBE2J1</i>	8.23E-13	0.398	2.22E-11
<i>CNEPIR1</i>	8.29E-13	0.398	2.23E-11
<i>TNFRSF17</i>	8.36E-13	0.398	2.25E-11
<i>CMAHP</i>	8.65E-13	0.397	2.32E-11
<i>LOC100507535</i>	9.61E-13	0.397	2.57E-11
<i>LOC101928667</i>	9.86E-13	0.396	2.63E-11
<i>ARAP2</i>	9.86E-13	0.396	2.63E-11
<i>ARL4C</i>	9.93E-13	0.396	2.65E-11
<i>C9orf91</i>	1.22E-12	0.395	3.22E-11
<i>CARD8</i>	1.22E-12	0.395	3.24E-11
<i>MOB3C</i>	1.29E-12	0.395	3.41E-11
<i>BASPI</i>	1.37E-12	0.394	3.62E-11
<i>PNRC1</i>	1.42E-12	0.394	3.74E-11
<i>IFITM3</i>	1.58E-12	0.393	4.13E-11
<i>ANKRD32</i>	1.69E-12	0.393	4.39E-11
<i>LINC01312</i>	1.70E-12	0.393	4.42E-11
<i>BATF3</i>	2.11E-12	0.391	5.45E-11
<i>CD79A</i>	2.18E-12	0.391	5.62E-11
<i>ELL2</i>	2.20E-12	0.391	5.67E-11
<i>COTL1</i>	2.22E-12	0.391	5.73E-11
<i>RAB27A</i>	2.24E-12	0.391	5.77E-11
<i>CTBS</i>	2.25E-12	0.391	5.80E-11
<i>TANK</i>	2.40E-12	0.390	6.16E-11
<i>CD83</i>	2.61E-12	0.390	6.65E-11
<i>LOC100505549</i>	2.61E-12	0.390	6.67E-11
<i>LILRA6</i>	2.68E-12	0.389	6.83E-11
<i>TBXAS1</i>	2.85E-12	0.389	7.24E-11
<i>CCDC69</i>	3.08E-12	0.388	7.80E-11
<i>IRF7</i>	3.09E-12	0.388	7.81E-11
<i>HACD4</i>	3.11E-12	0.388	7.86E-11
<i>OSCAR</i>	3.12E-12	0.388	7.89E-11
<i>LINC00847</i>	3.16E-12	0.388	7.97E-11
<i>FCHO2</i>	3.18E-12	0.388	8.01E-11
<i>FCMR</i>	3.26E-12	0.388	8.22E-11
<i>SEMA4D</i>	3.31E-12	0.388	8.33E-11
<i>CYFIP2</i>	3.33E-12	0.388	8.36E-11
<i>NIN</i>	3.39E-12	0.388	8.52E-11
<i>HIVEP3</i>	3.51E-12	0.387	8.79E-11
<i>CD101</i>	3.57E-12	0.387	8.95E-11
<i>CIS</i>	3.60E-12	0.387	9.01E-11
<i>SGTB</i>	3.70E-12	0.387	9.25E-11
<i>HLA-DQB2</i>	3.79E-12	0.387	9.45E-11
<i>IGLV6-57</i>	4.05E-12	0.386	1.01E-10
<i>BMS1P20</i>	4.19E-12	0.386	1.04E-10
<i>TMEM30A</i>	4.34E-12	0.386	1.08E-10

<i>IL2RG</i>	4.49E-12	0.386	1.11E-10
<i>PKHD1L1</i>	4.54E-12	0.386	1.12E-10
<i>HCP5</i>	5.07E-12	0.385	1.25E-10
<i>NXPE3</i>	5.33E-12	0.384	1.31E-10
<i>RAB39B</i>	5.43E-12	0.384	1.34E-10
<i>LINC00324</i>	6.09E-12	0.383	1.49E-10
<i>ABCA1</i>	6.55E-12	0.383	1.60E-10
<i>SLC47A1</i>	6.75E-12	0.383	1.64E-10
<i>ARRDC3</i>	6.85E-12	0.383	1.67E-10
<i>CIRL</i>	6.98E-12	0.382	1.70E-10
<i>KIAA0125</i>	7.23E-12	0.382	1.75E-10
<i>MAF</i>	7.74E-12	0.382	1.87E-10
<i>DSE</i>	7.79E-12	0.382	1.88E-10
<i>CRLF3</i>	8.55E-12	0.381	2.06E-10
<i>TLR2</i>	8.60E-12	0.381	2.07E-10
<i>XCR1</i>	8.96E-12	0.381	2.15E-10
<i>FCHSD2</i>	9.27E-12	0.380	2.22E-10
<i>LOC102723407</i>	9.43E-12	0.380	2.26E-10
<i>TMEM71</i>	1.00E-11	0.380	2.40E-10
<i>RASGEF1B</i>	1.20E-11	0.378	2.86E-10
<i>DDX60L</i>	1.22E-11	0.378	2.91E-10
<i>PITPNC1</i>	1.23E-11	0.378	2.92E-10
<i>HS3ST3B1</i>	1.25E-11	0.378	2.96E-10
<i>LOC101926963</i>	1.26E-11	0.378	2.99E-10
<i>OAZ1</i>	1.28E-11	0.378	3.04E-10
<i>LNPEP</i>	1.42E-11	0.377	3.35E-10
<i>PLSCR1</i>	1.44E-11	0.377	3.40E-10
<i>ELMO1</i>	1.48E-11	0.377	3.48E-10
<i>LOC101928716</i>	1.55E-11	0.376	3.65E-10
<i>CYB5R4</i>	1.60E-11	0.376	3.75E-10
<i>PLCL2</i>	1.70E-11	0.376	3.97E-10
<i>HLA-DPB2</i>	1.75E-11	0.376	4.08E-10
<i>LOC101928620</i>	1.75E-11	0.376	4.09E-10
<i>POU2AF1</i>	1.75E-11	0.376	4.09E-10
<i>IGLL3P</i>	1.91E-11	0.375	4.44E-10
<i>GPBP1</i>	1.94E-11	0.375	4.51E-10
<i>LYSMD3</i>	2.18E-11	0.374	5.04E-10
<i>CD7</i>	2.29E-11	0.374	5.28E-10
<i>DNAJB9</i>	2.31E-11	0.373	5.33E-10
<i>MIER1</i>	2.35E-11	0.373	5.41E-10
<i>DCP2</i>	2.44E-11	0.373	5.60E-10
<i>ODF3B</i>	2.53E-11	0.373	5.81E-10
<i>PECAM1</i>	2.56E-11	0.373	5.88E-10
<i>RAB30</i>	2.65E-11	0.372	6.07E-10
<i>ICAM2</i>	2.82E-11	0.372	6.44E-10
<i>ITGB2-AS1</i>	2.86E-11	0.372	6.52E-10
<i>DHX58</i>	2.95E-11	0.372	6.72E-10
<i>CLNK</i>	3.30E-11	0.371	7.50E-10
<i>HTRA4</i>	3.51E-11	0.370	7.95E-10
<i>SH2D2A</i>	3.62E-11	0.370	8.19E-10
<i>IL23A</i>	3.71E-11	0.370	8.38E-10
<i>FLJ12120</i>	3.88E-11	0.370	8.72E-10
<i>UTRN</i>	3.89E-11	0.369	8.73E-10
<i>SCARF1</i>	3.90E-11	0.369	8.75E-10
<i>PLEKHA2</i>	3.91E-11	0.369	8.77E-10
<i>EDEM1</i>	3.96E-11	0.369	8.87E-10

<i>LOC100507516</i>	3.99E-11	0.369	8.93E-10
<i>SOCS1</i>	4.02E-11	0.369	9.00E-10
<i>PAXIP1-AS2</i>	4.21E-11	0.369	9.40E-10
<i>VPREB3</i>	4.63E-11	0.368	1.03E-09
<i>CAST</i>	4.70E-11	0.368	1.04E-09
<i>GAL3ST4</i>	4.74E-11	0.368	1.05E-09
<i>CREBL2</i>	6.03E-11	0.366	1.32E-09
<i>OAS3</i>	6.08E-11	0.366	1.33E-09
<i>TBC1D1</i>	6.16E-11	0.366	1.35E-09
<i>PAX5</i>	6.18E-11	0.366	1.35E-09
<i>ZCCHC8</i>	6.51E-11	0.366	1.42E-09
<i>SPN</i>	6.61E-11	0.365	1.44E-09
<i>LHFPL2</i>	7.00E-11	0.365	1.52E-09
<i>TPK1</i>	7.69E-11	0.364	1.66E-09
<i>ST8SIA1</i>	7.79E-11	0.364	1.68E-09
<i>RHBDF2</i>	7.91E-11	0.364	1.70E-09
<i>UBE2D3</i>	8.19E-11	0.364	1.76E-09
<i>LOC154761</i>	8.21E-11	0.364	1.77E-09
<i>CFHR2</i>	8.85E-11	0.363	1.89E-09
<i>C1R</i>	8.95E-11	0.363	1.92E-09
<i>TINF2</i>	9.05E-11	0.363	1.93E-09
<i>LOC101928054</i>	9.19E-11	0.363	1.96E-09
<i>DENND2D</i>	9.21E-11	0.363	1.96E-09
<i>IL7R</i>	9.59E-11	0.362	2.04E-09
<i>PRKCQ-AS1</i>	9.68E-11	0.362	2.06E-09
<i>CD300C</i>	1.07E-10	0.362	2.26E-09
<i>ITGAX</i>	1.15E-10	0.361	2.41E-09
<i>CEACAM21</i>	1.16E-10	0.361	2.44E-09
<i>DCK</i>	1.20E-10	0.361	2.51E-09
<i>NAGK</i>	1.20E-10	0.361	2.51E-09
<i>GLIPR1</i>	1.24E-10	0.360	2.59E-09
<i>OSTM1</i>	1.25E-10	0.360	2.60E-09
<i>FLT3</i>	1.26E-10	0.360	2.63E-09
<i>CDKN1B</i>	1.26E-10	0.360	2.63E-09
<i>SLC38A6</i>	1.29E-10	0.360	2.70E-09
<i>PRCP</i>	1.30E-10	0.360	2.71E-09
<i>ANKFY1</i>	1.35E-10	0.360	2.80E-09
<i>TXNDC15</i>	1.37E-10	0.360	2.84E-09
<i>MGAT1</i>	1.57E-10	0.359	3.24E-09
<i>TSPAN4</i>	1.64E-10	0.358	3.36E-09
<i>RAB42</i>	1.81E-10	0.357	3.70E-09
<i>RORA</i>	1.92E-10	0.357	3.91E-09
<i>GAPT</i>	2.03E-10	0.357	4.12E-09
<i>CCL19</i>	2.03E-10	0.356	4.13E-09
<i>SEC24A</i>	2.18E-10	0.356	4.42E-09
<i>IFFO1</i>	2.19E-10	0.356	4.44E-09
<i>HERPUD1</i>	2.23E-10	0.356	4.51E-09
<i>SCML4</i>	2.30E-10	0.355	4.64E-09
<i>ACP2</i>	2.31E-10	0.355	4.66E-09
<i>ZCCHC2</i>	2.40E-10	0.355	4.83E-09
<i>ANKRD36BP2</i>	2.42E-10	0.355	4.87E-09
<i>ISG15</i>	2.64E-10	0.354	5.28E-09
<i>ADAM28</i>	2.67E-10	0.354	5.34E-09
<i>ARSG</i>	2.68E-10	0.354	5.35E-09
<i>APBB1IP</i>	2.72E-10	0.354	5.42E-09
<i>ICAM3</i>	2.72E-10	0.354	5.43E-09

<i>IL27RA</i>	2.86E-10	0.354	5.70E-09
<i>VAMP3</i>	2.89E-10	0.354	5.75E-09
<i>MFSD1</i>	2.91E-10	0.354	5.79E-09
<i>ASPHD2</i>	3.17E-10	0.353	6.27E-09
<i>GUSBP11</i>	3.19E-10	0.353	6.30E-09
<i>EMP3</i>	3.32E-10	0.353	6.55E-09
<i>KIR2DL5A</i>	3.35E-10	0.352	6.60E-09
<i>IL6R</i>	3.37E-10	0.352	6.63E-09
<i>FGD2</i>	3.38E-10	0.352	6.64E-09
<i>NELL2</i>	3.55E-10	0.352	6.97E-09
<i>CLC</i>	3.55E-10	0.352	6.97E-09
<i>TMED7</i>	3.63E-10	0.352	7.12E-09
<i>NEDD1</i>	3.65E-10	0.352	7.16E-09
<i>PIK3API</i>	3.66E-10	0.352	7.17E-09
<i>ADPRM</i>	3.72E-10	0.352	7.28E-09
<i>TRAPPC11</i>	3.74E-10	0.352	7.31E-09
<i>PPMIK</i>	3.75E-10	0.352	7.33E-09
<i>TMX3</i>	3.80E-10	0.351	7.42E-09
<i>IDO2</i>	4.17E-10	0.351	8.12E-09
<i>RBPJ</i>	4.25E-10	0.350	8.26E-09
<i>GPR132</i>	4.33E-10	0.350	8.38E-09
<i>ADA</i>	4.50E-10	0.350	8.70E-09
<i>TNFAIP3</i>	4.53E-10	0.350	8.75E-09
<i>MYCBP2</i>	4.72E-10	0.350	9.10E-09
<i>BANK1</i>	4.78E-10	0.350	9.21E-09
<i>RHEBL1</i>	4.98E-10	0.349	9.57E-09
<i>IL6ST</i>	5.02E-10	0.349	9.65E-09
<i>MIR142</i>	5.06E-10	0.349	9.71E-09
<i>GNB4</i>	5.29E-10	0.349	1.01E-08
<i>OAS1</i>	5.45E-10	0.348	1.04E-08
<i>FCRL4</i>	5.49E-10	0.348	1.05E-08
<i>RHOG</i>	5.64E-10	0.348	1.08E-08
<i>BATF</i>	5.68E-10	0.348	1.08E-08
<i>FBXL5</i>	5.70E-10	0.348	1.09E-08
<i>MATK</i>	5.81E-10	0.348	1.11E-08
<i>ENTPDI</i>	6.14E-10	0.347	1.17E-08
<i>RIC1</i>	6.46E-10	0.347	1.22E-08
<i>HCG26</i>	6.66E-10	0.347	1.26E-08
<i>LINC01215</i>	7.10E-10	0.346	1.33E-08
<i>SIDT1</i>	7.13E-10	0.346	1.34E-08
<i>PJA2</i>	7.27E-10	0.346	1.36E-08
<i>PRKACB</i>	7.29E-10	0.346	1.37E-08
<i>SERTAD1</i>	7.43E-10	0.346	1.39E-08
<i>TNFSF14</i>	7.46E-10	0.346	1.40E-08
<i>PLCG2</i>	7.49E-10	0.346	1.40E-08
<i>TLR6</i>	7.60E-10	0.346	1.42E-08
<i>TMEM154</i>	7.98E-10	0.345	1.48E-08
<i>DPEP2</i>	8.04E-10	0.345	1.50E-08
<i>PDE4D</i>	8.15E-10	0.345	1.51E-08
<i>FOLR2</i>	8.37E-10	0.345	1.55E-08
<i>TRPV2</i>	8.65E-10	0.345	1.60E-08
<i>RFTN1</i>	8.93E-10	0.344	1.65E-08
<i>MICB</i>	9.28E-10	0.344	1.71E-08
<i>USP38</i>	9.41E-10	0.344	1.73E-08
<i>MILR1</i>	9.43E-10	0.344	1.74E-08
<i>FPR1</i>	9.50E-10	0.344	1.75E-08

<i>SLC2A3</i>	9.57E-10	0.344	1.76E-08
<i>PPM1M</i>	9.70E-10	0.344	1.78E-08
<i>ANXA2R</i>	9.71E-10	0.344	1.78E-08
<i>CXorf65</i>	9.76E-10	0.344	1.79E-08
<i>NINJI</i>	9.86E-10	0.343	1.81E-08
<i>IRF8</i>	9.92E-10	0.343	1.82E-08
<i>UBASH3B</i>	1.01E-09	0.343	1.84E-08
<i>MEF2C</i>	1.01E-09	0.343	1.84E-08
<i>AXL</i>	1.05E-09	0.343	1.91E-08
<i>PPP2R2B</i>	1.07E-09	0.343	1.95E-08
<i>FBXL17</i>	1.13E-09	0.342	2.06E-08
<i>FYN</i>	1.15E-09	0.342	2.09E-08
<i>MALT1</i>	1.22E-09	0.342	2.21E-08
<i>PLGRKT</i>	1.22E-09	0.342	2.21E-08
<i>CD4</i>	1.29E-09	0.341	2.33E-08
<i>TNFRSF4</i>	1.31E-09	0.341	2.36E-08
<i>MANEA</i>	1.35E-09	0.341	2.42E-08
<i>FCRL1</i>	1.38E-09	0.341	2.48E-08
<i>ZNF670-ZNF695</i>	1.40E-09	0.341	2.51E-08
<i>ZNF695</i>	1.40E-09	0.341	2.51E-08
<i>DNAJB14</i>	1.41E-09	0.340	2.52E-08
<i>LOC102724614</i>	1.42E-09	0.340	2.55E-08
<i>IFI6</i>	1.46E-09	0.340	2.61E-08
<i>GSTK1</i>	1.52E-09	0.340	2.72E-08
<i>PLEKHF1</i>	1.53E-09	0.340	2.72E-08
<i>CHST2</i>	1.55E-09	0.340	2.76E-08
<i>SAT1</i>	1.61E-09	0.339	2.85E-08
<i>CHST12</i>	1.63E-09	0.339	2.88E-08
<i>CCDC88C</i>	1.70E-09	0.339	3.00E-08
<i>JAK1</i>	1.71E-09	0.339	3.02E-08
<i>TNFSF4</i>	1.71E-09	0.339	3.03E-08
<i>FUCA1</i>	1.73E-09	0.339	3.06E-08
<i>ITPR1</i>	1.74E-09	0.339	3.07E-08
<i>MFNG</i>	1.77E-09	0.339	3.11E-08
<i>RBL2</i>	1.78E-09	0.338	3.12E-08
<i>U2AFIL4</i>	1.93E-09	0.338	3.37E-08
<i>RHOA</i>	2.00E-09	0.337	3.49E-08
<i>PTPN6</i>	2.04E-09	0.337	3.54E-08
<i>CASP7</i>	2.32E-09	0.336	4.00E-08
<i>CTSW</i>	2.54E-09	0.335	4.37E-08
<i>IFI27</i>	2.62E-09	0.335	4.47E-08
<i>LINC01260</i>	2.75E-09	0.335	4.68E-08
<i>GYPC</i>	2.79E-09	0.335	4.74E-08
<i>DNASE1L3</i>	2.89E-09	0.334	4.91E-08
<i>TGFB1</i>	2.97E-09	0.334	5.03E-08
<i>BMP2K</i>	3.16E-09	0.334	5.33E-08
<i>MT2A</i>	3.20E-09	0.333	5.39E-08
<i>LOC101927095</i>	3.22E-09	0.333	5.41E-08
<i>FAM20A</i>	3.23E-09	0.333	5.42E-08
<i>RBM7</i>	3.34E-09	0.333	5.60E-08
<i>LINC00582</i>	3.44E-09	0.333	5.76E-08
<i>DDB2</i>	3.47E-09	0.333	5.80E-08
<i>SLC2A14</i>	3.47E-09	0.333	5.81E-08
<i>DERL3</i>	3.51E-09	0.333	5.87E-08
<i>CKLF</i>	3.56E-09	0.332	5.94E-08
<i>GNA13</i>	3.70E-09	0.332	6.15E-08

<i>EMB</i>	3.70E-09	0.332	6.16E-08
<i>IL10</i>	3.75E-09	0.332	6.23E-08
<i>POU2F2</i>	3.88E-09	0.332	6.44E-08
<i>ADPRH</i>	4.33E-09	0.331	7.12E-08
<i>TNFAIP6</i>	4.59E-09	0.330	7.53E-08
<i>KIR2DL2</i>	5.00E-09	0.329	8.15E-08
<i>CKLF-CMTM1</i>	5.13E-09	0.329	8.33E-08
<i>SLFN11</i>	5.17E-09	0.329	8.39E-08
<i>LYN</i>	5.29E-09	0.329	8.57E-08
<i>LDLRAD4</i>	5.52E-09	0.329	8.92E-08
<i>ABCG1</i>	5.53E-09	0.329	8.93E-08
<i>CXorf21</i>	5.63E-09	0.328	9.10E-08
<i>INTS12</i>	5.93E-09	0.328	9.55E-08
<i>MOV10</i>	6.02E-09	0.328	9.68E-08
<i>CNOT8</i>	6.35E-09	0.327	1.02E-07
<i>ERLIN1</i>	6.43E-09	0.327	1.03E-07
<i>LOC101929134</i>	6.44E-09	0.327	1.03E-07
<i>HERC3</i>	6.44E-09	0.327	1.03E-07
<i>RECQL</i>	6.56E-09	0.327	1.05E-07
<i>SLC9A7</i>	6.80E-09	0.327	1.09E-07
<i>IFNAR2</i>	6.81E-09	0.327	1.09E-07
<i>KIR2DS5</i>	6.89E-09	0.327	1.10E-07
<i>CFD</i>	6.99E-09	0.327	1.11E-07
<i>HSD11B1</i>	7.03E-09	0.326	1.12E-07
<i>NPC2</i>	7.09E-09	0.326	1.13E-07
<i>MAP3K1</i>	7.12E-09	0.326	1.13E-07
<i>SARAF</i>	7.19E-09	0.326	1.14E-07
<i>MBD1</i>	7.25E-09	0.326	1.15E-07
<i>TNFRSF18</i>	7.34E-09	0.326	1.16E-07
<i>TOR1AIP1</i>	7.35E-09	0.326	1.16E-07
<i>OLR1</i>	7.72E-09	0.326	1.22E-07
<i>YIPF5</i>	7.75E-09	0.326	1.22E-07
<i>ER11</i>	7.81E-09	0.326	1.23E-07
<i>EXOSC9</i>	7.84E-09	0.325	1.23E-07
<i>CNTRL</i>	7.93E-09	0.325	1.25E-07
<i>C17orf62</i>	7.97E-09	0.325	1.25E-07
<i>SERPINB9</i>	8.23E-09	0.325	1.29E-07
<i>C9orf72</i>	8.37E-09	0.325	1.31E-07
<i>GPR84</i>	9.05E-09	0.324	1.41E-07
<i>LPAR6</i>	9.16E-09	0.324	1.42E-07
<i>CEP85L</i>	9.55E-09	0.324	1.48E-07
<i>NUDT6</i>	9.72E-09	0.324	1.51E-07
<i>GPR68</i>	9.93E-09	0.323	1.53E-07
<i>TMX1</i>	1.07E-08	0.323	1.64E-07
<i>RHBDD1</i>	1.07E-08	0.323	1.64E-07
<i>ATP11C</i>	1.08E-08	0.323	1.66E-07
<i>Data not found</i>	1.10E-08	0.322	1.68E-07
<i>MYD88</i>	1.10E-08	0.322	1.68E-07
<i>ADRB2</i>	1.11E-08	0.322	1.70E-07
<i>KIR2DS2</i>	1.13E-08	0.322	1.72E-07
<i>NCK1</i>	1.15E-08	0.322	1.74E-07
<i>SGPPI</i>	1.22E-08	0.322	1.84E-07
<i>MMP9</i>	1.44E-08	0.320	2.15E-07
<i>IGHV1-69</i>	1.45E-08	0.320	2.17E-07
<i>CENPC</i>	1.49E-08	0.320	2.22E-07
<i>QKI</i>	1.49E-08	0.320	2.22E-07

<i>REEP5</i>	1.50E-08	0.320	2.23E-07
<i>TMEM173</i>	1.51E-08	0.320	2.25E-07
<i>PMAIP1</i>	1.54E-08	0.319	2.29E-07
<i>FDCSP</i>	1.60E-08	0.319	2.37E-07
<i>NUB1</i>	1.60E-08	0.319	2.38E-07
<i>FGFBP2</i>	1.63E-08	0.319	2.41E-07
<i>ITGAE</i>	1.65E-08	0.319	2.44E-07
<i>ZFYVE26</i>	1.65E-08	0.319	2.44E-07
<i>PARP15</i>	1.72E-08	0.318	2.53E-07
<i>PTGER4</i>	1.76E-08	0.318	2.59E-07
<i>CLEC1A</i>	1.86E-08	0.318	2.72E-07
<i>TIMD4</i>	1.88E-08	0.318	2.75E-07
<i>INPP5D</i>	1.89E-08	0.317	2.76E-07
<i>KYNU</i>	1.93E-08	0.317	2.82E-07
<i>CTSZ</i>	2.07E-08	0.317	3.01E-07
<i>AIM1</i>	2.08E-08	0.317	3.01E-07
<i>CCL13</i>	2.17E-08	0.316	3.13E-07
<i>TREM2</i>	2.21E-08	0.316	3.19E-07
<i>HERC6</i>	2.22E-08	0.316	3.20E-07
<i>YTHDC2</i>	2.33E-08	0.316	3.35E-07
<i>TCL1A</i>	2.38E-08	0.315	3.41E-07
<i>ZMYM6NB</i>	2.43E-08	0.315	3.47E-07
<i>KLHL9</i>	2.46E-08	0.315	3.52E-07
<i>DOCK11</i>	2.47E-08	0.315	3.53E-07
<i>MMAA</i>	2.59E-08	0.315	3.68E-07
<i>TMEM52B</i>	2.60E-08	0.315	3.69E-07
<i>C10orf54</i>	2.64E-08	0.314	3.75E-07
<i>NCR1</i>	2.65E-08	0.314	3.75E-07
<i>FMNL1</i>	2.75E-08	0.314	3.88E-07
<i>ISCU</i>	2.83E-08	0.314	3.98E-07
<i>CEP170P1</i>	2.85E-08	0.314	4.00E-07
<i>CEP170</i>	2.85E-08	0.314	4.00E-07
<i>FKBP15</i>	2.85E-08	0.314	4.01E-07
<i>SH2D3C</i>	2.89E-08	0.314	4.05E-07
<i>FLVCR2</i>	2.99E-08	0.313	4.18E-07
<i>CTSB</i>	3.04E-08	0.313	4.24E-07
<i>C4orf32</i>	3.11E-08	0.313	4.33E-07
<i>LAIR2</i>	3.16E-08	0.313	4.39E-07
<i>CYTH1</i>	3.28E-08	0.312	4.54E-07
<i>SIGLEC5</i>	3.39E-08	0.312	4.68E-07
<i>GLRX</i>	3.41E-08	0.312	4.70E-07
<i>LOC101928634</i>	3.41E-08	0.312	4.70E-07
<i>POLR3GL</i>	3.48E-08	0.312	4.79E-07
<i>SIGLEC8</i>	3.49E-08	0.312	4.79E-07
<i>CCDC68</i>	3.49E-08	0.312	4.80E-07
<i>CPNE5</i>	3.57E-08	0.312	4.90E-07
<i>ISOC1</i>	3.68E-08	0.311	5.03E-07
<i>GCA</i>	3.68E-08	0.311	5.04E-07
<i>LOC102723779</i>	3.74E-08	0.311	5.11E-07
<i>HELQ</i>	3.74E-08	0.311	5.11E-07
<i>HIAT1</i>	3.91E-08	0.311	5.33E-07
<i>BTG1</i>	4.03E-08	0.310	5.48E-07
<i>FAM114A2</i>	4.17E-08	0.310	5.65E-07
<i>HMOX1</i>	4.22E-08	0.310	5.71E-07
<i>SNAI3</i>	4.23E-08	0.310	5.73E-07
<i>FNBPI</i>	4.26E-08	0.310	5.76E-07

<i>SGMS1</i>	4.38E-08	0.310	5.91E-07
<i>CXCR2</i>	4.58E-08	0.309	6.16E-07
<i>OSTF1</i>	4.65E-08	0.309	6.25E-07
<i>SUSD6</i>	4.81E-08	0.309	6.45E-07
<i>IKBIP</i>	4.85E-08	0.309	6.49E-07
<i>NR3C1</i>	4.89E-08	0.309	6.53E-07
<i>FCN1</i>	5.08E-08	0.308	6.77E-07
<i>TNKS2</i>	5.22E-08	0.308	6.93E-07
<i>HSPA13</i>	5.41E-08	0.308	7.17E-07
<i>SNX18</i>	5.77E-08	0.307	7.61E-07
<i>SETX</i>	5.85E-08	0.307	7.71E-07
<i>NOD2</i>	5.85E-08	0.307	7.71E-07
<i>SDCBP</i>	6.10E-08	0.306	8.01E-07
<i>TIAM1</i>	6.34E-08	0.306	8.29E-07
<i>NPAT</i>	6.47E-08	0.306	8.45E-07
<i>IKZF2</i>	6.55E-08	0.306	8.54E-07
<i>USP33</i>	6.66E-08	0.306	8.68E-07
<i>PDE6D</i>	6.76E-08	0.305	8.79E-07
<i>CYBA</i>	7.06E-08	0.305	9.16E-07
<i>TMSB10</i>	7.06E-08	0.305	9.16E-07
<i>CNDP2</i>	7.22E-08	0.305	9.35E-07
<i>NCR3</i>	7.35E-08	0.305	9.50E-07
<i>RABEP1</i>	7.35E-08	0.305	9.50E-07
<i>ITPRIP</i>	7.39E-08	0.305	9.54E-07
<i>CCNG1</i>	7.54E-08	0.304	9.72E-07
<i>TNIP3</i>	7.68E-08	0.304	9.88E-07
<i>CCL2</i>	7.82E-08	0.304	1.00E-06
<i>MB21D1</i>	8.26E-08	0.303	1.05E-06
<i>RAB37</i>	8.55E-08	0.303	1.09E-06
<i>CHIT1</i>	8.55E-08	0.303	1.09E-06
<i>HNRNPH1</i>	8.74E-08	0.303	1.11E-06
<i>LURAP1L</i>	9.00E-08	0.303	1.14E-06
<i>VAMPI</i>	9.09E-08	0.303	1.15E-06
<i>TLR9</i>	9.14E-08	0.302	1.15E-06
<i>APOL4</i>	9.15E-08	0.302	1.15E-06
<i>TRIM56</i>	9.17E-08	0.302	1.16E-06
<i>RTN1</i>	9.99E-08	0.302	1.25E-06
<i>PARP12</i>	1.01E-07	0.302	1.26E-06
<i>CDV3</i>	1.04E-07	0.301	1.29E-06
<i>PPIP5K2</i>	1.05E-07	0.301	1.30E-06
<i>SDC3</i>	1.05E-07	0.301	1.30E-06
<i>CITED2</i>	1.09E-07	0.301	1.35E-06
<i>CH3L1</i>	1.11E-07	0.301	1.37E-06
<i>BBS12</i>	1.14E-07	0.300	1.40E-06
<i>STOM</i>	1.14E-07	0.300	1.41E-06
<i>ICA1</i>	1.14E-07	-0.300	1.41E-06
<i>TP6VIG2-DDX39</i>	1.14E-07	-0.300	1.40E-06
<i>SNORD84</i>	1.14E-07	-0.300	1.40E-06
<i>DDX39B</i>	1.14E-07	-0.300	1.40E-06
<i>PPDPF</i>	1.12E-07	-0.300	1.39E-06
<i>ARHGEF7</i>	1.10E-07	-0.301	1.36E-06
<i>NHSL1</i>	1.10E-07	-0.301	1.36E-06
<i>ATPIA1</i>	1.09E-07	-0.301	1.35E-06
<i>PRPF40B</i>	1.08E-07	-0.301	1.34E-06
<i>CAMK2N1</i>	1.07E-07	-0.301	1.32E-06
<i>CNTNAP2</i>	1.06E-07	-0.301	1.31E-06

<i>KLHL36</i>	1.05E-07	-0.301	1.30E-06
<i>MACROD1</i>	1.04E-07	-0.301	1.30E-06
<i>TSC22D1</i>	1.04E-07	-0.301	1.29E-06
<i>PRPF6</i>	1.04E-07	-0.301	1.29E-06
<i>SNORA72</i>	1.01E-07	-0.302	1.26E-06
<i>ZGPAT</i>	9.98E-08	-0.302	1.25E-06
<i>COASY</i>	9.83E-08	-0.302	1.23E-06
<i>NUFIP2</i>	9.81E-08	-0.302	1.23E-06
<i>PRSS22</i>	9.76E-08	-0.302	1.22E-06
<i>MAP3K9</i>	9.73E-08	-0.302	1.22E-06
<i>CERK</i>	9.64E-08	-0.302	1.21E-06
<i>SLC27A4</i>	9.62E-08	-0.302	1.21E-06
<i>LRP4</i>	9.61E-08	-0.302	1.21E-06
<i>EIF6</i>	9.30E-08	-0.302	1.17E-06
<i>PFDN2</i>	9.06E-08	-0.303	1.15E-06
<i>LOC101929177</i>	9.03E-08	-0.303	1.14E-06
<i>RMND5A</i>	8.83E-08	-0.303	1.12E-06
<i>TEN1-CDK3</i>	8.80E-08	-0.303	1.12E-06
<i>RPA4</i>	8.70E-08	-0.303	1.10E-06
<i>TSC22D1-ASI</i>	8.62E-08	-0.303	1.09E-06
<i>NGRN</i>	8.55E-08	-0.303	1.09E-06
<i>GTF2IRD1</i>	8.44E-08	-0.303	1.07E-06
<i>EIF2AK1</i>	8.38E-08	-0.303	1.07E-06
<i>MUC3B</i>	8.35E-08	-0.303	1.06E-06
<i>KRTCAP2</i>	8.30E-08	-0.303	1.06E-06
<i>C7orf13</i>	8.28E-08	-0.303	1.06E-06
<i>TMEM198</i>	8.21E-08	-0.304	1.05E-06
<i>SAMD4B</i>	7.82E-08	-0.304	1.00E-06
<i>GPAM</i>	7.81E-08	-0.304	1.00E-06
<i>USP21</i>	7.75E-08	-0.304	9.96E-07
<i>HDAC11</i>	7.71E-08	-0.304	9.92E-07
<i>BTBD7</i>	7.49E-08	-0.304	9.66E-07
<i>ZKSCAN1</i>	7.27E-08	-0.305	9.40E-07
<i>URGCP</i>	7.26E-08	-0.305	9.39E-07
<i>DNAJC3-ASI</i>	7.25E-08	-0.305	9.39E-07
<i>NSF</i>	7.24E-08	-0.305	9.37E-07
<i>PKDCC</i>	7.12E-08	-0.305	9.23E-07
<i>RHOD</i>	6.68E-08	-0.306	8.70E-07
<i>DNMT3B</i>	6.67E-08	-0.306	8.68E-07
<i>UBAP2L</i>	6.59E-08	-0.306	8.59E-07
<i>KIAA1549</i>	6.55E-08	-0.306	8.54E-07
<i>CASKIN2</i>	6.49E-08	-0.306	8.47E-07
<i>FLJ37453</i>	6.40E-08	-0.306	8.36E-07
<i>MLLT4</i>	6.25E-08	-0.306	8.19E-07
<i>RALY</i>	6.14E-08	-0.306	8.05E-07
<i>CAMKK1</i>	5.97E-08	-0.307	7.85E-07
<i>GSTP1</i>	5.86E-08	-0.307	7.72E-07
<i>MLXIPL</i>	5.69E-08	-0.307	7.52E-07
<i>MIR6866</i>	5.58E-08	-0.307	7.39E-07
<i>CASC3</i>	5.58E-08	-0.307	7.39E-07
<i>ZFAND3</i>	5.53E-08	-0.307	7.32E-07
<i>BCL2L10</i>	5.39E-08	-0.308	7.15E-07
<i>LINC00470</i>	5.34E-08	-0.308	7.09E-07
<i>DVL1</i>	5.34E-08	-0.308	7.08E-07
<i>TMEM17</i>	5.33E-08	-0.308	7.08E-07
<i>MIR1236</i>	5.21E-08	-0.308	6.93E-07

<i>NELFE</i>	5.21E-08	-0.308	6.92E-07
<i>Clorf86</i>	5.10E-08	-0.308	6.80E-07
<i>DLGAP4</i>	5.09E-08	-0.308	6.79E-07
<i>GOLT1A</i>	5.01E-08	-0.308	6.68E-07
<i>WASIR2</i>	4.90E-08	-0.309	6.54E-07
<i>PSMG4</i>	4.86E-08	-0.309	6.50E-07
<i>PIGU</i>	4.84E-08	-0.309	6.48E-07
<i>STX16</i>	4.83E-08	-0.309	6.46E-07
<i>PPL</i>	4.80E-08	-0.309	6.43E-07
<i>GGNBP2</i>	4.76E-08	-0.309	6.38E-07
<i>DCUN1D2</i>	4.70E-08	-0.309	6.31E-07
<i>ZNF462</i>	4.63E-08	-0.309	6.22E-07
<i>METAP1D</i>	4.53E-08	-0.309	6.10E-07
<i>SALL4</i>	4.52E-08	-0.309	6.09E-07
<i>METTL1</i>	4.45E-08	-0.309	6.00E-07
<i>MIDI</i>	4.39E-08	-0.310	5.93E-07
<i>TBC1D16</i>	4.37E-08	-0.310	5.91E-07
<i>NAT9</i>	4.28E-08	-0.310	5.79E-07
<i>TEFM</i>	4.23E-08	-0.310	5.73E-07
<i>CAMK2G</i>	4.23E-08	-0.310	5.73E-07
<i>SLC43A1</i>	4.16E-08	-0.310	5.64E-07
<i>OTUD7B</i>	4.01E-08	-0.310	5.46E-07
<i>CACNA1D</i>	3.99E-08	-0.310	5.44E-07
<i>PRORY</i>	3.94E-08	-0.311	5.37E-07
<i>RTFDC1</i>	3.77E-08	-0.311	5.15E-07
<i>LOC101927929</i>	3.70E-08	-0.311	5.06E-07
<i>GTF2H4</i>	3.66E-08	-0.311	5.01E-07
<i>RAB11FIP5</i>	3.65E-08	-0.311	5.00E-07
<i>CHKA</i>	3.61E-08	-0.311	4.94E-07
<i>CFDP1</i>	3.59E-08	-0.311	4.92E-07
<i>BZW2</i>	3.56E-08	-0.312	4.88E-07
<i>LOC101929240</i>	3.54E-08	-0.312	4.86E-07
<i>MSTO1</i>	3.44E-08	-0.312	4.73E-07
<i>RALY-AS1</i>	3.41E-08	-0.312	4.70E-07
<i>MIR4647</i>	3.32E-08	-0.312	4.60E-07
<i>SLC35B2</i>	3.32E-08	-0.312	4.60E-07
<i>LNX2</i>	3.26E-08	-0.312	4.52E-07
<i>MCF2L</i>	3.25E-08	-0.312	4.51E-07
<i>PTPRF</i>	3.23E-08	-0.312	4.48E-07
<i>MCM3AP-AS1</i>	3.14E-08	-0.313	4.36E-07
<i>P2RY2</i>	3.11E-08	-0.313	4.33E-07
<i>ZNF827</i>	3.07E-08	-0.313	4.27E-07
<i>GCNT7</i>	3.06E-08	-0.313	4.27E-07
<i>FKBP9</i>	3.04E-08	-0.313	4.24E-07
<i>SLC13A3</i>	2.99E-08	-0.313	4.18E-07
<i>CABYR</i>	2.97E-08	-0.313	4.15E-07
<i>POR</i>	2.96E-08	-0.313	4.14E-07
<i>CGN</i>	2.91E-08	-0.313	4.07E-07
<i>TNRC18</i>	2.84E-08	-0.314	4.00E-07
<i>SLC39A5</i>	2.80E-08	-0.314	3.95E-07
<i>LINC00858</i>	2.76E-08	-0.314	3.90E-07
<i>ZNF417</i>	2.72E-08	-0.314	3.85E-07
<i>REEP6</i>	2.72E-08	-0.314	3.84E-07
<i>AP2A1</i>	2.72E-08	-0.314	3.84E-07
<i>TNPO2</i>	2.66E-08	-0.314	3.76E-07
<i>PDCD6</i>	2.64E-08	-0.314	3.74E-07

<i>PCYOX1</i>	2.62E-08	-0.314	3.72E-07
<i>GPR173</i>	2.60E-08	-0.314	3.70E-07
<i>NOL3</i>	2.60E-08	-0.315	3.69E-07
<i>WDR5B</i>	2.54E-08	-0.315	3.62E-07
<i>PLEKHA8</i>	2.51E-08	-0.315	3.57E-07
<i>LOC157860</i>	2.44E-08	-0.315	3.48E-07
<i>EPB41L5</i>	2.41E-08	-0.315	3.45E-07
<i>GAPDHP62</i>	2.41E-08	-0.315	3.44E-07
<i>LOC101929880</i>	2.40E-08	-0.315	3.44E-07
<i>ZSWIM3</i>	2.38E-08	-0.315	3.41E-07
<i>ARHGAP5-AS1</i>	2.36E-08	-0.315	3.38E-07
<i>COL27A1</i>	2.35E-08	-0.315	3.37E-07
<i>RALGAPA2</i>	2.34E-08	-0.315	3.35E-07
<i>SYT7</i>	2.33E-08	-0.316	3.34E-07
<i>MPHOSPH10</i>	2.33E-08	-0.316	3.34E-07
<i>APOA1BP</i>	2.21E-08	-0.316	3.19E-07
<i>AURKAPS1</i>	2.16E-08	-0.316	3.12E-07
<i>LOC101927811</i>	2.16E-08	-0.316	3.12E-07
<i>SNORA5B</i>	2.16E-08	-0.316	3.12E-07
<i>SLC6A8</i>	2.09E-08	-0.317	3.02E-07
<i>FKBP10</i>	2.08E-08	-0.317	3.01E-07
<i>SLC9A8</i>	2.01E-08	-0.317	2.92E-07
<i>RAB3GAP2</i>	1.97E-08	-0.317	2.87E-07
<i>TM7SF2</i>	1.93E-08	-0.317	2.81E-07
<i>DST</i>	1.92E-08	-0.317	2.80E-07
<i>FOXP4</i>	1.84E-08	-0.318	2.69E-07
<i>DCAF8</i>	1.80E-08	-0.318	2.64E-07
<i>KIF3B</i>	1.74E-08	-0.318	2.56E-07
<i>ADNP</i>	1.74E-08	-0.318	2.56E-07
<i>SNHG11</i>	1.68E-08	-0.319	2.48E-07
<i>SNORA71E</i>	1.68E-08	-0.319	2.48E-07
<i>SNORA60</i>	1.68E-08	-0.319	2.48E-07
<i>LOC100133315</i>	1.66E-08	-0.319	2.45E-07
<i>ZXDC</i>	1.66E-08	-0.319	2.45E-07
<i>RALGAPB</i>	1.64E-08	-0.319	2.43E-07
<i>RABGAP1</i>	1.62E-08	-0.319	2.40E-07
<i>FAR2P2</i>	1.61E-08	-0.319	2.39E-07
<i>FAR2P3</i>	1.61E-08	-0.319	2.39E-07
<i>RNF39</i>	1.55E-08	-0.319	2.31E-07
<i>GPR153</i>	1.54E-08	-0.319	2.28E-07
<i>ZNF335</i>	1.46E-08	-0.320	2.18E-07
<i>TRMT61A</i>	1.44E-08	-0.320	2.16E-07
<i>ND2</i>	1.43E-08	-0.320	2.13E-07
<i>PPP4R1L</i>	1.31E-08	-0.321	1.98E-07
<i>ZNF451</i>	1.31E-08	-0.321	1.98E-07
<i>TRUB2</i>	1.27E-08	-0.321	1.92E-07
<i>TSR2</i>	1.27E-08	-0.321	1.91E-07
<i>ZNF587</i>	1.26E-08	-0.321	1.91E-07
<i>IPO13</i>	1.25E-08	-0.321	1.89E-07
<i>MTCHI</i>	1.25E-08	-0.321	1.88E-07
<i>PREPL</i>	1.22E-08	-0.321	1.85E-07
<i>CDC42BPA</i>	1.22E-08	-0.321	1.85E-07
<i>VIL1</i>	1.22E-08	-0.321	1.85E-07
<i>BOK</i>	1.22E-08	-0.321	1.85E-07
<i>NBR2</i>	1.21E-08	-0.322	1.84E-07
<i>STK35</i>	1.21E-08	-0.322	1.84E-07

<i>ATXN7L3</i>	1.20E-08	-0.322	1.82E-07
<i>ZNF789</i>	1.20E-08	-0.322	1.82E-07
<i>MRPL48</i>	1.20E-08	-0.322	1.81E-07
<i>LOC100653149</i>	1.11E-08	-0.322	1.69E-07
<i>LOC102725127</i>	1.11E-08	-0.322	1.69E-07
<i>SH3BP4</i>	1.10E-08	-0.322	1.69E-07
<i>LCLAT1</i>	1.10E-08	-0.322	1.69E-07
<i>TNNC2</i>	1.09E-08	-0.323	1.67E-07
<i>MIR4640</i>	1.08E-08	-0.323	1.66E-07
<i>DDR1</i>	1.08E-08	-0.323	1.66E-07
<i>PAGR1</i>	1.04E-08	-0.323	1.60E-07
<i>SPATA2</i>	1.03E-08	-0.323	1.58E-07
<i>PIGM</i>	1.00E-08	-0.323	1.55E-07
<i>CPNE1</i>	9.51E-09	-0.324	1.48E-07
<i>FAM134B</i>	9.45E-09	-0.324	1.47E-07
<i>NENF</i>	9.37E-09	-0.324	1.46E-07
<i>ACTL10</i>	9.37E-09	-0.324	1.46E-07
<i>OSER1-AS1</i>	9.07E-09	-0.324	1.41E-07
<i>SOWAHC</i>	9.02E-09	-0.324	1.41E-07
<i>ROMO1</i>	8.71E-09	-0.325	1.36E-07
<i>PGAP3</i>	8.69E-09	-0.325	1.36E-07
<i>CYP2B7P</i>	8.54E-09	-0.325	1.34E-07
<i>ACTR1B</i>	8.12E-09	-0.325	1.27E-07
<i>ASXL1</i>	7.99E-09	-0.325	1.26E-07
<i>HSD11B1L</i>	7.92E-09	-0.325	1.25E-07
<i>PPM1H</i>	7.43E-09	-0.326	1.17E-07
<i>EBLN2</i>	7.37E-09	-0.326	1.17E-07
<i>PRKAB2</i>	7.32E-09	-0.326	1.16E-07
<i>PITRM1</i>	7.05E-09	-0.326	1.12E-07
<i>GET4</i>	6.92E-09	-0.327	1.10E-07
<i>DTX4</i>	6.89E-09	-0.327	1.10E-07
<i>LOC100506473</i>	6.77E-09	-0.327	1.08E-07
<i>SYNJ2</i>	6.35E-09	-0.327	1.02E-07
<i>RRNAD1</i>	6.20E-09	-0.328	9.95E-08
<i>NMB</i>	6.14E-09	-0.328	9.86E-08
<i>PPARA</i>	5.97E-09	-0.328	9.61E-08
<i>KDELR2</i>	5.85E-09	-0.328	9.43E-08
<i>CD9</i>	5.82E-09	-0.328	9.39E-08
<i>FOXK2</i>	5.71E-09	-0.328	9.21E-08
<i>TMEM141</i>	5.29E-09	-0.329	8.57E-08
<i>SUV420H1</i>	5.24E-09	-0.329	8.50E-08
<i>CCNJL</i>	5.20E-09	-0.329	8.44E-08
<i>AS3MT</i>	5.20E-09	-0.329	8.44E-08
<i>RP9</i>	5.20E-09	-0.329	8.44E-08
<i>CNIH4</i>	5.06E-09	-0.329	8.23E-08
<i>GATSL2</i>	4.78E-09	-0.330	7.81E-08
<i>LIG3</i>	4.74E-09	-0.330	7.75E-08
<i>TMEM63A</i>	4.71E-09	-0.330	7.70E-08
<i>TMEM74B</i>	4.50E-09	-0.330	7.39E-08
<i>BRD3</i>	4.45E-09	-0.331	7.32E-08
<i>LOC101928487</i>	4.43E-09	-0.331	7.28E-08
<i>PRKCA</i>	4.41E-09	-0.331	7.25E-08
<i>ASHIL</i>	4.25E-09	-0.331	7.01E-08
<i>HNF1B</i>	4.04E-09	-0.331	6.69E-08
<i>CDCA7L</i>	3.85E-09	-0.332	6.39E-08
<i>DGKH</i>	3.59E-09	-0.332	5.98E-08

<i>LOC102724985</i>	3.54E-09	-0.333	5.92E-08
<i>WDR46</i>	3.52E-09	-0.333	5.88E-08
<i>AIFM3</i>	3.47E-09	-0.333	5.80E-08
<i>RBP4</i>	3.33E-09	-0.333	5.58E-08
<i>TEX2</i>	3.30E-09	-0.333	5.54E-08
<i>PHGDH</i>	3.26E-09	-0.333	5.47E-08
<i>WIPI2</i>	3.20E-09	-0.333	5.39E-08
<i>CREG2</i>	3.17E-09	-0.333	5.34E-08
<i>RNF5P1</i>	3.16E-09	-0.334	5.33E-08
<i>TOMM34</i>	3.14E-09	-0.334	5.29E-08
<i>SMG5</i>	3.10E-09	-0.334	5.24E-08
<i>SNHG17</i>	3.10E-09	-0.334	5.23E-08
<i>LOC100134822</i>	3.03E-09	-0.334	5.13E-08
<i>DDX56</i>	2.98E-09	-0.334	5.05E-08
<i>TLCD1</i>	2.96E-09	-0.334	5.02E-08
<i>LOC645166</i>	2.91E-09	-0.334	4.94E-08
<i>FBXL18</i>	2.89E-09	-0.334	4.90E-08
<i>ANKRD46</i>	2.76E-09	-0.335	4.70E-08
<i>STK36</i>	2.74E-09	-0.335	4.67E-08
<i>RAP1GAP</i>	2.72E-09	-0.335	4.65E-08
<i>BDH1</i>	2.65E-09	-0.335	4.52E-08
<i>GPRC5C</i>	2.61E-09	-0.335	4.47E-08
<i>SH3BP5L</i>	2.58E-09	-0.335	4.41E-08
<i>LOC101929715</i>	2.56E-09	-0.335	4.39E-08
<i>RCOR2</i>	2.40E-09	-0.336	4.13E-08
<i>FARSB</i>	2.36E-09	-0.336	4.07E-08
<i>FAM222A</i>	2.26E-09	-0.336	3.91E-08
<i>ZNF76</i>	2.00E-09	-0.337	3.49E-08
<i>GPR89B</i>	1.97E-09	-0.338	3.44E-08
<i>GPR89A</i>	1.97E-09	-0.338	3.44E-08
<i>MAP1LC3A</i>	1.97E-09	-0.338	3.44E-08
<i>PPP1R10</i>	1.85E-09	-0.338	3.24E-08
<i>VGLL4</i>	1.83E-09	-0.338	3.21E-08
<i>SLC35C2</i>	1.82E-09	-0.338	3.19E-08
<i>OSBP</i>	1.81E-09	-0.338	3.17E-08
<i>PABPC1L</i>	1.81E-09	-0.338	3.17E-08
<i>URGCP-MRPS24</i>	1.80E-09	-0.338	3.16E-08
<i>MRPS24</i>	1.80E-09	-0.338	3.16E-08
<i>MCUR1</i>	1.71E-09	-0.339	3.02E-08
<i>PCYT2</i>	1.71E-09	-0.339	3.02E-08
<i>SPRED2</i>	1.70E-09	-0.339	3.00E-08
<i>SCAP</i>	1.63E-09	-0.339	2.89E-08
<i>KNOP1</i>	1.62E-09	-0.339	2.88E-08
<i>TXNRD2</i>	1.54E-09	-0.340	2.73E-08
<i>ACACA</i>	1.48E-09	-0.340	2.65E-08
<i>SERINC5</i>	1.47E-09	-0.340	2.63E-08
<i>SLC7A4</i>	1.45E-09	-0.340	2.59E-08
<i>C22orf29</i>	1.27E-09	-0.341	2.29E-08
<i>TSPY26P</i>	1.26E-09	-0.341	2.28E-08
<i>CHD1L</i>	1.26E-09	-0.341	2.28E-08
<i>CNOT11</i>	1.22E-09	-0.342	2.21E-08
<i>ATAT1</i>	1.19E-09	-0.342	2.16E-08
<i>TMED3</i>	1.13E-09	-0.342	2.05E-08
<i>CAPN1</i>	1.08E-09	-0.343	1.96E-08
<i>MSH5-SAPCD1</i>	1.06E-09	-0.343	1.94E-08
<i>SAPCD1</i>	1.06E-09	-0.343	1.94E-08

<i>GSK3B</i>	1.04E-09	-0.343	1.91E-08
<i>MIR6834</i>	1.02E-09	-0.343	1.87E-08
<i>PFDN6</i>	1.02E-09	-0.343	1.87E-08
<i>CRABP2</i>	1.00E-09	-0.343	1.83E-08
<i>AGAP4</i>	9.89E-10	-0.343	1.81E-08
<i>CNNM3</i>	9.56E-10	-0.344	1.76E-08
<i>MEX3A</i>	7.69E-10	-0.346	1.44E-08
<i>AMIGO1</i>	7.61E-10	-0.346	1.42E-08
<i>NOL4L</i>	7.54E-10	-0.346	1.41E-08
<i>MAP4K3</i>	7.36E-10	-0.346	1.38E-08
<i>RP9P</i>	7.01E-10	-0.346	1.32E-08
<i>STAUI</i>	6.71E-10	-0.347	1.27E-08
<i>LOC102724387</i>	6.39E-10	-0.347	1.21E-08
<i>MSH5</i>	6.38E-10	-0.347	1.21E-08
<i>ETV4</i>	6.25E-10	-0.347	1.18E-08
<i>CLCN2</i>	6.23E-10	-0.347	1.18E-08
<i>BAG6</i>	6.19E-10	-0.347	1.17E-08
<i>PTK7</i>	5.82E-10	-0.348	1.11E-08
<i>C9orf69</i>	5.81E-10	-0.348	1.11E-08
<i>CIB2</i>	5.39E-10	-0.349	1.03E-08
<i>LOC654342</i>	5.17E-10	-0.349	9.91E-09
<i>PRPF3</i>	5.13E-10	-0.349	9.84E-09
<i>NOL10</i>	5.10E-10	-0.349	9.79E-09
<i>MGA</i>	4.94E-10	-0.349	9.51E-09
<i>LOC101927338</i>	4.75E-10	-0.350	9.16E-09
<i>KCNQ1OT1</i>	4.75E-10	-0.350	9.15E-09
<i>PRRC2A</i>	4.69E-10	-0.350	9.04E-09
<i>TEX261</i>	4.63E-10	-0.350	8.93E-09
<i>DIDO1</i>	4.26E-10	-0.350	8.28E-09
<i>ARFGEF2</i>	3.94E-10	-0.351	7.67E-09
<i>AGAP7P</i>	3.92E-10	-0.351	7.64E-09
<i>LARP4B</i>	3.65E-10	-0.352	7.15E-09
<i>TEAD3</i>	3.59E-10	-0.352	7.03E-09
<i>ACSS1</i>	3.38E-10	-0.352	6.64E-09
<i>RUSC1-AS1</i>	3.20E-10	-0.353	6.32E-09
<i>MRGBP</i>	3.00E-10	-0.353	5.95E-09
<i>KIAA0907</i>	2.93E-10	-0.354	5.83E-09
<i>TOMM6</i>	2.75E-10	-0.354	5.48E-09
<i>PRICKLE4</i>	2.75E-10	-0.354	5.48E-09
<i>DNAJC5</i>	2.64E-10	-0.354	5.28E-09
<i>MMP24-AS1</i>	2.60E-10	-0.355	5.20E-09
<i>EFNA1</i>	2.42E-10	-0.355	4.87E-09
<i>KIAA0556</i>	2.38E-10	-0.355	4.79E-09
<i>BCL9</i>	2.37E-10	-0.355	4.78E-09
<i>ACVR2B</i>	2.20E-10	-0.356	4.45E-09
<i>EDA</i>	2.18E-10	-0.356	4.42E-09
<i>NPCIL1</i>	1.99E-10	-0.357	4.05E-09
<i>MIR3682</i>	1.97E-10	-0.357	4.01E-09
<i>AGAPI1</i>	1.92E-10	-0.357	3.92E-09
<i>Clorf35</i>	1.63E-10	-0.358	3.35E-09
<i>TUG1</i>	1.61E-10	-0.358	3.31E-09
<i>RAE1</i>	1.58E-10	-0.359	3.24E-09
<i>NINL</i>	1.51E-10	-0.359	3.11E-09
<i>TRIM39-RPP21</i>	1.48E-10	-0.359	3.05E-09
<i>TRIM39</i>	1.48E-10	-0.359	3.05E-09
<i>SOGA1</i>	1.38E-10	-0.360	2.86E-09

<i>ARFGAP1</i>	1.32E-10	-0.360	2.75E-09
<i>BLCAP</i>	1.31E-10	-0.360	2.74E-09
<i>TMEM9</i>	1.23E-10	-0.361	2.57E-09
<i>DUSP23</i>	1.21E-10	-0.361	2.53E-09
<i>ROCK2</i>	1.15E-10	-0.361	2.43E-09
<i>EXOC3</i>	1.14E-10	-0.361	2.41E-09
<i>RGL2</i>	1.09E-10	-0.361	2.30E-09
<i>TARBPI</i>	1.06E-10	-0.362	2.25E-09
<i>SBNO1</i>	1.06E-10	-0.362	2.25E-09
<i>MTURN</i>	1.03E-10	-0.362	2.19E-09
<i>GRB10</i>	9.64E-11	-0.362	2.05E-09
<i>NEK8</i>	9.43E-11	-0.363	2.01E-09
<i>EPHX4</i>	9.21E-11	-0.363	1.97E-09
<i>EIF2B4</i>	9.09E-11	-0.363	1.94E-09
<i>ASHIL-AS1</i>	8.77E-11	-0.363	1.88E-09
<i>CBFA2T2</i>	7.96E-11	-0.364	1.71E-09
<i>NUDT3</i>	7.89E-11	-0.364	1.70E-09
<i>MMAB</i>	7.81E-11	-0.364	1.68E-09
<i>MUC20</i>	7.71E-11	-0.364	1.66E-09
<i>LOC101060581</i>	7.32E-11	-0.365	1.58E-09
<i>CTGLF12P</i>	7.32E-11	-0.365	1.58E-09
<i>RPP21</i>	7.25E-11	-0.365	1.57E-09
<i>ZDHHC9</i>	7.21E-11	-0.365	1.56E-09
<i>YAE1D1</i>	7.02E-11	-0.365	1.52E-09
<i>SOWAHA</i>	6.89E-11	-0.365	1.50E-09
<i>C1orf56</i>	6.87E-11	-0.365	1.49E-09
<i>SPIN3</i>	6.23E-11	-0.366	1.36E-09
<i>IGSF3</i>	5.66E-11	-0.367	1.24E-09
<i>GMEB2</i>	4.78E-11	-0.368	1.06E-09
<i>ILVBL</i>	4.72E-11	-0.368	1.05E-09
<i>AGAP10</i>	4.62E-11	-0.368	1.03E-09
<i>AGAP5</i>	4.62E-11	-0.368	1.03E-09
<i>RASEF</i>	4.17E-11	-0.369	9.30E-10
<i>NSMF</i>	3.93E-11	-0.369	8.82E-10
<i>HCG18</i>	3.83E-11	-0.370	8.61E-10
<i>LRPPRC</i>	3.65E-11	-0.370	8.25E-10
<i>MLLT4-AS1</i>	3.43E-11	-0.370	7.77E-10
<i>ABCF1</i>	3.37E-11	-0.371	7.65E-10
<i>TAF4</i>	2.65E-11	-0.372	6.07E-10
<i>PIGT</i>	2.26E-11	-0.374	5.22E-10
<i>DEXI</i>	2.03E-11	-0.374	4.71E-10
<i>FGFR3</i>	1.98E-11	-0.375	4.60E-10
<i>FITM2</i>	1.82E-11	-0.375	4.24E-10
<i>NBEAL1</i>	1.81E-11	-0.375	4.23E-10
<i>FAM173B</i>	1.79E-11	-0.375	4.19E-10
<i>GPAA1</i>	1.75E-11	-0.376	4.09E-10
<i>SOCS7</i>	1.71E-11	-0.376	4.00E-10
<i>GSTA4</i>	1.67E-11	-0.376	3.92E-10
<i>AAR2</i>	1.56E-11	-0.376	3.67E-10
<i>MAFG</i>	1.12E-11	-0.379	2.68E-10
<i>ZNF703</i>	1.01E-11	-0.380	2.42E-10
<i>AGO1</i>	9.23E-12	-0.380	2.22E-10
<i>AMPD2</i>	7.46E-12	-0.382	1.81E-10
<i>ACOT8</i>	6.90E-12	-0.382	1.68E-10
<i>TRIM45</i>	6.67E-12	-0.383	1.63E-10
<i>ZNF717</i>	6.30E-12	-0.383	1.54E-10

<i>RPS10</i>	6.15E-12	-0.383	1.50E-10
<i>CRIP1</i>	5.44E-12	-0.384	1.34E-10
<i>GYG2</i>	5.36E-12	-0.384	1.32E-10
<i>TMEM117</i>	5.04E-12	-0.385	1.25E-10
<i>P3H4</i>	4.10E-12	-0.386	1.02E-10
<i>SLC39A4</i>	2.87E-12	-0.389	7.29E-11
<i>RAB22A</i>	1.98E-12	-0.392	5.13E-11
<i>MIR7114</i>	1.86E-12	-0.392	4.82E-11
<i>FOXP4-AS1</i>	1.81E-12	-0.392	4.71E-11
<i>ATP9A</i>	1.70E-12	-0.393	4.42E-11
<i>POFUT1</i>	1.68E-12	-0.393	4.38E-11
<i>SUN1</i>	1.64E-12	-0.393	4.28E-11
<i>YTHDF1</i>	1.54E-12	-0.393	4.03E-11
<i>TP53I13</i>	1.46E-12	-0.394	3.85E-11
<i>ERGIC3</i>	1.45E-12	-0.394	3.81E-11
<i>SLC19A2</i>	1.44E-12	-0.394	3.79E-11
<i>KCTD3</i>	1.36E-12	-0.394	3.60E-11
<i>PARD3</i>	1.29E-12	-0.395	3.40E-11
<i>PDXDC1</i>	1.19E-12	-0.395	3.17E-11
<i>SREBF2</i>	1.01E-12	-0.396	2.68E-11
<i>B4GALT2</i>	9.80E-13	-0.396	2.61E-11
<i>ZMYM2</i>	9.41E-13	-0.397	2.51E-11
<i>MORC2</i>	8.51E-13	-0.397	2.28E-11
<i>ZHX3</i>	8.03E-13	-0.398	2.17E-11
<i>TMEM189</i>	6.76E-13	-0.399	1.84E-11
<i>MEM189-UBE2V</i>	6.76E-13	-0.399	1.84E-11
<i>UBE2V1</i>	6.76E-13	-0.399	1.84E-11
<i>MANBAL</i>	5.84E-13	-0.400	1.60E-11
<i>TUFT1</i>	5.58E-13	-0.400	1.54E-11
<i>DDX27</i>	4.06E-13	-0.403	1.13E-11
<i>FAM168B</i>	3.94E-13	-0.403	1.11E-11
<i>SLC25A13</i>	3.02E-13	-0.405	8.57E-12
<i>OSBPL2</i>	2.47E-13	-0.406	7.06E-12
<i>UBQLN4</i>	1.96E-13	-0.408	5.65E-12
<i>STRN</i>	1.63E-13	-0.409	4.75E-12
<i>OTUD3</i>	1.46E-13	-0.410	4.26E-12
<i>FARPI</i>	8.45E-14	-0.413	2.52E-12
<i>PXMP4</i>	6.22E-14	-0.415	1.87E-12
<i>LOC221272</i>	5.27E-14	-0.416	1.59E-12
<i>KDM5B</i>	2.90E-14	-0.420	8.96E-13
<i>COA3</i>	1.73E-14	-0.424	5.43E-13
<i>NECAB3</i>	1.53E-14	-0.424	4.84E-13
<i>NELFCD</i>	6.74E-15	-0.430	2.21E-13
<i>CACNB3</i>	6.34E-15	-0.430	2.09E-13
<i>AGPAT1</i>	5.62E-15	-0.431	1.85E-13
<i>EIF3B</i>	1.69E-15	-0.438	5.82E-14
<i>ADGRA3</i>	1.21E-15	-0.440	4.22E-14
<i>FAH</i>	3.59E-16	-0.447	1.31E-14
<i>SWI5</i>	4.38E-17	-0.460	1.70E-15
<i>GID8</i>	4.18E-17	-0.460	1.63E-15
<i>ZSWIM1</i>	4.11E-17	-0.460	1.60E-15
<i>ZNF514</i>	3.58E-18	-0.474	1.50E-16
<i>SLC41A3</i>	1.48E-18	-0.478	6.41E-17
<i>SS18L1</i>	4.70E-19	-0.484	2.11E-17
<i>VAPB</i>	1.39E-25	-0.554	9.87E-24

PD-L1 expression

TCGA				Common
Gene symbol	p-value	PCC	FDR	Gene symbol
<i>GBP5</i>	5.78E-68	0.722	2.03E-65	<i>GBP5</i>
<i>WARS</i>	9.33E-67	0.717	3.02E-64	<i>IDO1</i>
<i>GBP1</i>	1.77E-64	0.708	5.21E-62	<i>GZMB</i>
<i>IDO1</i>	1.06E-62	0.701	2.80E-60	<i>GBP1</i>
<i>GBP4</i>	2.06E-60	0.692	4.68E-58	<i>WARS</i>
<i>PDCD1LG2</i>	1.43E-59	0.688	3.12E-57	<i>IFNG</i>
<i>PRF1</i>	1.76E-55	0.670	3.13E-53	<i>CD80</i>
<i>LAP3</i>	1.97E-54	0.666	3.30E-52	<i>IL2RA</i>
<i>ICAM1</i>	2.09E-53	0.661	3.28E-51	<i>PLEK</i>
<i>IFNG</i>	2.32E-53	0.661	3.63E-51	<i>KLRD1</i>
<i>IL2RB</i>	1.49E-49	0.642	2.01E-47	<i>LILRB1</i>
<i>IL2RA</i>	3.05E-49	0.640	4.09E-47	<i>CD300A</i>
<i>CD80</i>	5.69E-48	0.634	7.33E-46	<i>LCP2</i>
<i>GZMB</i>	9.73E-48	0.632	1.24E-45	<i>GNLY</i>
<i>STAT1</i>	2.53E-47	0.630	3.17E-45	<i>SLAMF8</i>
<i>IRF1</i>	4.41E-47	0.629	5.40E-45	<i>PRF1</i>
<i>CXCL10</i>	3.80E-46	0.624	4.52E-44	<i>GBP4</i>
<i>SLAMF8</i>	5.30E-46	0.623	6.28E-44	<i>STX11</i>
<i>JAK2</i>	2.17E-45	0.620	2.52E-43	<i>CLEC7A</i>
<i>TLR8</i>	1.27E-44	0.615	1.46E-42	<i>TLR8</i>
<i>CXCL9</i>	5.23E-44	0.612	5.81E-42	<i>CCL4</i>
<i>SLA2</i>	3.16E-43	0.608	3.37E-41	<i>CCR1</i>
<i>CCL4</i>	4.55E-43	0.607	4.82E-41	<i>CD86</i>
<i>LCP2</i>	9.19E-43	0.605	9.61E-41	<i>HAVCR2</i>
<i>CXCR2PI</i>	2.04E-42	0.603	2.10E-40	<i>CLEC4E</i>
<i>CD226</i>	6.62E-42	0.600	6.67E-40	<i>ICAM1</i>
<i>HAVCR2</i>	7.28E-42	0.600	7.33E-40	<i>CYBB</i>
<i>ADGRE2</i>	7.61E-42	0.599	7.65E-40	<i>LCPI</i>
<i>SLAMF7</i>	1.90E-41	0.597	1.87E-39	<i>BCL2A1</i>
<i>GZMA</i>	5.43E-41	0.594	5.22E-39	<i>SAMSN1</i>
<i>CLEC7A</i>	6.90E-41	0.594	6.61E-39	<i>FCGR1A</i>
<i>APOL6</i>	8.45E-41	0.593	8.05E-39	<i>PDCD1LG2</i>
<i>FASLG</i>	9.29E-41	0.593	8.81E-39	<i>CXCL10</i>
<i>ICOS</i>	2.34E-40	0.590	2.19E-38	<i>LAMP3</i>
<i>SLC31A2</i>	3.56E-40	0.589	3.31E-38	<i>ADGRE2</i>
<i>LAG3</i>	3.63E-40	0.589	3.36E-38	<i>CLEC4A</i>
<i>STX11</i>	6.30E-40	0.588	5.77E-38	<i>IFIH1</i>
<i>NCF2</i>	6.95E-40	0.588	6.35E-38	<i>JAK2</i>
<i>CXCR6</i>	8.21E-40	0.587	7.48E-38	<i>LAP3</i>
<i>PLEK</i>	8.90E-40	0.587	8.09E-38	<i>HK3</i>
<i>MEFV</i>	9.04E-40	0.587	8.20E-38	<i>STAT1</i>
<i>CD300LF</i>	1.13E-39	0.586	1.02E-37	<i>IRF1</i>
<i>MMP25</i>	1.30E-39	0.586	1.17E-37	<i>FCGR2A</i>
<i>TNFSF13B</i>	4.00E-39	0.583	3.54E-37	<i>LILRB4</i>
<i>AIM2</i>	4.09E-39	0.583	3.62E-37	<i>TAPI</i>
<i>FCGR3A</i>	4.83E-39	0.582	4.25E-37	<i>AIM2</i>
<i>NLRC5</i>	1.71E-38	0.579	1.46E-36	<i>NKG7</i>
<i>ITGAE</i>	1.96E-38	0.578	1.68E-36	<i>TNFSF13B</i>
<i>RNF19B</i>	1.99E-38	0.578	1.70E-36	<i>NCF2</i>
<i>GBP1PI</i>	2.02E-38	0.578	1.72E-36	<i>RNF19B</i>
<i>CXCL11</i>	5.87E-38	0.575	4.92E-36	<i>TAP2</i>
<i>TAPI</i>	8.03E-38	0.575	6.67E-36	<i>SLA</i>

<i>KLRD1</i>	9.77E-38	0.574	8.10E-36	<i>TAGAP</i>
<i>KLRC4</i>	1.02E-37	0.574	8.42E-36	<i>UBE2L6</i>
<i>TAP2</i>	1.35E-37	0.573	1.11E-35	<i>LAPTM5</i>
<i>IL21R</i>	1.56E-37	0.573	1.28E-35	<i>IL18RAP</i>
<i>FPR3</i>	1.60E-37	0.573	1.30E-35	<i>SRGN</i>
<i>IL12RB1</i>	4.14E-37	0.570	3.31E-35	<i>CXCL9</i>
<i>CD86</i>	4.99E-37	0.569	3.96E-35	<i>HAPLN3</i>
<i>SAMD9L</i>	5.25E-37	0.569	4.17E-35	<i>LAG3</i>
<i>CRTAM</i>	8.94E-37	0.568	7.06E-35	<i>SLC31A2</i>
<i>CCR5</i>	1.29E-36	0.567	1.01E-34	<i>IGSF6</i>
<i>TBX21</i>	1.33E-36	0.567	1.04E-34	<i>CD53</i>
<i>HK3</i>	1.34E-36	0.567	1.05E-34	<i>GZMH</i>
<i>TRAFD1</i>	1.56E-36	0.566	1.21E-34	<i>CD300LF</i>
<i>LILRB4</i>	2.99E-36	0.564	2.30E-34	<i>HCK</i>
<i>JAKMIP1</i>	3.10E-36	0.564	2.38E-34	<i>TNFRSF9</i>
<i>ADAMDEC1</i>	3.26E-36	0.564	2.50E-34	<i>IL2RB</i>
<i>CD84</i>	3.28E-36	0.564	2.51E-34	<i>PTPRC</i>
<i>RNF213</i>	6.84E-36	0.562	5.17E-34	<i>APOBEC3G</i>
<i>CLEC6A</i>	1.42E-35	0.560	1.06E-33	<i>ICOS</i>
<i>LILRB2</i>	1.46E-35	0.560	1.09E-33	<i>IFIT3</i>
<i>CD96</i>	1.56E-35	0.559	1.16E-33	<i>ITGB2</i>
<i>UBE2L6</i>	2.29E-35	0.558	1.69E-33	<i>LILRB2</i>
<i>PARP14</i>	2.73E-35	0.558	2.00E-33	<i>ARHGAP9</i>
<i>IL18RAP</i>	4.41E-35	0.556	3.21E-33	<i>CD38</i>
<i>CLEC4A</i>	6.03E-35	0.555	4.36E-33	<i>SAMD9L</i>
<i>KIR2DL4</i>	6.25E-35	0.555	4.52E-33	<i>FCGR3A</i>
<i>CYBB</i>	6.27E-35	0.555	4.53E-33	<i>FPR3</i>
<i>SAMSN1</i>	9.86E-35	0.554	7.08E-33	<i>CXCL11</i>
<i>CD300A</i>	1.35E-34	0.553	9.63E-33	<i>SIGLEC10</i>
<i>TIGIT</i>	1.82E-34	0.552	1.29E-32	<i>CD84</i>
<i>TNFRSF9</i>	2.96E-34	0.551	2.08E-32	<i>CD163</i>
<i>CCR1</i>	3.01E-34	0.550	2.11E-32	<i>TARP</i>
<i>HCK</i>	3.21E-34	0.550	2.25E-32	<i>GBP1P1</i>
<i>CD53</i>	3.97E-34	0.550	2.77E-32	<i>SYTL3</i>
<i>SLA</i>	1.32E-33	0.546	9.14E-32	<i>PLA2G7</i>
<i>SIGLEC10</i>	1.47E-33	0.546	1.01E-31	<i>FASLG</i>
<i>CD38</i>	1.47E-33	0.546	1.01E-31	<i>ITGAX</i>
<i>CD244</i>	2.77E-33	0.544	1.89E-31	<i>TBX21</i>
<i>GPR141</i>	4.67E-33	0.542	3.15E-31	<i>CD96</i>
<i>C19orf38</i>	4.95E-33	0.542	3.34E-31	<i>NLRC5</i>
<i>LILRB1</i>	6.51E-33	0.541	4.37E-31	<i>IL21R</i>
<i>CD8A</i>	6.64E-33	0.541	4.45E-31	<i>CCL3</i>
<i>CLEC12A</i>	8.29E-33	0.540	5.52E-31	<i>ZBED2</i>
<i>CIQB</i>	8.39E-33	0.540	5.58E-31	<i>CD226</i>
<i>GNLY</i>	8.94E-33	0.540	5.94E-31	<i>PARP9</i>
<i>KLRC3</i>	1.24E-32	0.539	8.20E-31	<i>CCL5</i>
<i>BTN3A1</i>	1.45E-32	0.538	9.55E-31	<i>SNX20</i>
<i>LGALS17A</i>	1.78E-32	0.538	1.16E-30	<i>TIGIT</i>
<i>IGSF6</i>	2.35E-32	0.537	1.53E-30	<i>CMKLR1</i>
<i>LAPTM5</i>	2.62E-32	0.537	1.70E-30	<i>STAT2</i>
<i>LCPI</i>	2.97E-32	0.536	1.91E-30	<i>RIC1</i>
<i>GPR174</i>	3.28E-32	0.536	2.11E-30	<i>GZMA</i>
<i>HAPLN3</i>	4.41E-32	0.535	2.84E-30	<i>RNF213</i>
<i>ITGB2</i>	4.62E-32	0.535	2.96E-30	<i>MNDA</i>
<i>TRIM22</i>	8.57E-32	0.533	5.43E-30	<i>CRTAM</i>
<i>MYOIF</i>	9.83E-32	0.532	6.22E-30	<i>IL12RB1</i>

<i>MYO1G</i>	1.04E-31	0.532	6.53E-30	<i>SLAMF7</i>
<i>CD163</i>	1.05E-31	0.532	6.64E-30	<i>APOL6</i>
<i>NKG7</i>	1.28E-31	0.531	8.04E-30	<i>CXCR6</i>
<i>ZBED2</i>	1.32E-31	0.531	8.31E-30	<i>SIGLEC7</i>
<i>DOK2</i>	1.35E-31	0.531	8.48E-30	<i>CIQB</i>
<i>SNX20</i>	1.76E-31	0.530	1.10E-29	<i>IL18BP</i>
<i>DPYD</i>	1.78E-31	0.530	1.11E-29	<i>C3AR1</i>
<i>CCL5</i>	1.99E-31	0.530	1.24E-29	<i>TMEM140</i>
<i>GZMH</i>	2.34E-31	0.529	1.45E-29	<i>CCR5</i>
<i>CIQC</i>	2.62E-31	0.529	1.63E-29	<i>CLEC12A</i>
<i>IFIT3</i>	2.78E-31	0.529	1.72E-29	<i>ITGAL</i>
<i>PLA2G7</i>	2.98E-31	0.529	1.84E-29	<i>CTLA4</i>
<i>SRGN</i>	4.43E-31	0.527	2.71E-29	<i>SLA2</i>
<i>FCGR2A</i>	4.75E-31	0.527	2.90E-29	<i>BATF2</i>
<i>APOL3</i>	4.95E-31	0.527	3.02E-29	<i>CD3G</i>
<i>IL18BP</i>	4.96E-31	0.527	3.02E-29	<i>KLRC3</i>
<i>SIRPB2</i>	6.72E-31	0.526	4.06E-29	<i>SIRPG</i>
<i>ITK</i>	6.91E-31	0.526	4.17E-29	<i>APOL3</i>
<i>AOAH</i>	7.53E-31	0.526	4.53E-29	<i>TRAFD1</i>
<i>TAGAP</i>	1.02E-30	0.525	6.13E-29	<i>CIQA</i>
<i>CYSLTR2</i>	1.09E-30	0.524	6.49E-29	<i>MYO1G</i>
<i>CD247</i>	1.40E-30	0.524	8.31E-29	<i>CIQC</i>
<i>PTPRC</i>	1.45E-30	0.523	8.60E-29	<i>NFAM1</i>
<i>GFI1</i>	1.50E-30	0.523	8.89E-29	<i>KLRC4</i>
<i>SIRPG</i>	1.81E-30	0.523	1.07E-28	<i>MYO1F</i>
<i>CLEC4E</i>	1.83E-30	0.523	1.08E-28	<i>TRIM22</i>
<i>CYTH4</i>	2.05E-30	0.522	1.20E-28	<i>PARP14</i>
<i>APOBEC3G</i>	2.28E-30	0.522	1.34E-28	<i>ZNF683</i>
<i>TNIP3</i>	3.05E-30	0.521	1.78E-28	<i>DOK2</i>
<i>STAT2</i>	4.53E-30	0.520	2.63E-28	<i>KIR2DL4</i>
<i>ZNF683</i>	5.44E-30	0.519	3.15E-28	<i>CD8A</i>
<i>KLRK1</i>	6.09E-30	0.519	3.51E-28	<i>CD247</i>
<i>THEMIS</i>	6.23E-30	0.518	3.59E-28	<i>HLA-DMB</i>
<i>CTLA4</i>	8.51E-30	0.517	4.87E-28	<i>ADAMDEC1</i>
<i>FCRL6</i>	9.24E-30	0.517	5.28E-28	<i>CYTH4</i>
<i>NCR1</i>	1.07E-29	0.517	6.13E-28	<i>AOAH</i>
<i>ITGB7</i>	1.12E-29	0.517	6.38E-28	<i>DPYD</i>
<i>PDCD1</i>	1.34E-29	0.516	7.59E-28	<i>ITK</i>
<i>BCL2A1</i>	1.50E-29	0.515	8.53E-28	<i>JAKMIP1</i>
<i>CD3G</i>	1.91E-29	0.515	1.07E-27	<i>KLRK1</i>
<i>TMEM140</i>	1.95E-29	0.515	1.10E-27	<i>THEMIS</i>
<i>NFAM1</i>	2.07E-29	0.514	1.17E-27	<i>CD244</i>
<i>ITGAL</i>	2.31E-29	0.514	1.30E-27	<i>DOCK10</i>
<i>CD2</i>	2.37E-29	0.514	1.32E-27	<i>LOC654342</i>
<i>CASS4</i>	2.43E-29	0.514	1.36E-27	<i>TTC30A</i>
<i>SIGLEC1</i>	2.48E-29	0.514	1.39E-27	<i>DUSP23</i>
<i>IFIH1</i>	3.40E-29	0.513	1.88E-27	<i>CBY1</i>
<i>LAMP3</i>	3.53E-29	0.513	1.96E-27	<i>CEBPA-ASI</i>
<i>PARP9</i>	3.55E-29	0.513	1.97E-27	<i>ERGIC3</i>
<i>KIAA1618</i>	5.43E-29	0.511	3.00E-27	<i>SLC39A4</i>
<i>CCL3</i>	5.61E-29	0.511	3.09E-27	<i>ACTL10</i>
<i>HLA-DMB</i>	7.33E-29	0.510	4.03E-27	<i>MST1L</i>
<i>BATF2</i>	7.61E-29	0.510	4.17E-27	<i>BINI</i>
<i>FCGR1A</i>	9.39E-29	0.509	5.12E-27	<i>TMEM9</i>
<i>MNDA</i>	1.17E-28	0.508	6.39E-27	<i>PMVK</i>
<i>SIGLEC7</i>	1.44E-28	0.508	7.80E-27	<i>SEMA6A</i>

<i>C3AR1</i>	1.51E-28	0.507	8.17E-27	<i>NCK2</i>
<i>CCR8</i>	1.75E-28	0.507	9.42E-27	<i>TNNC2</i>
<i>RIC1</i>	2.31E-28	0.506	1.24E-26	<i>CHRM3</i>
<i>CIQA</i>	2.45E-28	0.506	1.32E-26	<i>CYP2B7P</i>
<i>ARHGAP9</i>	2.70E-28	0.505	1.45E-26	<i>F10</i>
<i>APOL2</i>	2.99E-28	0.505	1.60E-26	<i>MLLT4-AS1</i>
<i>SYTL3</i>	4.78E-28	0.503	2.54E-26	<i>TM4SF5</i>
<i>SLFN12L</i>	4.98E-28	0.503	2.64E-26	<i>NIT1</i>
<i>HLA-E</i>	5.06E-28	0.503	2.68E-26	<i>CA3</i>
<i>NCKAP1L</i>	6.07E-28	0.503	3.20E-26	<i>FAM47E</i>
<i>CMKLR1</i>	7.59E-28	0.502	3.98E-26	<i>PROC</i>
<i>DOCK10</i>	9.50E-28	0.501	4.97E-26	<i>Clorf56</i>
<i>CD101</i>	1.03E-27	0.501	5.37E-26	<i>YAE1D1</i>
<i>TARP</i>	1.11E-27	0.500	5.78E-26	<i>SLC39A5</i>
<i>ITGAX</i>	1.13E-27	0.500	5.86E-26	<i>ECHDC2</i>
<i>SH2D1A</i>	1.70E-27	0.499	8.74E-26	<i>PPDPF</i>
<i>GPR171</i>	1.87E-27	0.499	9.57E-26	<i>MGST3</i>
<i>CD4</i>	2.11E-27	0.498	1.08E-25	<i>CDHR3</i>
<i>GRIN3A</i>	2.19E-27	0.498	1.12E-25	<i>CXXC4</i>
<i>LAIR1</i>	2.69E-27	0.497	1.37E-25	<i>HSD11B1L</i>
<i>FYB</i>	2.73E-27	0.497	1.39E-25	<i>PPP1R14A</i>
<i>PILRA</i>	3.00E-27	0.497	1.52E-25	<i>ANKRD46</i>
<i>TFEC</i>	4.02E-27	0.496	2.02E-25	<i>PIFO</i>
<i>CIITA</i>	4.33E-27	0.495	2.18E-25	<i>PXMP4</i>
<i>PTPN22</i>	5.49E-27	0.495	2.75E-25	<i>CHMP3</i>
<i>DOCK2</i>	5.69E-27	0.494	2.86E-25	<i>MMAB</i>
<i>MIAT</i>	5.93E-27	0.494	2.97E-25	<i>SHC2</i>
<i>TIFAB</i>	6.77E-27	0.494	3.39E-25	<i>SMDT1</i>
<i>GPR84</i>	7.20E-27	0.494	3.60E-25	<i>USP21</i>
<i>BIN2</i>	8.72E-27	0.493	4.34E-25	<i>FAM3B</i>
<i>HLA-DRA</i>	9.40E-27	0.493	4.67E-25	<i>ABCC6P2</i>
<i>HLA-DOA</i>	1.12E-26	0.492	5.55E-25	<i>Clorf115</i>
<i>IL10RA</i>	1.25E-26	0.492	6.16E-25	<i>RAP1GAP</i>
<i>DTX3L</i>	1.25E-26	0.492	6.18E-25	<i>GPRC5C</i>
<i>EPST11</i>	1.34E-26	0.491	6.62E-25	<i>ROGDI</i>
<i>FGR</i>	1.47E-26	0.491	7.22E-25	<i>CDKN1C</i>
<i>SPI40</i>	1.49E-26	0.491	7.32E-25	<i>ADCK3</i>
<i>PIK3R5</i>	1.67E-26	0.490	8.16E-25	<i>SMIM24</i>
<i>P2RY10</i>	1.85E-26	0.490	9.04E-25	<i>NECAB3</i>
<i>SIGLEC9</i>	1.94E-26	0.490	9.48E-25	<i>UFC1</i>
<i>SFMBT2</i>	2.79E-26	0.489	1.36E-24	<i>CAPS</i>
<i>ST8SIA4</i>	2.93E-26	0.488	1.42E-24	<i>SSBP3</i>
<i>IFI16</i>	3.51E-26	0.488	1.68E-24	<i>ACSS1</i>
<i>MRC1</i>	4.75E-26	0.487	2.27E-24	<i>HDAC11</i>
<i>LILRA6</i>	4.80E-26	0.487	2.29E-24	<i>PHYH</i>
<i>PYHIN1</i>	6.14E-26	0.486	2.92E-24	<i>NINL</i>
<i>GRAP2</i>	7.86E-26	0.485	3.73E-24	<i>TRIM45</i>
<i>GBP2</i>	9.32E-26	0.484	4.41E-24	<i>SNTA1</i>
<i>P2RX7</i>	9.53E-26	0.484	4.50E-24	<i>INPP5A</i>
<i>NUB1</i>	1.01E-25	0.484	4.74E-24	<i>RGN</i>
<i>XRN1</i>	1.08E-25	0.483	5.08E-24	<i>FLJ37453</i>
<i>ACP5</i>	1.12E-25	0.483	5.27E-24	<i>HMGCS2</i>
<i>SAMHD1</i>	1.41E-25	0.482	6.62E-24	<i>ZNF703</i>
<i>DTHD1</i>	1.47E-25	0.482	6.89E-24	<i>TMEM117</i>
<i>NCF1</i>	1.53E-25	0.482	7.16E-24	<i>CKB</i>
<i>CD209</i>	1.59E-25	0.482	7.43E-24	<i>FMO5</i>

<i>TYMP</i>	1.95E-25	0.481	9.08E-24	<i>AS3MT</i>
<i>SLC15A3</i>	1.98E-25	0.481	9.20E-24	<i>TCEA3</i>
<i>STAT4</i>	2.08E-25	0.481	9.63E-24	<i>SCMHI</i>
<i>DOCK8</i>	2.11E-25	0.481	9.76E-24	<i>COA3</i>
<i>CD300C</i>	2.52E-25	0.480	1.16E-23	<i>GSTA4</i>
<i>IL9R</i>	2.65E-25	0.480	1.22E-23	<i>FAM134B</i>
<i>SELPLG</i>	3.51E-25	0.479	1.61E-23	<i>SLC41A3</i>
<i>ZBP1</i>	4.23E-25	0.478	1.94E-23	<i>SOWAHA</i>
<i>ITGA4</i>	4.49E-25	0.478	2.05E-23	<i>SPHAR</i>
<i>OAS2</i>	5.28E-25	0.477	2.40E-23	<i>RAB4A</i>
<i>THEMIS2</i>	5.65E-25	0.477	2.56E-23	<i>MTURN</i>
<i>PRDM1</i>	5.79E-25	0.477	2.62E-23	
<i>HLA-DPA1</i>	6.91E-25	0.476	3.13E-23	
<i>IL4I1</i>	7.69E-25	0.476	3.48E-23	
<i>FPR2</i>	8.51E-25	0.475	3.84E-23	
<i>IFIT2</i>	8.97E-25	0.475	4.04E-23	
<i>UBASH3A</i>	1.02E-24	0.475	4.57E-23	
<i>CSF3R</i>	1.04E-24	0.475	4.67E-23	
<i>MPEG1</i>	1.25E-24	0.474	5.56E-23	
<i>FCGR1B</i>	1.90E-24	0.472	8.42E-23	
<i>CCL8</i>	1.96E-24	0.472	8.67E-23	
<i>HPS5</i>	2.01E-24	0.472	8.84E-23	
<i>CCR2</i>	2.04E-24	0.472	8.97E-23	
<i>SASH3</i>	2.22E-24	0.472	9.75E-23	
<i>DNAJC5B</i>	2.26E-24	0.472	9.91E-23	
<i>SLC1A3</i>	2.40E-24	0.471	1.05E-22	
<i>SPN</i>	3.51E-24	0.470	1.53E-22	
<i>CCDC109B</i>	3.92E-24	0.469	1.71E-22	
<i>FCGR1C</i>	4.35E-24	0.469	1.89E-22	
<i>OAS3</i>	4.42E-24	0.469	1.92E-22	
<i>LRRC25</i>	4.61E-24	0.469	2.00E-22	
<i>CD3D</i>	5.34E-24	0.468	2.31E-22	
<i>CLEC4D</i>	8.07E-24	0.467	3.47E-22	
<i>SLAMF1</i>	8.84E-24	0.466	3.78E-22	
<i>EVI2B</i>	9.20E-24	0.466	3.94E-22	
<i>IL12RB2</i>	1.16E-23	0.465	4.96E-22	
<i>KCNA3</i>	1.22E-23	0.465	5.20E-22	
<i>RHOH</i>	1.43E-23	0.464	6.07E-22	
<i>C5orf56</i>	1.43E-23	0.464	6.08E-22	
<i>I-Mar</i>	1.45E-23	0.464	6.16E-22	
<i>MS4A6A</i>	1.46E-23	0.464	6.16E-22	
<i>FOXP3</i>	1.53E-23	0.464	6.47E-22	
<i>GPR65</i>	1.55E-23	0.464	6.55E-22	
<i>ZAP70</i>	1.56E-23	0.464	6.60E-22	
<i>FAM26F</i>	1.64E-23	0.464	6.91E-22	
<i>APOBEC3H</i>	1.84E-23	0.463	7.75E-22	
<i>EVI2A</i>	1.88E-23	0.463	7.88E-22	
<i>CYLD</i>	3.85E-23	0.460	1.59E-21	
<i>CASPI</i>	4.06E-23	0.460	1.68E-21	
<i>SCIMP</i>	4.51E-23	0.460	1.86E-21	
<i>IKZF3</i>	4.66E-23	0.459	1.92E-21	
<i>KLHL6</i>	5.37E-23	0.459	2.20E-21	
<i>TRAT1</i>	5.74E-23	0.459	2.35E-21	
<i>CECR1</i>	6.28E-23	0.458	2.57E-21	
<i>PTPN7</i>	6.51E-23	0.458	2.66E-21	
<i>TNFAIP3</i>	6.59E-23	0.458	2.69E-21	

<i>TRAF3IP3</i>	8.05E-23	0.457	3.27E-21
<i>TIFA</i>	8.94E-23	0.457	3.63E-21
<i>CD3E</i>	9.99E-23	0.456	4.05E-21
<i>CCL18</i>	1.15E-22	0.456	4.65E-21
<i>XCR1</i>	1.26E-22	0.455	5.06E-21
<i>KLRC1</i>	1.39E-22	0.455	5.61E-21
<i>TNFSF8</i>	1.43E-22	0.455	5.76E-21
<i>CD74</i>	1.49E-22	0.455	5.98E-21
<i>FPR1</i>	1.67E-22	0.454	6.70E-21
<i>APOL1</i>	1.78E-22	0.454	7.09E-21
<i>PSTPIP1</i>	1.79E-22	0.454	7.15E-21
<i>UBASH3B</i>	1.85E-22	0.454	7.37E-21
<i>CCL4L1</i>	1.89E-22	0.454	7.53E-21
<i>BTN3A3</i>	1.94E-22	0.453	7.73E-21
<i>BTN2A2</i>	2.19E-22	0.453	8.69E-21
<i>CD6</i>	2.27E-22	0.453	8.99E-21
<i>IKZF1</i>	2.46E-22	0.452	9.76E-21
<i>TLR1</i>	2.48E-22	0.452	9.84E-21
<i>IRF4</i>	2.85E-22	0.452	1.13E-20
<i>P2RY13</i>	3.53E-22	0.451	1.39E-20
<i>GNGT2</i>	3.56E-22	0.451	1.40E-20
<i>NLRP3</i>	3.60E-22	0.451	1.42E-20
<i>KLHDC7B</i>	4.30E-22	0.450	1.69E-20
<i>LILRB5</i>	4.80E-22	0.450	1.88E-20
<i>FMNL1</i>	4.81E-22	0.450	1.88E-20
<i>OSCAR</i>	5.39E-22	0.449	2.10E-20
<i>B2M</i>	5.50E-22	0.449	2.14E-20
<i>CTSS</i>	5.57E-22	0.449	2.17E-20
<i>NLRC4</i>	5.92E-22	0.449	2.30E-20
<i>CSF2RB</i>	5.92E-22	0.449	2.30E-20
<i>ALOX5AP</i>	6.04E-22	0.449	2.34E-20
<i>MS4A7</i>	7.86E-22	0.448	3.04E-20
<i>NCF1B</i>	7.94E-22	0.447	3.07E-20
<i>HCLS1</i>	8.98E-22	0.447	3.45E-20
<i>NLRC3</i>	1.06E-21	0.446	4.05E-20
<i>FCER1G</i>	1.11E-21	0.446	4.25E-20
<i>DRAM1</i>	1.11E-21	0.446	4.26E-20
<i>RGS18</i>	1.14E-21	0.446	4.37E-20
<i>IL21</i>	1.15E-21	0.446	4.41E-20
<i>SLFN5</i>	1.20E-21	0.446	4.58E-20
<i>PIK3CG</i>	1.24E-21	0.446	4.74E-20
<i>LPXN</i>	1.33E-21	0.445	5.06E-20
<i>GVINP1</i>	1.35E-21	0.445	5.13E-20
<i>CD200R1</i>	1.48E-21	0.445	5.63E-20
<i>LILRA5</i>	1.64E-21	0.444	6.21E-20
<i>PSMB9</i>	2.19E-21	0.443	8.28E-20
<i>LILRB3</i>	2.24E-21	0.443	8.43E-20
<i>LAX1</i>	2.36E-21	0.443	8.86E-20
<i>KMO</i>	2.46E-21	0.443	9.24E-20
<i>RSAD2</i>	2.53E-21	0.442	9.52E-20
<i>ARHGAP25</i>	2.73E-21	0.442	1.02E-19
<i>ACAPI</i>	3.61E-21	0.441	1.35E-19
<i>PTAFR</i>	4.15E-21	0.440	1.55E-19
<i>SPII</i>	4.29E-21	0.440	1.60E-19
<i>IL10</i>	4.37E-21	0.440	1.63E-19
<i>CYTIP</i>	4.85E-21	0.440	1.81E-19

<i>CD69</i>	4.91E-21	0.440	1.83E-19
<i>SLAMF6</i>	5.25E-21	0.439	1.95E-19
<i>UBE2Z</i>	5.93E-21	0.439	2.20E-19
<i>C5AR1</i>	6.37E-21	0.438	2.36E-19
<i>WAS</i>	6.84E-21	0.438	2.54E-19
<i>SLC2A5</i>	7.26E-21	0.438	2.69E-19
<i>SLC9A7</i>	7.34E-21	0.438	2.71E-19
<i>TTC24</i>	9.09E-21	0.437	3.35E-19
<i>C5orf15</i>	9.22E-21	0.437	3.39E-19
<i>MSR1</i>	9.62E-21	0.437	3.53E-19
<i>HLA-DQA1</i>	9.62E-21	0.437	3.53E-19
<i>PML</i>	9.92E-21	0.436	3.64E-19
<i>MICB</i>	1.02E-20	0.436	3.73E-19
<i>HS3ST3B1</i>	1.11E-20	0.436	4.05E-19
<i>PLA2G2D</i>	1.13E-20	0.436	4.14E-19
<i>KIF2A</i>	1.32E-20	0.435	4.80E-19
<i>TMEM106A</i>	1.49E-20	0.435	5.40E-19
<i>TNFSF10</i>	1.60E-20	0.434	5.80E-19
<i>MMP12</i>	1.83E-20	0.434	6.61E-19
<i>ETV7</i>	1.90E-20	0.434	6.86E-19
<i>RARRES3</i>	1.97E-20	0.433	7.09E-19
<i>AIF1</i>	2.42E-20	0.432	8.67E-19
<i>RASGRP1</i>	2.75E-20	0.432	9.83E-19
<i>ARHGAP30</i>	3.07E-20	0.431	1.09E-18
<i>SIGLEC8</i>	3.11E-20	0.431	1.10E-18
<i>MS4A4A</i>	3.17E-20	0.431	1.13E-18
<i>FGD2</i>	3.63E-20	0.431	1.29E-18
<i>CSF1R</i>	5.04E-20	0.429	1.77E-18
<i>CD48</i>	5.59E-20	0.429	1.96E-18
<i>PDE4B</i>	6.47E-20	0.428	2.26E-18
<i>TCAF2</i>	6.84E-20	0.428	2.39E-18
<i>FKBP15</i>	6.93E-20	0.428	2.42E-18
<i>TLR6</i>	6.99E-20	0.428	2.44E-18
<i>SIGLEC5</i>	7.17E-20	0.428	2.50E-18
<i>VAV1</i>	7.88E-20	0.427	2.74E-18
<i>ARAP2</i>	8.12E-20	0.427	2.82E-18
<i>CD33</i>	8.80E-20	0.427	3.05E-18
<i>IFIT5</i>	8.99E-20	0.426	3.11E-18
<i>PIK3CD</i>	1.09E-19	0.426	3.76E-18
<i>SPI10</i>	1.14E-19	0.425	3.94E-18
<i>FAS</i>	1.15E-19	0.425	3.96E-18
<i>FAM78A</i>	1.40E-19	0.424	4.79E-18
<i>IL7R</i>	1.42E-19	0.424	4.88E-18
<i>IL15RA</i>	1.63E-19	0.424	5.56E-18
<i>SBNO2</i>	1.74E-19	0.423	5.95E-18
<i>CEACAM4</i>	1.88E-19	0.423	6.39E-18
<i>CST7</i>	2.09E-19	0.423	7.11E-18
<i>FAM49A</i>	2.24E-19	0.422	7.61E-18
<i>CXorf21</i>	2.34E-19	0.422	7.94E-18
<i>LCK</i>	2.39E-19	0.422	8.09E-18
<i>RASAL3</i>	2.42E-19	0.422	8.20E-18
<i>HLA-DPB1</i>	2.69E-19	0.421	9.07E-18
<i>UBD</i>	2.76E-19	0.421	9.30E-18
<i>CDC42SE2</i>	3.42E-19	0.420	1.15E-17
<i>SPI00</i>	3.49E-19	0.420	1.17E-17
<i>SIRPB1</i>	3.59E-19	0.420	1.21E-17

<i>MAP4K1</i>	4.63E-19	0.419	1.55E-17
<i>CFLAR</i>	4.78E-19	0.419	1.60E-17
<i>MOB1A</i>	4.91E-19	0.419	1.64E-17
<i>AQP9</i>	5.08E-19	0.418	1.70E-17
<i>GPR25</i>	5.38E-19	0.418	1.79E-17
<i>CD14</i>	6.44E-19	0.417	2.13E-17
<i>PLXNC1</i>	7.06E-19	0.417	2.34E-17
<i>EDEM1</i>	7.41E-19	0.417	2.45E-17
<i>LGMN</i>	7.76E-19	0.416	2.57E-17
<i>CTSC</i>	8.17E-19	0.416	2.70E-17
<i>MIR155HG</i>	9.97E-19	0.415	3.28E-17
<i>GIMAP5</i>	1.21E-18	0.414	3.97E-17
<i>RELT</i>	1.21E-18	0.414	3.97E-17
<i>BMP2K</i>	1.31E-18	0.414	4.29E-17
<i>FRMD3</i>	1.64E-18	0.413	5.34E-17
<i>XCL2</i>	1.65E-18	0.413	5.36E-17
<i>TLR7</i>	1.71E-18	0.413	5.55E-17
<i>GM2A</i>	1.73E-18	0.413	5.59E-17
<i>CEACAM21</i>	1.94E-18	0.412	6.27E-17
<i>VSIG4</i>	1.95E-18	0.412	6.31E-17
<i>ITGAM</i>	1.99E-18	0.412	6.40E-17
<i>SH2D1B</i>	2.10E-18	0.412	6.76E-17
<i>IGFLR1</i>	2.20E-18	0.411	7.07E-17
<i>CHST11</i>	2.73E-18	0.410	8.72E-17
<i>IL27</i>	2.84E-18	0.410	9.08E-17
<i>CXCR3</i>	2.85E-18	0.410	9.11E-17
<i>MAX</i>	2.93E-18	0.410	9.34E-17
<i>SUCNR1</i>	2.95E-18	0.410	9.41E-17
<i>CORO1A</i>	3.03E-18	0.410	9.66E-17
<i>ABI3</i>	3.17E-18	0.410	1.01E-16
<i>ZBTB32</i>	3.26E-18	0.410	1.04E-16
<i>HCAR3</i>	3.30E-18	0.409	1.05E-16
<i>ABCD2</i>	3.54E-18	0.409	1.12E-16
<i>ATP6V1B2</i>	3.92E-18	0.409	1.24E-16
<i>FCAR</i>	3.94E-18	0.409	1.24E-16
<i>STAT5A</i>	4.42E-18	0.408	1.39E-16
<i>TNFSF14</i>	4.61E-18	0.408	1.45E-16
<i>RBMXL1</i>	4.65E-18	0.408	1.46E-16
<i>KCNJ10</i>	4.94E-18	0.407	1.55E-16
<i>ZNF831</i>	4.99E-18	0.407	1.56E-16
<i>ALOX15B</i>	5.13E-18	0.407	1.61E-16
<i>KLRC2</i>	6.19E-18	0.406	1.93E-16
<i>KIR3DL2</i>	6.36E-18	0.406	1.98E-16
<i>ADAP2</i>	6.65E-18	0.406	2.07E-16
<i>LAT2</i>	6.73E-18	0.406	2.09E-16
<i>IL15</i>	6.83E-18	0.406	2.12E-16
<i>TBC1D10C</i>	7.02E-18	0.406	2.18E-16
<i>CTSW</i>	8.09E-18	0.405	2.50E-16
<i>JAK3</i>	8.34E-18	0.405	2.58E-16
<i>PIM2</i>	8.37E-18	0.405	2.59E-16
<i>BTK</i>	8.56E-18	0.405	2.64E-16
<i>IFI30</i>	9.30E-18	0.404	2.86E-16
<i>GAB3</i>	9.82E-18	0.404	3.02E-16
<i>FCGR2C</i>	1.05E-17	0.404	3.21E-16
<i>PARP12</i>	1.12E-17	0.403	3.44E-16
<i>ADGRE1</i>	1.16E-17	0.403	3.54E-16

<i>GJD3</i>	1.25E-17	0.403	3.83E-16
<i>HLA-DRB1</i>	1.32E-17	0.403	4.02E-16
<i>RCL1</i>	1.36E-17	0.402	4.15E-16
<i>USP18</i>	1.39E-17	0.402	4.22E-16
<i>LILRA1</i>	1.42E-17	0.402	4.32E-16
<i>WIPF1</i>	1.95E-17	0.401	5.90E-16
<i>SERPINB9</i>	2.05E-17	0.400	6.20E-16
<i>SMTNL1</i>	2.30E-17	0.400	6.95E-16
<i>MAFB</i>	2.60E-17	0.399	7.84E-16
<i>BST2</i>	2.72E-17	0.399	8.18E-16
<i>ANKRD44</i>	2.87E-17	0.399	8.62E-16
<i>AGAP2</i>	3.07E-17	0.398	9.21E-16
<i>RC3H2</i>	3.48E-17	0.398	1.04E-15
<i>ARNTL2</i>	3.87E-17	0.397	1.15E-15
<i>CCL13</i>	4.08E-17	0.397	1.22E-15
<i>DCANPI</i>	4.45E-17	0.397	1.32E-15
<i>GIMAP4</i>	4.57E-17	0.396	1.36E-15
<i>GZMK</i>	4.89E-17	0.396	1.45E-15
<i>RASSF5</i>	5.43E-17	0.396	1.61E-15
<i>HLA-DMA</i>	5.48E-17	0.395	1.62E-15
<i>GPNMB</i>	5.60E-17	0.395	1.65E-15
<i>SNX10</i>	5.63E-17	0.395	1.66E-15
<i>TNFAIP8L2</i>	5.72E-17	0.395	1.69E-15
<i>LST1</i>	5.85E-17	0.395	1.72E-15
<i>RASGRP3</i>	5.89E-17	0.395	1.73E-15
<i>HCST</i>	5.90E-17	0.395	1.74E-15
<i>TLR2</i>	6.02E-17	0.395	1.77E-15
<i>TLR4</i>	6.29E-17	0.395	1.85E-15
<i>SH2B3</i>	6.32E-17	0.395	1.86E-15
<i>FCGR3B</i>	6.62E-17	0.395	1.94E-15
<i>CXCL13</i>	7.33E-17	0.394	2.14E-15
<i>SOD2</i>	7.51E-17	0.394	2.20E-15
<i>LTA</i>	7.69E-17	0.394	2.25E-15
<i>NFKB1</i>	7.84E-17	0.394	2.29E-15
<i>PARVG</i>	8.13E-17	0.393	2.37E-15
<i>DDX60</i>	9.12E-17	0.393	2.65E-15
<i>RNASE6</i>	1.03E-16	0.392	2.97E-15
<i>SIRPD</i>	1.11E-16	0.392	3.20E-15
<i>RUFY4</i>	1.14E-16	0.392	3.30E-15
<i>CCL22</i>	1.21E-16	0.391	3.48E-15
<i>XAF1</i>	1.27E-16	0.391	3.65E-15
<i>WDFY1</i>	1.38E-16	0.391	3.94E-15
<i>DDX58</i>	1.38E-16	0.391	3.96E-15
<i>VCAM1</i>	1.46E-16	0.390	4.18E-15
<i>GCHI</i>	1.66E-16	0.390	4.73E-15
<i>LIPA</i>	1.91E-16	0.389	5.41E-15
<i>NCF1C</i>	1.98E-16	0.389	5.62E-15
<i>ATP8B4</i>	2.07E-16	0.389	5.85E-15
<i>ADAM10</i>	2.07E-16	0.389	5.85E-15
<i>PIK3R6</i>	2.10E-16	0.389	5.94E-15
<i>PRKCQ</i>	2.10E-16	0.389	5.95E-15
<i>EOMES</i>	2.16E-16	0.388	6.12E-15
<i>SIT1</i>	2.22E-16	0.388	6.28E-15
<i>BCL2L11</i>	2.76E-16	0.387	7.78E-15
<i>MOV10</i>	2.85E-16	0.387	8.02E-15
<i>PRAMI</i>	3.26E-16	0.386	9.14E-15

<i>LY9</i>	3.63E-16	0.386	1.02E-14
<i>SAMD9</i>	3.72E-16	0.386	1.04E-14
<i>PREX1</i>	4.65E-16	0.384	1.29E-14
<i>ASPHD2</i>	4.70E-16	0.384	1.30E-14
<i>PSME2</i>	4.78E-16	0.384	1.33E-14
<i>GIMAP6</i>	4.83E-16	0.384	1.34E-14
<i>NPL</i>	4.94E-16	0.384	1.37E-14
<i>FGL2</i>	5.25E-16	0.384	1.45E-14
<i>TMEM156</i>	5.29E-16	0.384	1.46E-14
<i>BACH1</i>	5.34E-16	0.384	1.48E-14
<i>ADGRE3</i>	5.36E-16	0.384	1.48E-14
<i>SAMD3</i>	5.72E-16	0.383	1.58E-14
<i>TYROBP</i>	6.21E-16	0.383	1.71E-14
<i>FUT7</i>	6.26E-16	0.383	1.72E-14
<i>APOBEC3D</i>	6.42E-16	0.383	1.77E-14
<i>ETS1</i>	6.79E-16	0.382	1.86E-14
<i>IFNL1</i>	8.73E-16	0.381	2.39E-14
<i>UHMK1</i>	9.75E-16	0.380	2.66E-14
<i>PLEKHO2</i>	1.05E-15	0.380	2.86E-14
<i>BTLA</i>	1.24E-15	0.379	3.35E-14
<i>C9orf139</i>	1.24E-15	0.379	3.36E-14
<i>ADAMTS2</i>	1.32E-15	0.379	3.58E-14
<i>HLA-DQB1</i>	1.44E-15	0.378	3.90E-14
<i>RHBDF2</i>	1.48E-15	0.378	4.00E-14
<i>SDS</i>	1.56E-15	0.378	4.20E-14
<i>PPP1R16B</i>	1.59E-15	0.378	4.27E-14
<i>CCR4</i>	1.60E-15	0.378	4.30E-14
<i>RAPGEF6</i>	1.60E-15	0.378	4.30E-14
<i>TRIM21</i>	1.92E-15	0.377	5.12E-14
<i>CD7</i>	1.96E-15	0.377	5.23E-14
<i>TNFRSF1B</i>	2.06E-15	0.376	5.49E-14
<i>BIRC3</i>	2.18E-15	0.376	5.80E-14
<i>WDFY4</i>	2.21E-15	0.376	5.86E-14
<i>TNFAIP8</i>	2.41E-15	0.376	6.39E-14
<i>GTF2H3</i>	2.45E-15	0.375	6.51E-14
<i>ADAR</i>	2.58E-15	0.375	6.83E-14
<i>AMZ1</i>	2.64E-15	0.375	7.00E-14
<i>TESPA1</i>	2.90E-15	0.374	7.68E-14
<i>RANBP6</i>	3.26E-15	0.374	8.60E-14
<i>AMICA1</i>	3.29E-15	0.374	8.68E-14
<i>GPR132</i>	3.37E-15	0.374	8.90E-14
<i>CD300E</i>	3.60E-15	0.373	9.48E-14
<i>WISPI</i>	3.67E-15	0.373	9.65E-14
<i>KIR2DS4</i>	3.78E-15	0.373	9.94E-14
<i>CXorf38</i>	4.19E-15	0.372	1.10E-13
<i>IL16</i>	4.28E-15	0.372	1.12E-13
<i>IFI44</i>	4.41E-15	0.372	1.15E-13
<i>RCSD1</i>	4.71E-15	0.372	1.23E-13
<i>TMIGD2</i>	4.74E-15	0.372	1.24E-13
<i>RFX3</i>	4.86E-15	0.372	1.27E-13
<i>HTRA4</i>	4.98E-15	0.372	1.30E-13
<i>PIK3API</i>	5.15E-15	0.371	1.34E-13
<i>XIRP1</i>	5.32E-15	0.371	1.38E-13
<i>CLEC2B</i>	5.35E-15	0.371	1.39E-13
<i>CSF2RA</i>	5.43E-15	0.371	1.41E-13
<i>PLAUR</i>	5.94E-15	0.371	1.54E-13

<i>PLCB2</i>	5.95E-15	0.371	1.54E-13
<i>CMPK2</i>	6.01E-15	0.370	1.55E-13
<i>OLR1</i>	6.28E-15	0.370	1.62E-13
<i>ADORA3</i>	6.63E-15	0.370	1.71E-13
<i>LYN</i>	6.72E-15	0.370	1.73E-13
<i>CD72</i>	6.80E-15	0.370	1.75E-13
<i>TRANK1</i>	6.85E-15	0.370	1.76E-13
<i>ADCY7</i>	7.13E-15	0.370	1.83E-13
<i>NAIP</i>	7.29E-15	0.369	1.87E-13
<i>CD27</i>	7.40E-15	0.369	1.90E-13
<i>RGL4</i>	7.49E-15	0.369	1.92E-13
<i>GNPTAB</i>	7.79E-15	0.369	2.00E-13
<i>C16orf54</i>	7.93E-15	0.369	2.03E-13
<i>MMP9</i>	8.10E-15	0.369	2.07E-13
<i>LSP1</i>	8.46E-15	0.369	2.16E-13
<i>MGCI2916</i>	8.67E-15	0.368	2.22E-13
<i>HIVEP3</i>	8.74E-15	0.368	2.23E-13
<i>FLVCR2</i>	8.93E-15	0.368	2.28E-13
<i>SELL</i>	8.95E-15	0.368	2.28E-13
<i>NOD2</i>	9.41E-15	0.368	2.40E-13
<i>IFITM1</i>	9.96E-15	0.368	2.53E-13
<i>CTSL</i>	1.03E-14	0.367	2.61E-13
<i>SECTM1</i>	1.08E-14	0.367	2.75E-13
<i>CD83</i>	1.10E-14	0.367	2.79E-13
<i>CCL3L1</i>	1.12E-14	0.367	2.83E-13
<i>RGS1</i>	1.14E-14	0.367	2.90E-13
<i>OASL</i>	1.17E-14	0.367	2.96E-13
<i>CD180</i>	1.24E-14	0.366	3.13E-13
<i>CASP4</i>	1.34E-14	0.366	3.38E-13
<i>BATF3</i>	1.35E-14	0.366	3.40E-13
<i>AKAP5</i>	1.38E-14	0.366	3.47E-13
<i>STK10</i>	1.49E-14	0.365	3.75E-13
<i>CD163L1</i>	1.54E-14	0.365	3.87E-13
<i>CSF1</i>	1.57E-14	0.365	3.94E-13
<i>BTN3A2</i>	1.64E-14	0.365	4.12E-13
<i>EMILIN2</i>	1.66E-14	0.365	4.16E-13
<i>RAB33A</i>	1.70E-14	0.365	4.26E-13
<i>ZNF80</i>	1.75E-14	0.364	4.36E-13
<i>EBI3</i>	1.79E-14	0.364	4.46E-13
<i>SQRDL</i>	1.86E-14	0.364	4.63E-13
<i>HCAR2</i>	1.87E-14	0.364	4.66E-13
<i>MAN2A1</i>	2.03E-14	0.364	5.04E-13
<i>CLEC2D</i>	2.06E-14	0.364	5.12E-13
<i>RAC2</i>	2.06E-14	0.364	5.12E-13
<i>IDO2</i>	2.16E-14	0.363	5.35E-13
<i>LACTB</i>	2.26E-14	0.363	5.58E-13
<i>NIN</i>	2.45E-14	0.363	6.06E-13
<i>TNFAIP2</i>	2.88E-14	0.362	7.08E-13
<i>ATP10D</i>	3.15E-14	0.361	7.71E-13
<i>STK17B</i>	3.15E-14	0.361	7.71E-13
<i>AKIRIN2-AS1</i>	3.17E-14	0.361	7.77E-13
<i>GPR18</i>	3.40E-14	0.361	8.30E-13
<i>PRKCH</i>	3.42E-14	0.361	8.35E-13
<i>IPCEF1</i>	3.49E-14	0.361	8.51E-13
<i>RUNX3</i>	3.94E-14	0.360	9.58E-13
<i>PMAIP1</i>	3.95E-14	0.360	9.60E-13

<i>SETX</i>	4.00E-14	0.360	9.72E-13
<i>HLA-DQB2</i>	4.50E-14	0.359	1.09E-12
<i>FCGR2B</i>	4.56E-14	0.359	1.11E-12
<i>RRM2B</i>	4.86E-14	0.359	1.18E-12
<i>TRAF1</i>	5.65E-14	0.358	1.36E-12
<i>CH13L1</i>	5.87E-14	0.358	1.41E-12
<i>OPTN</i>	5.96E-14	0.357	1.43E-12
<i>ADGRE4P</i>	6.51E-14	0.357	1.56E-12
<i>OSM</i>	6.55E-14	0.357	1.57E-12
<i>CDCP1</i>	7.07E-14	0.356	1.69E-12
<i>APOBEC3A</i>	7.22E-14	0.356	1.72E-12
<i>CEP120</i>	7.52E-14	0.356	1.79E-12
<i>MEI1</i>	7.69E-14	0.356	1.83E-12
<i>KCNK13</i>	7.70E-14	0.356	1.83E-12
<i>KIR2DL3</i>	7.80E-14	0.356	1.85E-12
<i>ZNF699</i>	8.04E-14	0.356	1.91E-12
<i>IFI44L</i>	8.05E-14	0.356	1.91E-12
<i>GMFG</i>	8.38E-14	0.355	1.98E-12
<i>DHX58</i>	8.76E-14	0.355	2.06E-12
<i>CAMK4</i>	8.82E-14	0.355	2.08E-12
<i>SSH1</i>	1.03E-13	0.354	2.41E-12
<i>LIMS1</i>	1.09E-13	0.354	2.55E-12
<i>SUSD6</i>	1.21E-13	0.353	2.83E-12
<i>MPHOSPH9</i>	1.30E-13	0.353	3.02E-12
<i>CD28</i>	1.35E-13	0.353	3.14E-12
<i>RNF4</i>	1.43E-13	0.352	3.31E-12
<i>SLC2A3</i>	1.44E-13	0.352	3.33E-12
<i>STAB1</i>	1.44E-13	0.352	3.34E-12
<i>FCRL5</i>	1.48E-13	0.352	3.44E-12
<i>BRIP1</i>	1.49E-13	0.352	3.46E-12
<i>TMC8</i>	1.53E-13	0.352	3.54E-12
<i>DOK3</i>	1.59E-13	0.352	3.68E-12
<i>CX3CL1</i>	1.61E-13	0.352	3.72E-12
<i>CRI1</i>	1.75E-13	0.351	4.02E-12
<i>GIMAP8</i>	1.84E-13	0.351	4.23E-12
<i>MYO9B</i>	1.88E-13	0.351	4.32E-12
<i>MYO5A</i>	1.90E-13	0.351	4.36E-12
<i>TREM1</i>	1.90E-13	0.351	4.36E-12
<i>PLGRKT</i>	1.97E-13	0.350	4.51E-12
<i>CD8B</i>	2.00E-13	0.350	4.59E-12
<i>GSDMC</i>	2.12E-13	0.350	4.84E-12
<i>TNFRSF18</i>	2.14E-13	0.350	4.89E-12
<i>PTPRCAP</i>	2.18E-13	0.350	4.98E-12
<i>DAPPI</i>	2.42E-13	0.349	5.52E-12
<i>RIPK2</i>	2.82E-13	0.348	6.39E-12
<i>KYNU</i>	3.25E-13	0.347	7.34E-12
<i>TCN2</i>	3.30E-13	0.347	7.45E-12
<i>FCHSD2</i>	3.62E-13	0.347	8.13E-12
<i>LOC154761</i>	3.80E-13	0.346	8.51E-12
<i>RABGAP1L</i>	3.83E-13	0.346	8.59E-12
<i>ANKRD32</i>	3.84E-13	0.346	8.59E-12
<i>HELB</i>	3.87E-13	0.346	8.67E-12
<i>CAMK1G</i>	4.01E-13	0.346	8.97E-12
<i>PSME1</i>	4.24E-13	0.346	9.48E-12
<i>CD68</i>	4.26E-13	0.346	9.52E-12
<i>CD40</i>	4.32E-13	0.346	9.66E-12

<i>LINC00426</i>	4.77E-13	0.345	1.06E-11
<i>CCNT1</i>	4.96E-13	0.345	1.11E-11
<i>CARD16</i>	4.99E-13	0.345	1.11E-11
<i>SEC14L1</i>	5.17E-13	0.345	1.15E-11
<i>GZMM</i>	5.41E-13	0.344	1.20E-11
<i>MCOLN2</i>	5.49E-13	0.344	1.22E-11
<i>HLA-C</i>	5.58E-13	0.344	1.24E-11
<i>LHFPL2</i>	6.09E-13	0.344	1.35E-11
<i>LILRA2</i>	6.13E-13	0.344	1.35E-11
<i>HSD11B1</i>	6.51E-13	0.343	1.43E-11
<i>ZNF430</i>	6.61E-13	0.343	1.45E-11
<i>ARHGEF6</i>	7.01E-13	0.343	1.54E-11
<i>CCL3L3</i>	7.15E-13	0.343	1.57E-11
<i>ARHGDI3</i>	8.57E-13	0.341	1.87E-11
<i>GPR82</i>	8.84E-13	0.341	1.92E-11
<i>PCED1B-AS1</i>	9.23E-13	0.341	2.01E-11
<i>BMS1P20</i>	9.67E-13	0.341	2.10E-11
<i>KIR3DL1</i>	9.69E-13	0.341	2.10E-11
<i>VRK2</i>	9.85E-13	0.341	2.14E-11
<i>SPTY2D1</i>	9.88E-13	0.341	2.14E-11
<i>UBA7</i>	1.04E-12	0.340	2.25E-11
<i>GPR68</i>	1.07E-12	0.340	2.31E-11
<i>FAM20A</i>	1.10E-12	0.340	2.38E-11
<i>LYPD5</i>	1.14E-12	0.340	2.45E-11
<i>LRRC8C</i>	1.26E-12	0.339	2.71E-11
<i>TNFRSF10A</i>	1.35E-12	0.339	2.89E-11
<i>SFT2D2</i>	1.37E-12	0.339	2.95E-11
<i>ERAP1</i>	1.39E-12	0.339	2.97E-11
<i>C10orf128</i>	1.42E-12	0.338	3.04E-11
<i>LILRA3</i>	1.43E-12	0.338	3.07E-11
<i>DCSTAMP</i>	1.46E-12	0.338	3.12E-11
<i>KIR2DL1</i>	1.53E-12	0.338	3.26E-11
<i>MAP3K5</i>	1.69E-12	0.337	3.59E-11
<i>ADGRG3</i>	1.69E-12	0.337	3.59E-11
<i>ZFYVE26</i>	1.75E-12	0.337	3.72E-11
<i>GPSM3</i>	1.78E-12	0.337	3.78E-11
<i>RASSF4</i>	1.79E-12	0.337	3.80E-11
<i>CHD1</i>	1.80E-12	0.337	3.81E-11
<i>NCF4</i>	1.95E-12	0.336	4.10E-11
<i>TGM2</i>	1.97E-12	0.336	4.14E-11
<i>MCL1</i>	1.99E-12	0.336	4.18E-11
<i>CYSLTR1</i>	2.04E-12	0.336	4.28E-11
<i>C1orf162</i>	2.34E-12	0.335	4.87E-11
<i>TRPV2</i>	2.44E-12	0.335	5.06E-11
<i>ARHGAP15</i>	2.47E-12	0.335	5.13E-11
<i>HIF1A</i>	2.63E-12	0.334	5.45E-11
<i>SLCO2B1</i>	2.71E-12	0.334	5.61E-11
<i>IFI35</i>	2.76E-12	0.334	5.71E-11
<i>FCN1</i>	2.82E-12	0.334	5.82E-11
<i>EIF2AK2</i>	2.82E-12	0.334	5.82E-11
<i>SLC24A4</i>	3.06E-12	0.334	6.30E-11
<i>STRIP2</i>	3.10E-12	0.333	6.39E-11
<i>EYA3</i>	3.62E-12	0.332	7.42E-11
<i>RAB8B</i>	4.02E-12	0.332	8.19E-11
<i>AIM1</i>	4.03E-12	0.332	8.21E-11
<i>ERLIN1</i>	4.08E-12	0.332	8.31E-11

<i>DSE</i>	4.52E-12	0.331	9.17E-11
<i>TRIM14</i>	4.64E-12	0.331	9.40E-11
<i>DNMT1</i>	4.71E-12	0.331	9.55E-11
<i>ANKFY1</i>	5.06E-12	0.330	1.02E-10
<i>DOCK4</i>	5.13E-12	0.330	1.03E-10
<i>ALPK1</i>	5.44E-12	0.330	1.09E-10
<i>CHIT1</i>	5.53E-12	0.330	1.11E-10
<i>CEP170</i>	5.58E-12	0.330	1.12E-10
<i>HLA-DQA2</i>	5.69E-12	0.330	1.14E-10
<i>ATXN7</i>	5.83E-12	0.329	1.17E-10
<i>PTCRA</i>	6.11E-12	0.329	1.22E-10
<i>NMI</i>	6.15E-12	0.329	1.23E-10
<i>NUGGC</i>	6.18E-12	0.329	1.23E-10
<i>HMOX1</i>	6.21E-12	0.329	1.24E-10
<i>CNDP2</i>	6.30E-12	0.329	1.26E-10
<i>MB21D1</i>	6.59E-12	0.329	1.31E-10
<i>I-Sep</i>	6.78E-12	0.328	1.34E-10
<i>RASGRP4</i>	6.90E-12	0.328	1.37E-10
<i>TMEM52B</i>	7.22E-12	0.328	1.43E-10
<i>FERMT3</i>	7.79E-12	0.328	1.53E-10
<i>EPB41L3</i>	7.92E-12	0.327	1.56E-10
<i>C4orf50</i>	8.00E-12	0.327	1.57E-10
<i>KIR3DX1</i>	8.16E-12	0.327	1.60E-10
<i>ZDHHC18</i>	9.01E-12	0.327	1.76E-10
<i>PPTC7</i>	9.21E-12	0.326	1.80E-10
<i>S1PR4</i>	9.39E-12	0.326	1.83E-10
<i>NECAP2</i>	9.61E-12	0.326	1.87E-10
<i>LRRK2</i>	1.01E-11	0.326	1.96E-10
<i>GPR34</i>	1.05E-11	0.326	2.04E-10
<i>MATK</i>	1.15E-11	0.325	2.22E-10
<i>ARL4C</i>	1.17E-11	0.325	2.25E-10
<i>RTP5</i>	1.28E-11	0.324	2.46E-10
<i>LNPEP</i>	1.29E-11	0.324	2.47E-10
<i>HTT</i>	1.31E-11	0.324	2.50E-10
<i>GTF2A1</i>	1.35E-11	0.324	2.58E-10
<i>VAMP5</i>	1.36E-11	0.324	2.61E-10
<i>PSMB8</i>	1.41E-11	0.324	2.69E-10
<i>TRIM69</i>	1.44E-11	0.324	2.74E-10
<i>MX1</i>	1.47E-11	0.323	2.80E-10
<i>GIMAP1</i>	1.52E-11	0.323	2.89E-10
<i>IFNAR2</i>	1.65E-11	0.323	3.12E-10
<i>P2RY8</i>	1.73E-11	0.322	3.27E-10
<i>LRMP</i>	1.79E-11	0.322	3.38E-10
<i>CDV3</i>	1.93E-11	0.322	3.64E-10
<i>ADORA2A</i>	1.94E-11	0.322	3.65E-10
<i>TREM2</i>	2.03E-11	0.321	3.81E-10
<i>LINC00158</i>	2.03E-11	0.321	3.82E-10
<i>ATP11C</i>	2.06E-11	0.321	3.87E-10
<i>YTHDC2</i>	2.27E-11	0.321	4.24E-10
<i>TOP3A</i>	2.35E-11	0.320	4.38E-10
<i>IL12B</i>	2.37E-11	0.320	4.41E-10
<i>DRI</i>	2.39E-11	0.320	4.44E-10
<i>MGAT1</i>	2.39E-11	0.320	4.44E-10
<i>ITGAD</i>	2.42E-11	0.320	4.49E-10
<i>GPR183</i>	2.47E-11	0.320	4.58E-10
<i>PARP11</i>	2.56E-11	0.320	4.73E-10

<i>HDAC3</i>	2.59E-11	0.320	4.79E-10
<i>CD5</i>	2.61E-11	0.320	4.82E-10
<i>CEACAM3</i>	2.64E-11	0.320	4.87E-10
<i>APOBEC3C</i>	2.83E-11	0.319	5.21E-10
<i>HLA-B</i>	2.83E-11	0.319	5.21E-10
<i>GLIPR2</i>	2.87E-11	0.319	5.28E-10
<i>TMED7</i>	2.89E-11	0.319	5.31E-10
<i>APOBR</i>	2.95E-11	0.319	5.42E-10
<i>TDRD6</i>	2.98E-11	0.319	5.47E-10
<i>RQCD1</i>	3.06E-11	0.319	5.61E-10
<i>CDC27</i>	3.10E-11	0.318	5.67E-10
<i>ASXL2</i>	3.14E-11	0.318	5.74E-10
<i>MZB1</i>	3.18E-11	0.318	5.81E-10
<i>FBXO7</i>	3.23E-11	0.318	5.89E-10
<i>SERPINB8</i>	3.54E-11	0.318	6.46E-10
<i>PFKFB3</i>	3.59E-11	0.317	6.54E-10
<i>VNN2</i>	3.72E-11	0.317	6.76E-10
<i>CARD17</i>	3.99E-11	0.317	7.21E-10
<i>GMEB1</i>	4.29E-11	0.316	7.74E-10
<i>CSNK1G1</i>	4.31E-11	0.316	7.78E-10
<i>CD52</i>	4.32E-11	0.316	7.79E-10
<i>FLII</i>	4.48E-11	0.316	8.06E-10
<i>HS3ST3A1</i>	4.54E-11	0.316	8.15E-10
<i>MXDI</i>	4.70E-11	0.316	8.42E-10
<i>CCRN4L</i>	4.79E-11	0.316	8.56E-10
<i>SMCR8</i>	5.51E-11	0.315	9.79E-10
<i>SLC37A2</i>	5.54E-11	0.315	9.84E-10
<i>DIAPH1</i>	5.84E-11	0.314	1.03E-09
<i>CLC</i>	5.93E-11	0.314	1.05E-09
<i>MYD88</i>	6.27E-11	0.314	1.10E-09
<i>EHD4</i>	6.36E-11	0.314	1.12E-09
<i>ELL</i>	6.44E-11	0.314	1.13E-09
<i>SMAP2</i>	6.57E-11	0.313	1.15E-09
<i>RAB39A</i>	6.69E-11	0.313	1.17E-09
<i>SYNE2</i>	8.03E-11	0.312	1.39E-09
<i>DPEP2</i>	8.53E-11	0.312	1.48E-09
<i>LGALS9</i>	8.93E-11	0.311	1.54E-09
<i>CD37</i>	9.31E-11	0.311	1.61E-09
<i>CDC37L1</i>	9.63E-11	0.311	1.66E-09
<i>PRKD2</i>	9.81E-11	0.311	1.69E-09
<i>PDE6G</i>	1.03E-10	0.310	1.77E-09
<i>TNFSF4</i>	1.14E-10	0.310	1.94E-09
<i>TNFRSF17</i>	1.14E-10	0.310	1.94E-09
<i>TNFRSF4</i>	1.16E-10	0.310	1.98E-09
<i>LILRP2</i>	1.16E-10	0.309	1.99E-09
<i>APOL4</i>	1.21E-10	0.309	2.07E-09
<i>SLC16A6</i>	1.22E-10	0.309	2.08E-09
<i>HLA-DRB5</i>	1.22E-10	0.309	2.08E-09
<i>CEBPE</i>	1.23E-10	0.309	2.10E-09
<i>MYO7A</i>	1.29E-10	0.309	2.19E-09
<i>ISG20</i>	1.35E-10	0.308	2.30E-09
<i>MYOF</i>	1.36E-10	0.308	2.31E-09
<i>CXCL8</i>	1.39E-10	0.308	2.36E-09
<i>HERC6</i>	1.40E-10	0.308	2.36E-09
<i>JAG1</i>	1.42E-10	0.308	2.40E-09
<i>LMNB1</i>	1.48E-10	0.308	2.50E-09

<i>TNF</i>	1.54E-10	0.308	2.58E-09
<i>TNFAIP6</i>	1.56E-10	0.307	2.62E-09
<i>GNG2</i>	1.57E-10	0.307	2.64E-09
<i>MS4A14</i>	1.61E-10	0.307	2.71E-09
<i>GIMAP2</i>	1.62E-10	0.307	2.72E-09
<i>NCEH1</i>	1.67E-10	0.307	2.80E-09
<i>PPP3CC</i>	1.71E-10	0.307	2.86E-09
<i>SMCHD1</i>	1.72E-10	0.307	2.88E-09
<i>CLEC5A</i>	1.73E-10	0.307	2.89E-09
<i>HPSE</i>	1.77E-10	0.307	2.96E-09
<i>MSN</i>	1.77E-10	0.307	2.96E-09
<i>IL32</i>	1.79E-10	0.306	2.98E-09
<i>FGD3</i>	1.81E-10	0.306	3.02E-09
<i>HLA-DOB</i>	1.99E-10	0.306	3.30E-09
<i>RHBDD1</i>	2.00E-10	0.306	3.32E-09
<i>ADAMTS12</i>	2.00E-10	0.306	3.32E-09
<i>MUC16</i>	2.00E-10	0.306	3.32E-09
<i>TRIM5</i>	2.09E-10	0.305	3.46E-09
<i>BAG4</i>	2.10E-10	0.305	3.47E-09
<i>ANKRD36BPI</i>	2.12E-10	0.305	3.49E-09
<i>GLT1D1</i>	2.24E-10	0.305	3.69E-09
<i>VAMP3</i>	2.25E-10	0.305	3.70E-09
<i>CLNK</i>	2.29E-10	0.305	3.76E-09
<i>KLRB1</i>	2.32E-10	0.305	3.81E-09
<i>TMEM71</i>	2.33E-10	0.305	3.83E-09
<i>APIB1</i>	2.37E-10	0.304	3.88E-09
<i>SEC24A</i>	2.69E-10	0.304	4.38E-09
<i>WDR7</i>	2.69E-10	0.304	4.38E-09
<i>PATL2</i>	2.75E-10	0.303	4.47E-09
<i>FAM65B</i>	2.76E-10	0.303	4.47E-09
<i>PPAPDC2</i>	2.79E-10	0.303	4.53E-09
<i>DEF6</i>	2.84E-10	0.303	4.61E-09
<i>PARP8</i>	2.85E-10	0.303	4.62E-09
<i>MCTP1</i>	2.87E-10	0.303	4.64E-09
<i>ELK4</i>	3.05E-10	0.303	4.93E-09
<i>AKNA</i>	3.11E-10	0.303	5.01E-09
<i>LOC284441</i>	3.15E-10	0.302	5.05E-09
<i>SH2D2A</i>	3.17E-10	0.302	5.10E-09
<i>NCK1</i>	3.22E-10	0.302	5.17E-09
<i>TSHR</i>	3.41E-10	0.302	5.45E-09
<i>ACKR4</i>	3.55E-10	0.302	5.66E-09
<i>FUT10</i>	3.60E-10	0.302	5.73E-09
<i>SERPING1</i>	3.64E-10	0.301	5.79E-09
<i>PSAP</i>	3.81E-10	0.301	6.04E-09
<i>PSMB10</i>	3.86E-10	0.301	6.11E-09
<i>KIAA0125</i>	3.94E-10	0.301	6.23E-09
<i>C10orf12</i>	3.95E-10	0.301	6.25E-09
<i>CD47</i>	4.12E-10	0.301	6.49E-09
<i>WDR76</i>	4.16E-10	0.300	6.55E-09
<i>PVRIG</i>	4.27E-10	0.300	6.71E-09
<i>LINC00094</i>	4.34E-10	-0.300	6.82E-09
<i>RIMS4</i>	4.16E-10	-0.300	6.55E-09
<i>GLYCTK</i>	4.15E-10	-0.301	6.53E-09
<i>SLC34A2</i>	4.13E-10	-0.301	6.50E-09
<i>PPP1R14A</i>	4.09E-10	-0.301	6.45E-09
<i>EIF4EBP3</i>	4.00E-10	-0.301	6.31E-09

<i>TTR</i>	3.61E-10	-0.302	5.74E-09
<i>SEMA6A</i>	3.50E-10	-0.302	5.58E-09
<i>ZNF75A</i>	3.45E-10	-0.302	5.51E-09
<i>CCDC181</i>	3.45E-10	-0.302	5.51E-09
<i>RXFP4</i>	3.38E-10	-0.302	5.40E-09
<i>TTC25</i>	3.33E-10	-0.302	5.34E-09
<i>PALM3</i>	3.28E-10	-0.302	5.25E-09
<i>DHRS12</i>	3.19E-10	-0.302	5.12E-09
<i>SHF</i>	3.14E-10	-0.302	5.05E-09
<i>TMEM198</i>	3.11E-10	-0.303	5.00E-09
<i>CHMP3</i>	3.08E-10	-0.303	4.97E-09
<i>GNRHR2</i>	2.99E-10	-0.303	4.83E-09
<i>SMAP1</i>	2.92E-10	-0.303	4.72E-09
<i>GTF2IRD2B</i>	2.82E-10	-0.303	4.57E-09
<i>APOA1</i>	2.77E-10	-0.303	4.50E-09
<i>LOC100134368</i>	2.77E-10	-0.303	4.49E-09
<i>SCX</i>	2.74E-10	-0.303	4.46E-09
<i>LRRC6</i>	2.61E-10	-0.304	4.25E-09
<i>CDKN1C</i>	2.57E-10	-0.304	4.20E-09
<i>KCNIP3</i>	2.55E-10	-0.304	4.17E-09
<i>NOL4L</i>	2.36E-10	-0.305	3.87E-09
<i>NINL</i>	2.34E-10	-0.305	3.83E-09
<i>ALAD</i>	2.24E-10	-0.305	3.69E-09
<i>SRPK3</i>	2.24E-10	-0.305	3.68E-09
<i>PPP2R5A</i>	2.13E-10	-0.305	3.52E-09
<i>TMEM223</i>	2.06E-10	-0.305	3.40E-09
<i>CLPSL1</i>	1.98E-10	-0.306	3.28E-09
<i>FOXH1</i>	1.92E-10	-0.306	3.20E-09
<i>CI4orf93</i>	1.81E-10	-0.306	3.02E-09
<i>ZNF703</i>	1.81E-10	-0.306	3.01E-09
<i>MAGIX</i>	1.73E-10	-0.307	2.89E-09
<i>MSH1</i>	1.71E-10	-0.307	2.86E-09
<i>EFHC1</i>	1.71E-10	-0.307	2.86E-09
<i>GLI4</i>	1.69E-10	-0.307	2.83E-09
<i>VWA2</i>	1.68E-10	-0.307	2.81E-09
<i>ABCC6P2</i>	1.66E-10	-0.307	2.79E-09
<i>GPRC5C</i>	1.57E-10	-0.307	2.64E-09
<i>WBSCR22</i>	1.50E-10	-0.308	2.53E-09
<i>PCLO</i>	1.47E-10	-0.308	2.48E-09
<i>ZC2HC1C</i>	1.45E-10	-0.308	2.44E-09
<i>TM7SF2</i>	1.44E-10	-0.308	2.44E-09
<i>CYP2B7P</i>	1.42E-10	-0.308	2.39E-09
<i>COL9A3</i>	1.36E-10	-0.308	2.31E-09
<i>FN3K</i>	1.35E-10	-0.308	2.28E-09
<i>PIGC</i>	1.33E-10	-0.309	2.26E-09
<i>TP53I13</i>	1.32E-10	-0.309	2.23E-09
<i>UFC1</i>	1.23E-10	-0.309	2.09E-09
<i>USP2</i>	1.18E-10	-0.309	2.01E-09
<i>KCNQ1OT1</i>	1.18E-10	-0.309	2.01E-09
<i>ACTL10</i>	1.13E-10	-0.310	1.93E-09
<i>MAPI0</i>	1.11E-10	-0.310	1.91E-09
<i>ATP5E</i>	1.11E-10	-0.310	1.90E-09
<i>GPATCH4</i>	1.07E-10	-0.310	1.83E-09
<i>CYP2B6</i>	1.05E-10	-0.310	1.80E-09
<i>EMC10</i>	1.00E-10	-0.310	1.72E-09
<i>LZTS3</i>	9.97E-11	-0.311	1.72E-09

<i>S100A1</i>	9.47E-11	-0.311	1.63E-09
<i>C1orf229</i>	8.74E-11	-0.311	1.51E-09
<i>COA3</i>	8.63E-11	-0.312	1.49E-09
<i>LBX2-AS1</i>	8.60E-11	-0.312	1.49E-09
<i>SCMH1</i>	8.28E-11	-0.312	1.44E-09
<i>KLHL31</i>	7.93E-11	-0.312	1.38E-09
<i>VIPR1</i>	7.77E-11	-0.312	1.35E-09
<i>RPL23</i>	7.72E-11	-0.312	1.34E-09
<i>WFDC2</i>	7.22E-11	-0.313	1.26E-09
<i>PPARGCIA</i>	7.16E-11	-0.313	1.25E-09
<i>C20orf195</i>	6.81E-11	-0.313	1.19E-09
<i>ANKS3</i>	6.59E-11	-0.313	1.16E-09
<i>USP21</i>	6.58E-11	-0.313	1.16E-09
<i>HMGCS2</i>	6.46E-11	-0.314	1.14E-09
<i>RPIA</i>	6.34E-11	-0.314	1.12E-09
<i>YAE1D1</i>	6.24E-11	-0.314	1.10E-09
<i>CDHR3</i>	6.04E-11	-0.314	1.07E-09
<i>SWI5</i>	5.79E-11	-0.314	1.03E-09
<i>MRPL55</i>	5.77E-11	-0.314	1.02E-09
<i>NIT1</i>	5.51E-11	-0.315	9.79E-10
<i>CLK2</i>	5.48E-11	-0.315	9.74E-10
<i>SHC2</i>	5.30E-11	-0.315	9.45E-10
<i>THRA</i>	5.25E-11	-0.315	9.36E-10
<i>DUSP28</i>	5.22E-11	-0.315	9.32E-10
<i>SNTA1</i>	4.69E-11	-0.316	8.40E-10
<i>RPP21</i>	4.61E-11	-0.316	8.26E-10
<i>ADPRHL1</i>	4.60E-11	-0.316	8.25E-10
<i>LOC100270746</i>	4.43E-11	-0.316	7.95E-10
<i>CAMK2N1</i>	4.43E-11	-0.316	7.96E-10
<i>SOWAHA</i>	4.05E-11	-0.317	7.32E-10
<i>CREB3L4</i>	3.86E-11	-0.317	7.01E-10
<i>RP9</i>	3.61E-11	-0.317	6.57E-10
<i>DPM3</i>	3.54E-11	-0.318	6.46E-10
<i>PHYH</i>	3.18E-11	-0.318	5.81E-10
<i>RFWD2</i>	3.09E-11	-0.318	5.65E-10
<i>MAN1B1-AS1</i>	3.07E-11	-0.319	5.62E-10
<i>CBY1</i>	3.04E-11	-0.319	5.57E-10
<i>BMP7</i>	2.96E-11	-0.319	5.44E-10
<i>LOC654342</i>	2.92E-11	-0.319	5.37E-10
<i>ZC3H13</i>	2.77E-11	-0.319	5.10E-10
<i>C1orf115</i>	2.65E-11	-0.320	4.89E-10
<i>BAIAP2-AS1</i>	2.56E-11	-0.320	4.73E-10
<i>UPF3A</i>	2.33E-11	-0.320	4.34E-10
<i>FAM3B</i>	2.25E-11	-0.321	4.21E-10
<i>ZFPM1</i>	2.16E-11	-0.321	4.04E-10
<i>FOXP4</i>	2.10E-11	-0.321	3.94E-10
<i>CA3</i>	1.84E-11	-0.322	3.47E-10
<i>SFRP5</i>	1.70E-11	-0.322	3.22E-10
<i>RGN</i>	1.70E-11	-0.322	3.22E-10
<i>TNNC2</i>	1.41E-11	-0.324	2.69E-10
<i>CAMKMT</i>	1.38E-11	-0.324	2.64E-10
<i>TRIM45</i>	1.24E-11	-0.325	2.37E-10
<i>C1orf35</i>	1.23E-11	-0.325	2.37E-10
<i>PCSK1N</i>	1.18E-11	-0.325	2.27E-10
<i>MTURN</i>	1.15E-11	-0.325	2.21E-10
<i>RAB13</i>	1.14E-11	-0.325	2.20E-10

<i>C8orf44</i>	1.10E-11	-0.325	2.13E-10
<i>SNHG11</i>	1.09E-11	-0.325	2.11E-10
<i>CCDC108</i>	1.08E-11	-0.325	2.09E-10
<i>TTC30A</i>	1.07E-11	-0.325	2.07E-10
<i>SSBP3</i>	1.07E-11	-0.325	2.07E-10
<i>H3F3A</i>	1.06E-11	-0.326	2.06E-10
<i>SLC5A9</i>	9.71E-12	-0.326	1.89E-10
<i>DRD4</i>	9.21E-12	-0.326	1.80E-10
<i>ERGIC3</i>	9.11E-12	-0.327	1.78E-10
<i>BIN1</i>	8.41E-12	-0.327	1.65E-10
<i>CAPN12</i>	7.91E-12	-0.327	1.55E-10
<i>IRF2BP2</i>	7.81E-12	-0.328	1.54E-10
<i>DUSP23</i>	7.36E-12	-0.328	1.45E-10
<i>ZNF34</i>	7.27E-12	-0.328	1.43E-10
<i>ANKRD46</i>	7.19E-12	-0.328	1.42E-10
<i>TRAPPC6A</i>	7.10E-12	-0.328	1.40E-10
<i>KRT10</i>	7.07E-12	-0.328	1.40E-10
<i>MTERF2</i>	6.65E-12	-0.329	1.32E-10
<i>MGST3</i>	6.34E-12	-0.329	1.26E-10
<i>HDAC11</i>	6.29E-12	-0.329	1.25E-10
<i>FAM69B</i>	5.94E-12	-0.329	1.19E-10
<i>OGDHL</i>	5.85E-12	-0.329	1.17E-10
<i>C11orf53</i>	5.69E-12	-0.330	1.14E-10
<i>SLC5A12</i>	5.67E-12	-0.330	1.14E-10
<i>ALGIL</i>	5.26E-12	-0.330	1.06E-10
<i>KRTCAP2</i>	4.96E-12	-0.330	1.00E-10
<i>LINC01003</i>	4.85E-12	-0.331	9.81E-11
<i>RCOR2</i>	4.61E-12	-0.331	9.35E-11
<i>SCARNA7</i>	4.41E-12	-0.331	8.95E-11
<i>CACNG4</i>	4.28E-12	-0.331	8.70E-11
<i>MST1L</i>	4.22E-12	-0.331	8.59E-11
<i>ROGDI</i>	3.84E-12	-0.332	7.83E-11
<i>AMBP</i>	3.81E-12	-0.332	7.80E-11
<i>TMEM189</i>	3.77E-12	-0.332	7.71E-11
<i>RGL2</i>	3.71E-12	-0.332	7.59E-11
<i>PPDPF</i>	3.70E-12	-0.332	7.57E-11
<i>CYHR1</i>	3.36E-12	-0.333	6.90E-11
<i>RNF5</i>	3.09E-12	-0.333	6.37E-11
<i>CHRM3</i>	2.85E-12	-0.334	5.87E-11
<i>CLDN3</i>	2.73E-12	-0.334	5.63E-11
<i>RAP1GAP</i>	2.58E-12	-0.335	5.34E-11
<i>KCNMB3</i>	2.44E-12	-0.335	5.07E-11
<i>TPPP3</i>	2.38E-12	-0.335	4.94E-11
<i>WNK2</i>	2.30E-12	-0.335	4.78E-11
<i>AS3MT</i>	2.26E-12	-0.335	4.71E-11
<i>ECHDC2</i>	2.24E-12	-0.336	4.68E-11
<i>ANAPC16</i>	2.07E-12	-0.336	4.35E-11
<i>CEBPA-AS1</i>	2.01E-12	-0.336	4.22E-11
<i>MAMSTR</i>	2.00E-12	-0.336	4.20E-11
<i>MUC20</i>	1.92E-12	-0.336	4.03E-11
<i>PIGM</i>	1.89E-12	-0.337	3.99E-11
<i>CAPS</i>	1.89E-12	-0.337	3.99E-11
<i>SLC39A4</i>	1.87E-12	-0.337	3.95E-11
<i>ISPD</i>	1.87E-12	-0.337	3.95E-11
<i>PRPF40B</i>	1.74E-12	-0.337	3.69E-11
<i>FAM47E</i>	1.63E-12	-0.337	3.47E-11

<i>MMAB</i>	1.61E-12	-0.338	3.42E-11
<i>PLEKHB1</i>	1.58E-12	-0.338	3.36E-11
<i>MTA3</i>	1.57E-12	-0.338	3.35E-11
<i>DLG5-AS1</i>	1.45E-12	-0.338	3.10E-11
<i>TMEM117</i>	1.37E-12	-0.339	2.94E-11
<i>FMO5</i>	1.20E-12	-0.339	2.57E-11
<i>NCK2</i>	1.17E-12	-0.340	2.52E-11
<i>TSTD1</i>	1.13E-12	-0.340	2.43E-11
<i>HES1</i>	1.07E-12	-0.340	2.31E-11
<i>KLC4</i>	9.09E-13	-0.341	1.98E-11
<i>C2orf81</i>	8.54E-13	-0.342	1.86E-11
<i>MMP24</i>	7.08E-13	-0.343	1.55E-11
<i>ENSA</i>	6.77E-13	-0.343	1.49E-11
<i>PNMT</i>	6.41E-13	-0.343	1.41E-11
<i>C2orf68</i>	5.54E-13	-0.344	1.23E-11
<i>NHLRC1</i>	5.21E-13	-0.345	1.16E-11
<i>ZNF252P-AS1</i>	4.61E-13	-0.345	1.03E-11
<i>CKB</i>	3.26E-13	-0.347	7.37E-12
<i>SLC29A4</i>	3.15E-13	-0.348	7.13E-12
<i>F10</i>	3.11E-13	-0.348	7.04E-12
<i>MSRB2</i>	3.11E-13	-0.348	7.04E-12
<i>KCNK15</i>	2.49E-13	-0.349	5.68E-12
<i>SGSM1</i>	2.43E-13	-0.349	5.53E-12
<i>SMDT1</i>	2.25E-13	-0.350	5.14E-12
<i>C11orf49</i>	1.35E-13	-0.353	3.14E-12
<i>NOL3</i>	1.12E-13	-0.354	2.62E-12
<i>ARHGAP5-AS1</i>	1.06E-13	-0.354	2.48E-12
<i>TCEA3</i>	1.01E-13	-0.354	2.38E-12
<i>TRMT61A</i>	8.51E-14	-0.355	2.01E-12
<i>LINC00910</i>	6.62E-14	-0.357	1.58E-12
<i>PMVK</i>	5.28E-14	-0.358	1.27E-12
<i>ERICH5</i>	4.77E-14	-0.359	1.15E-12
<i>AQP7</i>	3.83E-14	-0.360	9.31E-13
<i>PIGZ</i>	3.46E-14	-0.361	8.42E-13
<i>LOC389332</i>	3.17E-14	-0.361	7.76E-13
<i>MLLT4-AS1</i>	3.11E-14	-0.361	7.62E-13
<i>CXXC4</i>	2.50E-14	-0.362	6.17E-13
<i>PIFO</i>	2.21E-14	-0.363	5.46E-13
<i>NECAB3</i>	2.20E-14	-0.363	5.46E-13
<i>INPP5A</i>	2.05E-14	-0.364	5.08E-13
<i>MPC2</i>	1.95E-14	-0.364	4.86E-13
<i>SMIM24</i>	1.65E-14	-0.365	4.13E-13
<i>ABCB6</i>	9.21E-15	-0.368	2.35E-13
<i>SFT2D3</i>	6.12E-15	-0.370	1.58E-13
<i>LRRC75B</i>	6.07E-15	-0.370	1.57E-13
<i>PXMP4</i>	5.69E-15	-0.371	1.48E-13
<i>TMEM9</i>	4.05E-15	-0.373	1.06E-13
<i>SLC41A3</i>	3.56E-15	-0.373	9.38E-14
<i>ZNF444</i>	3.47E-15	-0.374	9.14E-14
<i>C2orf70</i>	2.46E-15	-0.375	6.51E-14
<i>ADCK3</i>	1.97E-15	-0.377	5.26E-14
<i>MORC2-AS1</i>	1.90E-15	-0.377	5.07E-14
<i>MRPL24</i>	1.56E-15	-0.378	4.20E-14
<i>SLC39A5</i>	1.51E-15	-0.378	4.08E-14
<i>HSD11B1L</i>	1.49E-15	-0.378	4.01E-14
<i>FAM134B</i>	1.26E-15	-0.379	3.40E-14

<i>PRAP1</i>	1.19E-15	-0.379	3.23E-14
<i>SPHAR</i>	8.79E-16	-0.381	2.40E-14
<i>TM4SF5</i>	6.51E-16	-0.383	1.79E-14
<i>RAB4A</i>	6.47E-16	-0.383	1.78E-14
<i>ACSSI</i>	4.13E-16	-0.385	1.15E-14
<i>FLJ37453</i>	3.61E-16	-0.386	1.01E-14
<i>TLL2</i>	3.09E-16	-0.387	8.65E-15
<i>RRNAD1</i>	2.95E-16	-0.387	8.29E-15
<i>KIF12</i>	1.50E-16	-0.390	4.27E-15
<i>SUGTIP3</i>	1.35E-16	-0.391	3.86E-15
<i>PROC</i>	1.11E-16	-0.392	3.19E-15
<i>CCDC24</i>	6.17E-18	-0.406	1.92E-16
<i>C1orf56</i>	3.79E-18	-0.409	1.20E-16
<i>GSTA4</i>	2.46E-18	-0.411	7.89E-17

ACRG

Gene symbol	<i>p</i> -value	PCC	FDR
<i>GBP5</i>	1.51E-69	0.805	1.46E-66
<i>IDO1</i>	3.39E-66	0.793	2.58E-63
<i>GZMB</i>	2.94E-63	0.782	2.08E-60
<i>GBP1</i>	2.16E-59	0.767	1.23E-56
<i>WARS</i>	2.07E-54	0.745	9.61E-52
<i>IFNG</i>	2.27E-54	0.745	1.05E-51
<i>CD80</i>	1.19E-52	0.737	4.94E-50
<i>IL2RA</i>	7.66E-51	0.728	2.95E-48
<i>PLEK</i>	1.67E-49	0.722	6.04E-47
<i>KLRD1</i>	2.15E-49	0.721	7.68E-47
<i>LILRB1</i>	1.07E-48	0.717	3.65E-46
<i>CD300A</i>	4.87E-48	0.714	1.59E-45
<i>LCP2</i>	7.91E-48	0.713	2.57E-45
<i>GNLY</i>	2.55E-47	0.710	7.96E-45
<i>SLAMF8</i>	3.83E-47	0.709	1.17E-44
<i>PRF1</i>	5.08E-47	0.708	1.53E-44
<i>GBP4</i>	7.86E-47	0.707	2.33E-44
<i>STX11</i>	1.16E-46	0.707	3.39E-44
<i>TYMP</i>	3.82E-46	0.704	1.08E-43
<i>CLEC7A</i>	4.06E-46	0.704	1.15E-43
<i>TLR8</i>	7.46E-45	0.696	2.01E-42
<i>LOC101928173</i>	8.25E-45	0.696	2.20E-42
<i>CCL4</i>	9.01E-45	0.696	2.40E-42
<i>CCR1</i>	1.31E-44	0.695	3.47E-42
<i>CD86</i>	1.85E-43	0.688	4.49E-41
<i>HAVCR2</i>	1.97E-43	0.688	4.74E-41
<i>CLEC4E</i>	3.98E-43	0.686	9.44E-41
<i>ICAM1</i>	1.08E-42	0.684	2.51E-40
<i>CYBB</i>	1.26E-42	0.683	2.92E-40
<i>LCPI</i>	1.88E-42	0.682	4.32E-40
<i>BCL2A1</i>	2.78E-42	0.681	6.31E-40
<i>FCGR2C</i>	3.58E-42	0.681	8.08E-40
<i>SAMSN1</i>	5.51E-41	0.673	1.17E-38
<i>FCER1G</i>	7.43E-41	0.673	1.57E-38
<i>FCGR1A</i>	9.24E-41	0.672	1.95E-38
<i>PDCD1LG2</i>	1.06E-40	0.672	2.22E-38
<i>CXCL10</i>	1.34E-40	0.671	2.81E-38
<i>LAMP3</i>	2.69E-40	0.669	5.55E-38
<i>ADGRE2</i>	2.87E-40	0.669	5.88E-38

<i>CLEC4A</i>	4.08E-40	0.668	8.28E-38
<i>IFIH1</i>	7.18E-40	0.666	1.42E-37
<i>LILRB3</i>	1.02E-39	0.665	2.00E-37
<i>JAK2</i>	1.09E-39	0.665	2.14E-37
<i>LAP3</i>	1.47E-39	0.664	2.84E-37
<i>HK3</i>	1.89E-39	0.664	3.62E-37
<i>STAT1</i>	2.53E-39	0.663	4.76E-37
<i>IRF1</i>	2.79E-39	0.663	5.23E-37
<i>FCGR2A</i>	2.89E-39	0.662	5.40E-37
<i>LILRB4</i>	3.54E-39	0.662	6.55E-37
<i>TAP1</i>	4.47E-39	0.661	8.20E-37
<i>AIM2</i>	5.07E-39	0.661	9.25E-37
<i>NKG7</i>	1.03E-38	0.659	1.86E-36
<i>FCGR1B</i>	2.06E-38	0.657	3.61E-36
<i>TNFSF13B</i>	2.72E-38	0.656	4.68E-36
<i>NCF2</i>	2.96E-38	0.656	5.07E-36
<i>RNF19B</i>	3.29E-38	0.655	5.62E-36
<i>TAP2</i>	5.02E-38	0.654	8.50E-36
<i>FAM26F</i>	5.52E-38	0.654	9.33E-36
<i>FCGR1C</i>	6.27E-38	0.654	1.05E-35
<i>SLA</i>	1.13E-37	0.652	1.86E-35
<i>TAGAP</i>	1.18E-37	0.652	1.94E-35
<i>UBE2L6</i>	1.34E-37	0.651	2.19E-35
<i>LAPTM5</i>	1.62E-37	0.651	2.64E-35
<i>LAIR1</i>	2.23E-37	0.650	3.62E-35
<i>IL4I1</i>	2.67E-37	0.649	4.31E-35
<i>PILRA</i>	3.64E-37	0.648	5.77E-35
<i>IL18RAP</i>	4.23E-37	0.648	6.65E-35
<i>FCGR3B</i>	7.56E-37	0.646	1.17E-34
<i>SRGN</i>	8.49E-37	0.646	1.31E-34
<i>CXCL9</i>	8.66E-37	0.646	1.33E-34
<i>FYB</i>	8.89E-37	0.646	1.37E-34
<i>HAPLN3</i>	1.08E-36	0.645	1.64E-34
<i>LAG3</i>	2.83E-36	0.642	4.19E-34
<i>SLC31A2</i>	4.14E-36	0.641	6.09E-34
<i>SNX10</i>	4.96E-36	0.640	7.26E-34
<i>IGSF6</i>	5.50E-36	0.640	8.04E-34
<i>CD53</i>	1.45E-35	0.637	2.07E-33
<i>GZMH</i>	1.45E-35	0.637	2.07E-33
<i>CD300LF</i>	1.69E-35	0.637	2.38E-33
<i>XRN1</i>	1.80E-35	0.636	2.53E-33
<i>HCK</i>	3.27E-35	0.635	4.53E-33
<i>TNFRSF9</i>	3.62E-35	0.634	5.00E-33
<i>IL2RB</i>	3.63E-35	0.634	5.00E-33
<i>OSCAR</i>	4.98E-35	0.633	6.82E-33
<i>PTPRC</i>	5.81E-35	0.633	7.94E-33
<i>APOBEC3G</i>	7.62E-35	0.632	1.03E-32
<i>ICOS</i>	1.42E-34	0.630	1.91E-32
<i>TLR4</i>	1.63E-34	0.629	2.16E-32
<i>LOC101928789</i>	2.42E-34	0.628	3.18E-32
<i>SPI40</i>	2.42E-34	0.628	3.18E-32
<i>PSMB9</i>	2.51E-34	0.628	3.29E-32
<i>IFIT3</i>	3.07E-34	0.627	4.00E-32
<i>ITGB2</i>	3.61E-34	0.627	4.68E-32
<i>LILRB2</i>	3.71E-34	0.627	4.80E-32
<i>ARHGAP9</i>	6.16E-34	0.625	7.85E-32

<i>CD38</i>	1.19E-33	0.623	1.50E-31
<i>SAMD9L</i>	1.30E-33	0.623	1.63E-31
<i>FCGR3A</i>	1.48E-33	0.622	1.85E-31
<i>CCL18</i>	1.78E-33	0.622	2.20E-31
<i>FPR3</i>	1.81E-33	0.622	2.22E-31
<i>GPR65</i>	2.02E-33	0.621	2.47E-31
<i>APOBEC3F</i>	2.45E-33	0.621	2.97E-31
<i>CXCL11</i>	2.69E-33	0.620	3.25E-31
<i>ALOX5AP</i>	4.55E-33	0.619	5.42E-31
<i>SIGLEC10</i>	5.61E-33	0.618	6.62E-31
<i>ST8SIA4</i>	7.29E-33	0.617	8.50E-31
<i>GPR84</i>	8.58E-33	0.616	9.95E-31
<i>IFI30</i>	9.32E-33	0.616	1.08E-30
<i>TNFAIP6</i>	1.02E-32	0.616	1.18E-30
<i>CLEC2D</i>	1.04E-32	0.616	1.20E-30
<i>CSF2RB</i>	1.30E-32	0.615	1.49E-30
<i>CD84</i>	1.32E-32	0.615	1.51E-30
<i>CD163</i>	1.42E-32	0.615	1.63E-30
<i>FGR</i>	1.54E-32	0.615	1.76E-30
<i>TARP</i>	1.60E-32	0.614	1.82E-30
<i>NCF1B</i>	1.75E-32	0.614	1.98E-30
<i>NCF1C</i>	1.75E-32	0.614	1.98E-30
<i>GBP1P1</i>	1.76E-32	0.614	1.99E-30
<i>PTPN22</i>	2.37E-32	0.613	2.65E-30
<i>SYTL3</i>	2.55E-32	0.613	2.83E-30
<i>KMO</i>	3.01E-32	0.612	3.34E-30
<i>HCST</i>	3.40E-32	0.612	3.76E-30
<i>HCAR3</i>	4.44E-32	0.611	4.86E-30
<i>PLA2G7</i>	5.04E-32	0.610	5.50E-30
<i>NCF1</i>	6.99E-32	0.609	7.57E-30
<i>TRGC2</i>	7.35E-32	0.609	7.93E-30
<i>TRGV9</i>	7.35E-32	0.609	7.92E-30
<i>CTSL</i>	7.67E-32	0.609	8.24E-30
<i>LOC100129518</i>	1.36E-31	0.607	1.44E-29
<i>FASLG</i>	1.46E-31	0.607	1.54E-29
<i>ITGAX</i>	1.51E-31	0.607	1.59E-29
<i>BIN2</i>	2.09E-31	0.606	2.18E-29
<i>FPR2</i>	2.21E-31	0.605	2.31E-29
<i>TBX21</i>	2.85E-31	0.604	2.96E-29
<i>SOD2</i>	4.14E-31	0.603	4.20E-29
<i>PIK3R5</i>	4.30E-31	0.603	4.35E-29
<i>CD96</i>	4.53E-31	0.603	4.57E-29
<i>STK17B</i>	4.86E-31	0.603	4.88E-29
<i>NLRC5</i>	4.97E-31	0.603	4.99E-29
<i>IL21R</i>	6.63E-31	0.601	6.57E-29
<i>TLR2</i>	6.67E-31	0.601	6.60E-29
<i>MIR155HG</i>	8.87E-31	0.600	8.70E-29
<i>MIR155</i>	8.87E-31	0.600	8.69E-29
<i>YME1L1</i>	9.62E-31	0.600	9.42E-29
<i>AQP9</i>	9.63E-31	0.600	9.41E-29
<i>THEMIS2</i>	1.01E-30	0.600	9.87E-29
<i>ZBP1</i>	2.54E-30	0.597	2.42E-28
<i>WIPF1</i>	3.41E-30	0.596	3.24E-28
<i>CCL3L3</i>	3.57E-30	0.595	3.38E-28
<i>CCL3</i>	3.57E-30	0.595	3.37E-28
<i>CCL3L1</i>	3.57E-30	0.595	3.37E-28

<i>CTSC</i>	3.76E-30	0.595	3.55E-28
<i>ZBED2</i>	3.80E-30	0.595	3.58E-28
<i>FPR1</i>	4.13E-30	0.595	3.87E-28
<i>CD226</i>	4.90E-30	0.594	4.58E-28
<i>PARP9</i>	7.17E-30	0.593	6.63E-28
<i>SP110</i>	7.94E-30	0.593	7.32E-28
<i>CCL5</i>	8.85E-30	0.592	8.15E-28
<i>DOK3</i>	1.43E-29	0.590	1.31E-27
<i>TLR1</i>	1.45E-29	0.590	1.33E-27
<i>SLC15A3</i>	1.50E-29	0.590	1.36E-27
<i>PDE4B</i>	1.55E-29	0.590	1.40E-27
<i>CD69</i>	1.56E-29	0.590	1.41E-27
<i>CCL8</i>	1.57E-29	0.590	1.42E-27
<i>SNX20</i>	1.79E-29	0.590	1.62E-27
<i>TIGIT</i>	2.14E-29	0.589	1.93E-27
<i>SH2D1A</i>	2.62E-29	0.588	2.35E-27
<i>CMKLR1</i>	2.72E-29	0.588	2.44E-27
<i>RAC2</i>	2.90E-29	0.588	2.60E-27
<i>STAT2</i>	2.95E-29	0.588	2.64E-27
<i>ETS1</i>	4.24E-29	0.586	3.79E-27
<i>STAT4</i>	4.27E-29	0.586	3.80E-27
<i>GCH1</i>	5.16E-29	0.586	4.55E-27
<i>IFIT2</i>	5.45E-29	0.585	4.79E-27
<i>RIC1</i>	6.01E-29	0.585	5.27E-27
<i>KLRC1</i>	6.09E-29	0.585	5.33E-27
<i>KLRC2</i>	6.09E-29	0.585	5.32E-27
<i>IGFLR1</i>	6.36E-29	0.585	5.55E-27
<i>GZMA</i>	7.68E-29	0.584	6.68E-27
<i>PML</i>	1.32E-28	0.582	1.14E-26
<i>RNF213</i>	1.49E-28	0.582	1.28E-26
<i>SERPINB9</i>	1.52E-28	0.582	1.30E-26
<i>RHOH</i>	2.42E-28	0.580	2.05E-26
<i>CLEC4D</i>	2.92E-28	0.579	2.47E-26
<i>TYROBP</i>	3.32E-28	0.579	2.79E-26
<i>MNDA</i>	3.35E-28	0.579	2.81E-26
<i>PLAUR</i>	3.85E-28	0.578	3.22E-26
<i>DOCK8</i>	4.76E-28	0.577	3.98E-26
<i>TREM1</i>	5.93E-28	0.576	4.95E-26
<i>HPSE</i>	6.14E-28	0.576	5.12E-26
<i>CRTAM</i>	6.29E-28	0.576	5.24E-26
<i>SLC16A6</i>	6.76E-28	0.576	5.62E-26
<i>IL12RB1</i>	7.24E-28	0.576	6.01E-26
<i>CTSLP8</i>	7.61E-28	0.575	6.31E-26
<i>B2M</i>	9.34E-28	0.575	7.71E-26
<i>SLAMF7</i>	1.03E-27	0.574	8.47E-26
<i>CFLAR</i>	1.26E-27	0.573	1.04E-25
<i>NAMPT</i>	1.37E-27	0.573	1.12E-25
<i>APOL6</i>	1.38E-27	0.573	1.13E-25
<i>MIR7703</i>	1.62E-27	0.572	1.32E-25
<i>PSME2</i>	1.62E-27	0.572	1.31E-25
<i>USP30-AS1</i>	1.99E-27	0.572	1.61E-25
<i>SLAMF1</i>	2.09E-27	0.571	1.68E-25
<i>TFEC</i>	2.09E-27	0.571	1.68E-25
<i>IL15RA</i>	2.54E-27	0.571	2.03E-25
<i>CXCR6</i>	2.58E-27	0.571	2.06E-25
<i>SELL</i>	2.67E-27	0.571	2.13E-25

<i>PMAIP1</i>	3.73E-27	0.569	2.96E-25
<i>NLRC4</i>	4.42E-27	0.569	3.48E-25
<i>SIGLEC7</i>	4.43E-27	0.568	3.49E-25
<i>GPR171</i>	4.60E-27	0.568	3.61E-25
<i>CIQB</i>	5.01E-27	0.568	3.92E-25
<i>ACP5</i>	5.01E-27	0.568	3.92E-25
<i>LST1</i>	5.24E-27	0.568	4.08E-25
<i>VAV1</i>	5.31E-27	0.568	4.13E-25
<i>IL18BP</i>	5.42E-27	0.568	4.21E-25
<i>EPST11</i>	6.23E-27	0.567	4.82E-25
<i>BTN2A2</i>	7.13E-27	0.567	5.51E-25
<i>C3AR1</i>	7.82E-27	0.566	6.03E-25
<i>P2RY13</i>	7.88E-27	0.566	6.07E-25
<i>TMEM140</i>	8.66E-27	0.566	6.65E-25
<i>CCR5</i>	1.06E-26	0.565	8.12E-25
<i>CXCL13</i>	1.09E-26	0.565	8.32E-25
<i>PTAFR</i>	1.18E-26	0.565	9.04E-25
<i>NMI</i>	1.48E-26	0.564	1.12E-24
<i>GBP2</i>	1.68E-26	0.563	1.26E-24
<i>ETV7</i>	1.88E-26	0.563	1.41E-24
<i>CLEC12A</i>	2.49E-26	0.562	1.86E-24
<i>ITGAL</i>	2.98E-26	0.561	2.21E-24
<i>ATP6V1B2</i>	3.02E-26	0.561	2.23E-24
<i>CTLA4</i>	5.25E-26	0.559	3.87E-24
<i>SLC2A14</i>	5.62E-26	0.558	4.13E-24
<i>SLA2</i>	6.32E-26	0.558	4.61E-24
<i>RGL4</i>	8.40E-26	0.557	6.07E-24
<i>TNFAIP3</i>	8.42E-26	0.557	6.08E-24
<i>CORO1A</i>	1.02E-25	0.556	7.34E-24
<i>BATF2</i>	1.05E-25	0.556	7.54E-24
<i>CD3G</i>	1.10E-25	0.555	7.87E-24
<i>KLRC3</i>	1.27E-25	0.555	9.03E-24
<i>MMP9</i>	1.46E-25	0.554	1.03E-23
<i>PLAU</i>	2.08E-25	0.553	1.46E-23
<i>LACTB</i>	2.21E-25	0.553	1.55E-23
<i>SLC2A3</i>	2.24E-25	0.553	1.56E-23
<i>KLHL6</i>	2.24E-25	0.552	1.57E-23
<i>CARD16</i>	2.36E-25	0.552	1.64E-23
<i>SIRPG</i>	2.49E-25	0.552	1.73E-23
<i>APOL3</i>	2.89E-25	0.551	2.01E-23
<i>SIGLEC9</i>	3.18E-25	0.551	2.21E-23
<i>TRAFD1</i>	4.38E-25	0.550	3.01E-23
<i>CSF3R</i>	4.50E-25	0.550	3.09E-23
<i>ARHGAP30</i>	4.64E-25	0.549	3.18E-23
<i>NCF4</i>	5.37E-25	0.549	3.67E-23
<i>SCARF1</i>	5.55E-25	0.549	3.78E-23
<i>G0S2</i>	6.64E-25	0.548	4.51E-23
<i>CIQA</i>	8.53E-25	0.547	5.74E-23
<i>RIPK2</i>	1.03E-24	0.546	6.88E-23
<i>PRDM1</i>	1.16E-24	0.546	7.76E-23
<i>HCLS1</i>	1.36E-24	0.545	9.06E-23
<i>TIFA</i>	1.57E-24	0.544	1.04E-22
<i>JAK3</i>	1.64E-24	0.544	1.09E-22
<i>NPL</i>	1.70E-24	0.544	1.13E-22
<i>MYO1G</i>	1.88E-24	0.543	1.24E-22
<i>RARRES3</i>	1.92E-24	0.543	1.26E-22

<i>LILRA5</i>	1.97E-24	0.543	1.30E-22
<i>CIQC</i>	2.39E-24	0.542	1.56E-22
<i>RHBDF2</i>	2.81E-24	0.542	1.83E-22
<i>C5AR1</i>	2.86E-24	0.542	1.86E-22
<i>NFAM1</i>	3.16E-24	0.541	2.04E-22
<i>EVI2B</i>	3.37E-24	0.541	2.17E-22
<i>CD48</i>	3.43E-24	0.541	2.21E-22
<i>GRIN3A</i>	3.61E-24	0.541	2.33E-22
<i>DOCK2</i>	3.65E-24	0.541	2.35E-22
<i>CSF2RA</i>	3.81E-24	0.540	2.45E-22
<i>SIGLEC5</i>	4.01E-24	0.540	2.56E-22
<i>OAS2</i>	4.20E-24	0.540	2.68E-22
<i>KLRC4</i>	5.53E-24	0.539	3.52E-22
<i>IFITM2</i>	5.57E-24	0.539	3.54E-22
<i>TRDV2</i>	6.20E-24	0.538	3.93E-22
<i>TRAV20</i>	6.20E-24	0.538	3.93E-22
<i>TRAJI7</i>	6.20E-24	0.538	3.92E-22
<i>GM2A</i>	6.70E-24	0.538	4.24E-22
<i>APOBEC3A_B</i>	6.76E-24	0.538	4.27E-22
<i>APOBEC3A</i>	6.76E-24	0.538	4.27E-22
<i>P2RX7</i>	7.64E-24	0.537	4.81E-22
<i>TRDV3</i>	8.65E-24	0.537	5.43E-22
<i>CD14</i>	9.89E-24	0.536	6.19E-22
<i>MYO1F</i>	1.09E-23	0.536	6.81E-22
<i>TRIM22</i>	1.19E-23	0.535	7.41E-22
<i>AIFI</i>	1.39E-23	0.535	8.58E-22
<i>VECCIL-ADORA2</i>	1.41E-23	0.535	8.73E-22
<i>ADORA2A</i>	1.41E-23	0.535	8.73E-22
<i>IFI16</i>	1.55E-23	0.534	9.55E-22
<i>PARP14</i>	1.57E-23	0.534	9.69E-22
<i>ZNF683</i>	1.88E-23	0.533	1.15E-21
<i>CST7</i>	1.98E-23	0.533	1.21E-21
<i>DOK2</i>	2.31E-23	0.532	1.41E-21
<i>HS3ST3B1</i>	2.43E-23	0.532	1.47E-21
<i>GMFG</i>	2.59E-23	0.532	1.57E-21
<i>ITGAM</i>	2.64E-23	0.532	1.59E-21
<i>LINC01094</i>	2.90E-23	0.531	1.75E-21
<i>RAB33A</i>	3.06E-23	0.531	1.84E-21
<i>KIR2DL4</i>	3.27E-23	0.531	1.96E-21
<i>UBD</i>	3.81E-23	0.530	2.28E-21
<i>SH2B3</i>	3.90E-23	0.530	2.33E-21
<i>PSME1</i>	4.01E-23	0.530	2.39E-21
<i>SAMHD1</i>	4.24E-23	0.530	2.52E-21
<i>IKZF1</i>	5.44E-23	0.529	3.22E-21
<i>TRAC</i>	5.69E-23	0.528	3.36E-21
<i>IFITM1</i>	5.95E-23	0.528	3.51E-21
<i>CD8A</i>	6.38E-23	0.528	3.75E-21
<i>TRAF1</i>	8.89E-23	0.526	5.17E-21
<i>HSPA6</i>	9.92E-23	0.526	5.75E-21
<i>CXCL8</i>	1.00E-22	0.526	5.82E-21
<i>CD247</i>	1.17E-22	0.525	6.75E-21
<i>DAPPI</i>	1.18E-22	0.525	6.84E-21
<i>DDX58</i>	1.44E-22	0.524	8.29E-21
<i>LAT2</i>	1.45E-22	0.524	8.34E-21
<i>HLA-DMB</i>	1.83E-22	0.523	1.05E-20
<i>MICB</i>	1.86E-22	0.523	1.06E-20

<i>TRIM69</i>	2.05E-22	0.522	1.17E-20
<i>ADAMDEC1</i>	2.15E-22	0.522	1.23E-20
<i>CHST11</i>	2.30E-22	0.522	1.31E-20
<i>PYHIN1</i>	3.07E-22	0.521	1.74E-20
<i>TNFAIP2</i>	3.39E-22	0.520	1.91E-20
<i>CYTH4</i>	3.53E-22	0.520	1.99E-20
<i>UBE2D1</i>	4.39E-22	0.519	2.46E-20
<i>NINJI</i>	4.80E-22	0.519	2.68E-20
<i>ARHGAP25</i>	5.04E-22	0.518	2.81E-20
<i>IL10RA</i>	5.07E-22	0.518	2.82E-20
<i>CXCR2</i>	5.31E-22	0.518	2.95E-20
<i>BIRC3</i>	5.39E-22	0.518	2.99E-20
<i>PARVG</i>	5.46E-22	0.518	3.02E-20
<i>OSM</i>	6.00E-22	0.517	3.32E-20
<i>SAT1</i>	6.26E-22	0.517	3.46E-20
<i>XAF1</i>	6.46E-22	0.517	3.57E-20
<i>LOC285957</i>	7.57E-22	0.516	4.15E-20
<i>PSMB10</i>	7.63E-22	0.516	4.19E-20
<i>C1orf162</i>	9.02E-22	0.516	4.92E-20
<i>AOAH</i>	1.06E-21	0.515	5.77E-20
<i>GIMAP4</i>	1.08E-21	0.515	5.87E-20
<i>SASH3</i>	1.09E-21	0.515	5.89E-20
<i>LILRA2</i>	1.12E-21	0.515	6.05E-20
<i>KIR3DL2</i>	1.16E-21	0.514	6.29E-20
<i>DSE</i>	1.34E-21	0.514	7.24E-20
<i>LILRA6</i>	1.38E-21	0.514	7.46E-20
<i>CD3D</i>	1.61E-21	0.513	8.68E-20
<i>DRAM1</i>	1.74E-21	0.512	9.37E-20
<i>KIR3DL1</i>	1.76E-21	0.512	9.45E-20
<i>DPYD</i>	1.76E-21	0.512	9.45E-20
<i>HPS5</i>	1.92E-21	0.512	1.03E-19
<i>MALT1</i>	1.97E-21	0.512	1.05E-19
<i>CD83</i>	2.06E-21	0.512	1.10E-19
<i>ITK</i>	2.37E-21	0.511	1.25E-19
<i>FAM78A</i>	2.50E-21	0.511	1.32E-19
<i>SLC1A3</i>	2.52E-21	0.511	1.33E-19
<i>GVINP1</i>	2.52E-21	0.511	1.33E-19
<i>IFI35</i>	2.57E-21	0.511	1.36E-19
<i>JAKMIP1</i>	2.76E-21	0.510	1.45E-19
<i>IL15</i>	3.07E-21	0.510	1.61E-19
<i>PROK2</i>	3.25E-21	0.509	1.70E-19
<i>CD72</i>	3.50E-21	0.509	1.82E-19
<i>PPP3CC</i>	3.83E-21	0.509	1.99E-19
<i>KLRC4-KLRK1</i>	3.96E-21	0.508	2.06E-19
<i>KLRK1</i>	3.96E-21	0.508	2.05E-19
<i>EVI2A</i>	4.19E-21	0.508	2.17E-19
<i>THEMIS</i>	4.96E-21	0.507	2.56E-19
<i>CD244</i>	5.26E-21	0.507	2.71E-19
<i>LYSMD2</i>	5.64E-21	0.507	2.89E-19
<i>CD74</i>	5.67E-21	0.507	2.90E-19
<i>LYN</i>	6.43E-21	0.506	3.29E-19
<i>NFKB1</i>	7.22E-21	0.506	3.67E-19
<i>RSAD2</i>	7.44E-21	0.505	3.77E-19
<i>LOC101928634</i>	8.04E-21	0.505	4.07E-19
<i>ZNF267</i>	8.81E-21	0.505	4.45E-19
<i>RILPL2</i>	9.42E-21	0.504	4.74E-19

<i>RASSF5</i>	1.05E-20	0.504	5.25E-19
<i>CASPI</i>	1.06E-20	0.504	5.32E-19
<i>DOCK10</i>	1.13E-20	0.503	5.64E-19
<i>SECTM1</i>	1.22E-20	0.503	6.07E-19
<i>HLA-DRA</i>	1.23E-20	0.503	6.11E-19
<i>N4BP1</i>	1.24E-20	0.503	6.16E-19
<i>FCGR2B</i>	1.38E-20	0.502	6.83E-19
<i>PPP1R18</i>	1.53E-20	0.502	7.57E-19
<i>SI00A8</i>	1.59E-20	0.502	7.86E-19
<i>FKBP15</i>	1.86E-20	0.501	9.16E-19
<i>NOD2</i>	1.87E-20	0.501	9.19E-19
<i>PRKCH</i>	2.09E-20	0.500	1.03E-18
<i>OLR1</i>	2.27E-20	0.500	1.11E-18
<i>CD2</i>	2.28E-20	0.500	1.11E-18
<i>C9orf72</i>	2.94E-20	0.499	1.43E-18
<i>MMP12</i>	3.06E-20	0.498	1.49E-18
<i>RAB8B</i>	3.18E-20	0.498	1.54E-18
<i>MCEMP1</i>	4.06E-20	0.497	1.96E-18
<i>CYTIP</i>	4.55E-20	0.496	2.19E-18
<i>TRG-AS1</i>	4.63E-20	0.496	2.23E-18
<i>APOL2</i>	5.08E-20	0.496	2.44E-18
<i>RGS18</i>	5.13E-20	0.496	2.46E-18
<i>IL10RB-AS1</i>	5.26E-20	0.496	2.52E-18
<i>NCKAP1L</i>	5.58E-20	0.495	2.67E-18
<i>SOCS1</i>	5.61E-20	0.495	2.68E-18
<i>NLRP3</i>	5.73E-20	0.495	2.73E-18
<i>APOBR</i>	6.03E-20	0.495	2.87E-18
<i>MS4A4A</i>	6.11E-20	0.495	2.91E-18
<i>SPI00</i>	7.11E-20	0.494	3.37E-18
<i>PREX1</i>	7.56E-20	0.494	3.58E-18
<i>BATF3</i>	7.98E-20	0.494	3.78E-18
<i>SEC14L1</i>	8.07E-20	0.493	3.81E-18
<i>I-Mar</i>	8.15E-20	0.493	3.85E-18
<i>LY96</i>	1.29E-19	0.491	6.02E-18
<i>CDC42SE2</i>	1.44E-19	0.491	6.73E-18
<i>NLRC3</i>	1.49E-19	0.490	6.98E-18
<i>PTPN7</i>	1.53E-19	0.490	7.15E-18
<i>SIGLEC1</i>	1.58E-19	0.490	7.37E-18
<i>ITGB7</i>	1.84E-19	0.489	8.53E-18
<i>ITGA4</i>	1.88E-19	0.489	8.71E-18
<i>HLA-F</i>	1.88E-19	0.489	8.71E-18
<i>IL1RN</i>	1.89E-19	0.489	8.74E-18
<i>TNFRSF1B</i>	2.01E-19	0.489	9.27E-18
<i>CCR8</i>	2.03E-19	0.489	9.37E-18
<i>APOL1</i>	2.65E-19	0.487	1.22E-17
<i>ISG20</i>	2.67E-19	0.487	1.22E-17
<i>CASP4</i>	2.67E-19	0.487	1.22E-17
<i>TAPBP</i>	2.71E-19	0.487	1.24E-17
<i>TNFSF8</i>	2.74E-19	0.487	1.25E-17
<i>GNGT2</i>	2.90E-19	0.487	1.32E-17
<i>HLA-DOA</i>	3.08E-19	0.487	1.41E-17
<i>HLA-E</i>	3.16E-19	0.486	1.44E-17
<i>NIN</i>	3.21E-19	0.486	1.46E-17
<i>ARHGDB</i>	3.30E-19	0.486	1.50E-17
<i>GFII</i>	3.51E-19	0.486	1.59E-17
<i>PLSCR1</i>	3.54E-19	0.486	1.61E-17

<i>VAMP5</i>	3.59E-19	0.486	1.63E-17
<i>FFAR2</i>	4.12E-19	0.485	1.86E-17
<i>PSMB8</i>	4.42E-19	0.485	1.99E-17
<i>IL1B</i>	4.94E-19	0.484	2.22E-17
<i>PIK3CD</i>	5.33E-19	0.484	2.39E-17
<i>ADM</i>	5.45E-19	0.484	2.44E-17
<i>SOCS3</i>	6.15E-19	0.483	2.75E-17
<i>SLC2A5</i>	6.33E-19	0.483	2.82E-17
<i>SLFN5</i>	8.03E-19	0.482	3.56E-17
<i>HLA-DPA1</i>	8.27E-19	0.481	3.67E-17
<i>MPEG1</i>	8.51E-19	0.481	3.77E-17
<i>HSH2D</i>	9.07E-19	0.481	4.00E-17
<i>KLHDC7B</i>	9.19E-19	0.481	4.04E-17
<i>MRC1</i>	9.34E-19	0.481	4.11E-17
<i>STK10</i>	9.43E-19	0.481	4.14E-17
<i>LOC101926963</i>	9.78E-19	0.481	4.30E-17
<i>SAMD3</i>	9.80E-19	0.481	4.30E-17
<i>FAS</i>	1.20E-18	0.479	5.23E-17
<i>TNFAIP8L2</i>	1.21E-18	0.479	5.28E-17
<i>TRIM21</i>	1.42E-18	0.479	6.19E-17
<i>TANK</i>	1.43E-18	0.478	6.22E-17
<i>CLEC2B</i>	1.45E-18	0.478	6.30E-17
<i>HLA-DQA2</i>	1.60E-18	0.478	6.92E-17
<i>CRLF3</i>	1.63E-18	0.478	7.05E-17
<i>SELPLG</i>	1.67E-18	0.478	7.23E-17
<i>SLC11A1</i>	1.77E-18	0.477	7.62E-17
<i>PSMB8-AS1</i>	1.77E-18	0.477	7.64E-17
<i>LOC101060835</i>	1.84E-18	0.477	7.92E-17
<i>TRAT1</i>	1.94E-18	0.477	8.33E-17
<i>DNAJC5B</i>	2.11E-18	0.476	9.04E-17
<i>HLA-C</i>	2.14E-18	0.476	9.15E-17
<i>MB21D1</i>	2.15E-18	0.476	9.18E-17
<i>CCL7</i>	2.16E-18	0.476	9.22E-17
<i>RCL1</i>	2.18E-18	0.476	9.29E-17
<i>OAS3</i>	2.23E-18	0.476	9.51E-17
<i>IL23A</i>	2.27E-18	0.476	9.66E-17
<i>IFIT5</i>	2.36E-18	0.476	1.01E-16
<i>CTSS</i>	2.48E-18	0.476	1.05E-16
<i>IL32</i>	2.70E-18	0.475	1.14E-16
<i>TNFRSF4</i>	3.05E-18	0.474	1.29E-16
<i>SFMBT2</i>	3.21E-18	0.474	1.36E-16
<i>ITPRIP</i>	3.27E-18	0.474	1.38E-16
<i>SETX</i>	3.44E-18	0.474	1.45E-16
<i>GK3P</i>	3.68E-18	0.473	1.54E-16
<i>UBASH3B</i>	3.76E-18	0.473	1.57E-16
<i>ANKRD44</i>	3.82E-18	0.473	1.60E-16
<i>GLUL</i>	4.05E-18	0.473	1.69E-16
<i>LOC101930489</i>	4.27E-18	0.473	1.78E-16
<i>LINC00152</i>	4.27E-18	0.473	1.78E-16
<i>RGS19</i>	4.69E-18	0.472	1.94E-16
<i>LOC102724614</i>	5.03E-18	0.472	2.08E-16
<i>TICAM2</i>	5.07E-18	0.472	2.09E-16
<i>IRF7</i>	5.41E-18	0.471	2.22E-16
<i>MIAT</i>	5.48E-18	0.471	2.25E-16
<i>ADORA3</i>	6.67E-18	0.470	2.73E-16
<i>PVRIG</i>	8.20E-18	0.469	3.34E-16

<i>FAM49A</i>	8.25E-18	0.469	3.36E-16
<i>PIK3API</i>	8.49E-18	0.469	3.45E-16
<i>TNFSF10</i>	8.60E-18	0.469	3.50E-16
<i>NBN</i>	8.99E-18	0.468	3.65E-16
<i>CECR1</i>	9.54E-18	0.468	3.87E-16
<i>CCDC109B</i>	1.01E-17	0.468	4.10E-16
<i>MAFB</i>	1.09E-17	0.467	4.40E-16
<i>LPXN</i>	1.16E-17	0.467	4.67E-16
<i>SQRDL</i>	1.22E-17	0.467	4.91E-16
<i>SUCNR1</i>	1.34E-17	0.466	5.40E-16
<i>HLA-G</i>	1.44E-17	0.466	5.76E-16
<i>WDFY4</i>	1.55E-17	0.465	6.19E-16
<i>USP18</i>	1.56E-17	0.465	6.21E-16
<i>GK</i>	1.74E-17	0.465	6.93E-16
<i>ARL4C</i>	1.78E-17	0.465	7.08E-16
<i>BTN3A1</i>	1.78E-17	0.465	7.08E-16
<i>TMEM154</i>	1.79E-17	0.465	7.08E-16
<i>SAMD9</i>	2.24E-17	0.463	8.84E-16
<i>RASGEF1B</i>	2.80E-17	0.462	1.10E-15
<i>IKBIP</i>	3.81E-17	0.460	1.49E-15
<i>MSR1</i>	3.85E-17	0.460	1.50E-15
<i>LOC101928716</i>	4.07E-17	0.460	1.59E-15
<i>TMEM106A</i>	4.32E-17	0.460	1.68E-15
<i>S100A12</i>	4.37E-17	0.460	1.70E-15
<i>RHOG</i>	4.88E-17	0.459	1.89E-15
<i>RHEBL1</i>	5.07E-17	0.459	1.96E-15
<i>TRBC1</i>	5.57E-17	0.458	2.15E-15
<i>MAX</i>	5.95E-17	0.458	2.29E-15
<i>IGHG4</i>	6.55E-17	0.457	2.52E-15
<i>TNIP3</i>	6.80E-17	0.457	2.61E-15
<i>APOE</i>	7.09E-17	0.457	2.71E-15
<i>TCN2</i>	7.35E-17	0.457	2.81E-15
<i>PLGRKT</i>	7.60E-17	0.456	2.90E-15
<i>CEP170P1</i>	8.51E-17	0.456	3.24E-15
<i>CEP170</i>	8.51E-17	0.456	3.24E-15
<i>GIT2</i>	8.57E-17	0.456	3.26E-15
<i>ELL</i>	8.58E-17	0.456	3.26E-15
<i>MS4A7</i>	9.51E-17	0.455	3.60E-15
<i>BST2</i>	9.70E-17	0.455	3.67E-15
<i>CCR2</i>	9.83E-17	0.455	3.72E-15
<i>UBASH3A</i>	1.08E-16	0.454	4.06E-15
<i>FAM65B</i>	1.15E-16	0.454	4.34E-15
<i>IRF2</i>	1.20E-16	0.454	4.54E-15
<i>CR1</i>	1.27E-16	0.454	4.76E-15
<i>HLA-J</i>	1.33E-16	0.453	5.00E-15
<i>FBXO6</i>	1.47E-16	0.453	5.50E-15
<i>IL1A</i>	1.59E-16	0.452	5.94E-15
<i>KYNU</i>	1.64E-16	0.452	6.14E-15
<i>LOC374443</i>	1.71E-16	0.452	6.38E-15
<i>TMC8</i>	1.84E-16	0.451	6.82E-15
<i>CXCL1</i>	1.89E-16	0.451	7.00E-15
<i>LCK</i>	1.93E-16	0.451	7.16E-15
<i>FLJ32255</i>	1.98E-16	0.451	7.31E-15
<i>VRK2</i>	1.98E-16	0.451	7.34E-15
<i>PFKFB3</i>	2.23E-16	0.450	8.21E-15
<i>IRG1</i>	2.35E-16	0.450	8.65E-15

<i>CFP</i>	2.59E-16	0.449	9.52E-15
<i>HLA-B</i>	2.60E-16	0.449	9.55E-15
<i>P2RY10</i>	2.98E-16	0.448	1.09E-14
<i>CMTM2</i>	3.18E-16	0.448	1.16E-14
<i>PLEKHO2</i>	3.22E-16	0.448	1.18E-14
<i>CEP128</i>	3.32E-16	0.448	1.21E-14
<i>LOC102723479</i>	3.49E-16	0.448	1.27E-14
<i>ISG15</i>	3.88E-16	0.447	1.41E-14
<i>BTK</i>	4.08E-16	0.447	1.48E-14
<i>MYD88</i>	4.17E-16	0.447	1.51E-14
<i>IFITM3</i>	4.29E-16	0.446	1.55E-14
<i>HLA-DRB4</i>	4.43E-16	0.446	1.60E-14
<i>BTN3A3</i>	4.66E-16	0.446	1.68E-14
<i>BACH1</i>	4.87E-16	0.446	1.75E-14
<i>ADAM8</i>	5.17E-16	0.445	1.86E-14
<i>HMOX1</i>	5.54E-16	0.445	1.99E-14
<i>FCN1</i>	5.57E-16	0.445	1.99E-14
<i>HLA-DPB1</i>	6.72E-16	0.444	2.40E-14
<i>EXOSC9</i>	6.85E-16	0.444	2.44E-14
<i>TMED7-TICAM2</i>	7.46E-16	0.443	2.65E-14
<i>SMCHD1</i>	7.54E-16	0.443	2.68E-14
<i>GCA</i>	8.80E-16	0.442	3.11E-14
<i>ARNTL2</i>	8.84E-16	0.442	3.12E-14
<i>DNASE2</i>	8.92E-16	0.442	3.15E-14
<i>GLT1D1</i>	9.31E-16	0.442	3.29E-14
<i>MX1</i>	9.42E-16	0.442	3.32E-14
<i>LILRB5</i>	9.82E-16	0.441	3.46E-14
<i>C5orf15</i>	1.05E-15	0.441	3.69E-14
<i>CHI3L1</i>	1.07E-15	0.441	3.76E-14
<i>TLR6</i>	1.07E-15	0.441	3.76E-14
<i>MGC40069</i>	1.14E-15	0.440	4.02E-14
<i>MAP4K1</i>	1.24E-15	0.440	4.33E-14
<i>TMSB10</i>	1.24E-15	0.440	4.34E-14
<i>KCNJ2</i>	1.32E-15	0.440	4.60E-14
<i>FLVCR2</i>	1.41E-15	0.439	4.92E-14
<i>GNA13</i>	1.52E-15	0.439	5.28E-14
<i>VCAM1</i>	1.54E-15	0.439	5.34E-14
<i>HLA-DMA</i>	1.60E-15	0.438	5.53E-14
<i>LIPA</i>	1.62E-15	0.438	5.59E-14
<i>HLA-DRB1</i>	1.89E-15	0.437	6.49E-14
<i>IGHG1</i>	1.98E-15	0.437	6.78E-14
<i>ADGRE3</i>	2.05E-15	0.437	7.01E-14
<i>PARP3</i>	2.07E-15	0.437	7.08E-14
<i>ADGRG3</i>	2.24E-15	0.436	7.64E-14
<i>MLKL</i>	2.27E-15	0.436	7.75E-14
<i>FCAR</i>	2.41E-15	0.436	8.19E-14
<i>CDCP1</i>	2.43E-15	0.436	8.24E-14
<i>GSTO1</i>	2.56E-15	0.436	8.69E-14
<i>FGD3</i>	2.63E-15	0.435	8.92E-14
<i>PCED1B</i>	2.88E-15	0.435	9.74E-14
<i>CD68</i>	3.03E-15	0.434	1.02E-13
<i>MS4A6A</i>	3.34E-15	0.434	1.12E-13
<i>DNMT1</i>	3.68E-15	0.433	1.23E-13
<i>GPR132</i>	4.17E-15	0.433	1.39E-13
<i>SIT1</i>	4.59E-15	0.432	1.52E-13
<i>NUB1</i>	4.61E-15	0.432	1.53E-13

<i>RCSD1</i>	4.62E-15	0.432	1.53E-13
<i>MYO5A</i>	4.77E-15	0.432	1.58E-13
<i>HLA-DQB1</i>	4.78E-15	0.432	1.59E-13
<i>CD300C</i>	4.91E-15	0.431	1.63E-13
<i>LOC101930405</i>	4.99E-15	0.431	1.65E-13
<i>SLC38A6</i>	5.30E-15	0.431	1.75E-13
<i>LGMN</i>	5.83E-15	0.430	1.92E-13
<i>CXCR4</i>	5.88E-15	0.430	1.94E-13
<i>MGAT1</i>	6.29E-15	0.430	2.07E-13
<i>DTX3L</i>	6.63E-15	0.430	2.18E-13
<i>C21orf91</i>	6.69E-15	0.430	2.20E-13
<i>EHD1</i>	7.03E-15	0.429	2.29E-13
<i>KIF2A</i>	7.51E-15	0.429	2.45E-13
<i>HLX</i>	7.73E-15	0.429	2.52E-13
<i>OSTF1</i>	7.77E-15	0.429	2.53E-13
<i>UBA6</i>	7.91E-15	0.429	2.57E-13
<i>IGHV3-23</i>	8.32E-15	0.428	2.70E-13
<i>LOC101927933</i>	8.45E-15	0.428	2.74E-13
<i>LRRC8C</i>	8.45E-15	0.428	2.74E-13
<i>BTLA</i>	8.57E-15	0.428	2.78E-13
<i>RGS1</i>	9.05E-15	0.428	2.93E-13
<i>P2RY6</i>	9.09E-15	0.428	2.94E-13
<i>PLXNC1</i>	9.15E-15	0.428	2.95E-13
<i>IGHV4-31</i>	9.85E-15	0.427	3.17E-13
<i>ADPGK</i>	1.03E-14	0.427	3.33E-13
<i>DENND1C</i>	1.07E-14	0.427	3.42E-13
<i>CD40</i>	1.12E-14	0.426	3.58E-13
<i>PPIF</i>	1.15E-14	0.426	3.68E-13
<i>IGHG3</i>	1.16E-14	0.426	3.72E-13
<i>CDV3</i>	1.21E-14	0.426	3.86E-13
<i>LOC101927137</i>	1.22E-14	0.426	3.90E-13
<i>CD52</i>	1.25E-14	0.426	4.00E-13
<i>BATF</i>	1.26E-14	0.426	4.00E-13
<i>WISP1</i>	1.26E-14	0.426	4.01E-13
<i>VSIG4</i>	1.34E-14	0.425	4.25E-13
<i>CMPK2</i>	1.37E-14	0.425	4.35E-13
<i>PTPRCAP</i>	1.39E-14	0.425	4.41E-13
<i>MPP1</i>	1.43E-14	0.425	4.53E-13
<i>MYO9B</i>	1.47E-14	0.425	4.65E-13
<i>GLIPR2</i>	1.47E-14	0.425	4.66E-13
<i>TNFSF4</i>	1.50E-14	0.424	4.73E-13
<i>CD33</i>	1.50E-14	0.424	4.76E-13
<i>ADAP2</i>	1.61E-14	0.424	5.07E-13
<i>BAZ1A</i>	1.64E-14	0.424	5.16E-13
<i>STAT3</i>	1.65E-14	0.424	5.20E-13
<i>ER11</i>	1.65E-14	0.424	5.21E-13
<i>S100A9</i>	1.83E-14	0.423	5.76E-13
<i>ADAM19</i>	1.91E-14	0.423	5.98E-13
<i>MXD1</i>	1.92E-14	0.423	6.03E-13
<i>ADAM12</i>	1.92E-14	0.423	6.03E-13
<i>GNG2</i>	2.11E-14	0.422	6.59E-13
<i>TRPV2</i>	2.41E-14	0.421	7.50E-13
<i>STAT5A</i>	2.48E-14	0.421	7.71E-13
<i>CEP120</i>	2.48E-14	0.421	7.71E-13
<i>LOC100996809</i>	2.51E-14	0.421	7.80E-13
<i>ANKRD32</i>	2.52E-14	0.421	7.81E-13

<i>MFSD12</i>	2.60E-14	0.421	8.05E-13
<i>LINC00158</i>	3.01E-14	0.420	9.27E-13
<i>CYLD</i>	3.17E-14	0.420	9.74E-13
<i>KIR3DL3</i>	3.29E-14	0.419	1.01E-12
<i>RASGRP1</i>	3.44E-14	0.419	1.05E-12
<i>CLEC5A</i>	3.58E-14	0.419	1.10E-12
<i>IGHM</i>	3.73E-14	0.419	1.14E-12
<i>COTL1</i>	3.78E-14	0.418	1.15E-12
<i>CEACAM3</i>	4.06E-14	0.418	1.24E-12
<i>CKLF</i>	5.05E-14	0.417	1.53E-12
<i>SEC24A</i>	5.30E-14	0.416	1.60E-12
<i>RELT</i>	5.91E-14	0.416	1.78E-12
<i>IL7R</i>	6.31E-14	0.415	1.90E-12
<i>FNDC3B</i>	6.45E-14	0.415	1.94E-12
<i>GJD3</i>	6.60E-14	0.415	1.99E-12
<i>OASL</i>	6.90E-14	0.415	2.07E-12
<i>TRAF3IP3</i>	7.01E-14	0.414	2.11E-12
<i>IGHD</i>	7.04E-14	0.414	2.11E-12
<i>ABI3</i>	7.35E-14	0.414	2.20E-12
<i>LOC101928615</i>	7.84E-14	0.414	2.34E-12
<i>MIR4435-2HG</i>	7.96E-14	0.414	2.37E-12
<i>SNORA67</i>	8.59E-14	0.413	2.55E-12
<i>SERPINE1</i>	8.80E-14	0.413	2.61E-12
<i>TNFAIP8</i>	9.34E-14	0.413	2.76E-12
<i>TNFSF14</i>	9.94E-14	0.412	2.93E-12
<i>BCAT1</i>	1.01E-13	0.412	2.97E-12
<i>MOV10</i>	1.02E-13	0.412	3.01E-12
<i>TIGAR</i>	1.03E-13	0.412	3.02E-12
<i>BHLHE40</i>	1.35E-13	0.410	3.94E-12
<i>PTGS2</i>	1.44E-13	0.410	4.20E-12
<i>CXCL3</i>	1.47E-13	0.409	4.29E-12
<i>MEI1</i>	1.50E-13	0.409	4.36E-12
<i>PIM2</i>	1.64E-13	0.409	4.75E-12
<i>BCL2L11</i>	1.70E-13	0.409	4.93E-12
<i>WAS</i>	1.73E-13	0.408	5.00E-12
<i>CTSB</i>	1.73E-13	0.408	5.02E-12
<i>TNFRSF6B</i>	1.76E-13	0.408	5.10E-12
<i>NEDD1</i>	1.79E-13	0.408	5.17E-12
<i>HIF1A</i>	1.80E-13	0.408	5.21E-12
<i>LINC00944</i>	1.82E-13	0.408	5.26E-12
<i>M6PR</i>	1.86E-13	0.408	5.36E-12
<i>TEL1-TNFRSF6L</i>	1.89E-13	0.408	5.45E-12
<i>BASPI</i>	1.96E-13	0.408	5.65E-12
<i>GPR18</i>	2.14E-13	0.407	6.15E-12
<i>IFI44L</i>	2.19E-13	0.407	6.28E-12
<i>GPSM3</i>	2.22E-13	0.407	6.38E-12
<i>SERPINB2</i>	2.23E-13	0.407	6.40E-12
<i>FGL2</i>	2.30E-13	0.406	6.58E-12
<i>ADAMTS2</i>	2.48E-13	0.406	7.08E-12
<i>IKZF3</i>	2.60E-13	0.406	7.42E-12
<i>GLA</i>	2.69E-13	0.405	7.65E-12
<i>TIFAB</i>	2.71E-13	0.405	7.70E-12
<i>LOC101928429</i>	2.72E-13	0.405	7.73E-12
<i>VNN2</i>	2.88E-13	0.405	8.18E-12
<i>GPR183</i>	3.13E-13	0.404	8.85E-12
<i>CKLF-CMTM1</i>	3.15E-13	0.404	8.90E-12

<i>ADGRE1</i>	3.27E-13	0.404	9.25E-12
<i>LOC102725526</i>	3.37E-13	0.404	9.50E-12
<i>OGFRL1</i>	3.47E-13	0.404	9.77E-12
<i>PSTPIP1</i>	3.66E-13	0.403	1.03E-11
<i>C5orf56</i>	3.77E-13	0.403	1.06E-11
<i>GNA15</i>	3.93E-13	0.403	1.10E-11
<i>APOC1</i>	3.94E-13	0.403	1.10E-11
<i>NRROS</i>	4.03E-13	0.403	1.13E-11
<i>TM6SF1</i>	4.05E-13	0.403	1.13E-11
<i>RNF149</i>	4.06E-13	0.403	1.13E-11
<i>GPR174</i>	4.12E-13	0.403	1.15E-11
<i>DNAJA1</i>	4.17E-13	0.402	1.16E-11
<i>EOMES</i>	4.26E-13	0.402	1.19E-11
<i>CCL13</i>	4.44E-13	0.402	1.24E-11
<i>RNASEK-C17orf49</i>	4.53E-13	0.402	1.26E-11
<i>C17orf49</i>	4.53E-13	0.402	1.26E-11
<i>MCOLN1</i>	4.73E-13	0.402	1.31E-11
<i>SDS</i>	4.96E-13	0.401	1.37E-11
<i>RNASE2</i>	5.86E-13	0.400	1.61E-11
<i>CASS4</i>	6.40E-13	0.399	1.75E-11
<i>ZCCHC2</i>	6.47E-13	0.399	1.77E-11
<i>C19orf66</i>	6.59E-13	0.399	1.80E-11
<i>SH2D1B</i>	6.63E-13	0.399	1.81E-11
<i>GIMAP6</i>	6.69E-13	0.399	1.82E-11
<i>AKAP5</i>	6.75E-13	0.399	1.84E-11
<i>TNF</i>	6.83E-13	0.399	1.86E-11
<i>RASGRP3</i>	6.85E-13	0.399	1.86E-11
<i>GZMK</i>	6.89E-13	0.399	1.87E-11
<i>CXCR1</i>	7.07E-13	0.399	1.92E-11
<i>NFKBIA</i>	7.49E-13	0.398	2.03E-11
<i>TMEM71</i>	7.76E-13	0.398	2.10E-11
<i>BMP2K</i>	7.89E-13	0.398	2.13E-11
<i>TBC1D10C</i>	7.96E-13	0.398	2.15E-11
<i>DCP2</i>	9.24E-13	0.397	2.47E-11
<i>GIMAPI-GIMAP5</i>	9.24E-13	0.397	2.47E-11
<i>GIMAP5</i>	9.24E-13	0.397	2.47E-11
<i>RAP2C</i>	9.35E-13	0.397	2.50E-11
<i>RASSF4</i>	9.74E-13	0.397	2.60E-11
<i>LOC731424</i>	1.07E-12	0.396	2.85E-11
<i>EGFL6</i>	1.08E-12	0.396	2.86E-11
<i>IGHA1</i>	1.21E-12	0.395	3.20E-11
<i>HSD11B1</i>	1.34E-12	0.394	3.53E-11
<i>CXCR3</i>	1.39E-12	0.394	3.66E-11
<i>FLII</i>	1.48E-12	0.394	3.89E-11
<i>LAX1</i>	1.51E-12	0.393	3.96E-11
<i>IL3RA</i>	1.51E-12	0.393	3.97E-11
<i>IFI44</i>	1.54E-12	0.393	4.05E-11
<i>ADCY7</i>	1.60E-12	0.393	4.19E-11
<i>DDX60L</i>	1.61E-12	0.393	4.21E-11
<i>RELB</i>	1.62E-12	0.393	4.24E-11
<i>CCRL2</i>	1.65E-12	0.393	4.31E-11
<i>LDHA</i>	1.66E-12	0.393	4.32E-11
<i>RNASE6</i>	1.95E-12	0.392	5.05E-11
<i>BEST1</i>	2.08E-12	0.391	5.40E-11
<i>RUNX3</i>	2.09E-12	0.391	5.41E-11
<i>MMP19</i>	2.13E-12	0.391	5.50E-11

<i>MCL1</i>	2.20E-12	0.391	5.66E-11
<i>GSDMC</i>	2.23E-12	0.391	5.74E-11
<i>MAPK1</i>	2.26E-12	0.391	5.80E-11
<i>ADAM10</i>	2.27E-12	0.391	5.84E-11
<i>PLK2</i>	2.29E-12	0.390	5.88E-11
<i>GIMAP2</i>	2.29E-12	0.390	5.89E-11
<i>LOC101928152</i>	2.45E-12	0.390	6.29E-11
<i>TPM4</i>	2.50E-12	0.390	6.41E-11
<i>TGM2</i>	2.53E-12	0.390	6.47E-11
<i>SGTB</i>	2.53E-12	0.390	6.47E-11
<i>TRBV19</i>	2.54E-12	0.390	6.51E-11
<i>ODF3B</i>	2.64E-12	0.389	6.74E-11
<i>LHFPL2</i>	2.83E-12	0.389	7.18E-11
<i>HSD3B7</i>	2.92E-12	0.389	7.40E-11
<i>OAZ1</i>	3.07E-12	0.388	7.76E-11
<i>CHD1</i>	3.07E-12	0.388	7.78E-11
<i>CD209</i>	3.10E-12	0.388	7.84E-11
<i>IL6</i>	3.25E-12	0.388	8.17E-11
<i>MILR1</i>	3.34E-12	0.388	8.40E-11
<i>SPI1</i>	3.40E-12	0.388	8.54E-11
<i>LINC00996</i>	3.45E-12	0.388	8.64E-11
<i>GPNMB</i>	3.63E-12	0.387	9.09E-11
<i>LRRK2</i>	3.79E-12	0.387	9.45E-11
<i>DMXL2</i>	3.79E-12	0.387	9.45E-11
<i>NAGK</i>	3.82E-12	0.387	9.52E-11
<i>CAPZA1</i>	3.86E-12	0.387	9.63E-11
<i>FKBP5</i>	3.94E-12	0.387	9.80E-11
<i>PTPN6</i>	4.04E-12	0.386	1.01E-10
<i>TBXAS1</i>	4.34E-12	0.386	1.08E-10
<i>ZAP70</i>	4.44E-12	0.386	1.10E-10
<i>SCLT1</i>	5.29E-12	0.384	1.31E-10
<i>LOC100129455</i>	5.60E-12	0.384	1.37E-10
<i>CR1L</i>	5.67E-12	0.384	1.39E-10
<i>SLAMF6</i>	5.70E-12	0.384	1.40E-10
<i>CCRN4L</i>	5.81E-12	0.384	1.42E-10
<i>SIRPB2</i>	5.86E-12	0.384	1.44E-10
<i>MYO7A</i>	5.92E-12	0.384	1.45E-10
<i>OR52K3P</i>	6.09E-12	0.383	1.49E-10
<i>MAT2B</i>	6.43E-12	0.383	1.57E-10
<i>CD28</i>	6.73E-12	0.383	1.64E-10
<i>TMX3</i>	7.07E-12	0.382	1.72E-10
<i>HLA-A</i>	7.22E-12	0.382	1.75E-10
<i>CCDC71L</i>	7.72E-12	0.382	1.87E-10
<i>SIRPB1</i>	7.92E-12	0.381	1.92E-10
<i>IGHG2</i>	8.03E-12	0.381	1.94E-10
<i>LINC01260</i>	8.97E-12	0.381	2.16E-10
<i>IRF9</i>	9.54E-12	0.380	2.29E-10
<i>AMICA1</i>	9.59E-12	0.380	2.30E-10
<i>PNRC1</i>	1.00E-11	0.380	2.39E-10
<i>LIMS3L</i>	1.17E-11	0.379	2.79E-10
<i>HMHA1</i>	1.20E-11	0.378	2.86E-10
<i>GAB3</i>	1.23E-11	0.378	2.92E-10
<i>BLVRA</i>	1.25E-11	0.378	2.96E-10
<i>HERC5</i>	1.30E-11	0.378	3.08E-10
<i>LSP1</i>	1.32E-11	0.378	3.13E-10
<i>MYBPC2</i>	1.35E-11	0.378	3.19E-10

<i>IL10</i>	1.40E-11	0.377	3.30E-10
<i>ZBTB25</i>	1.41E-11	0.377	3.34E-10
<i>SPHK1</i>	1.49E-11	0.377	3.50E-10
<i>RECQL</i>	1.62E-11	0.376	3.80E-10
<i>HELB</i>	1.62E-11	0.376	3.81E-10
<i>MOB3A</i>	1.63E-11	0.376	3.82E-10
<i>SERPINB8</i>	1.77E-11	0.375	4.13E-10
<i>MBD2</i>	1.89E-11	0.375	4.40E-10
<i>PHACTR1</i>	2.10E-11	0.374	4.87E-10
<i>SMAP2</i>	2.11E-11	0.374	4.88E-10
<i>ATG7</i>	2.18E-11	0.374	5.04E-10
<i>PPP2R5C</i>	2.18E-11	0.374	5.04E-10
<i>DDB2</i>	2.31E-11	0.373	5.33E-10
<i>KCNJ10</i>	2.35E-11	0.373	5.41E-10
<i>SCO2</i>	2.38E-11	0.373	5.47E-10
<i>C10orf128</i>	2.39E-11	0.373	5.49E-10
<i>NCEH1</i>	2.60E-11	0.373	5.95E-10
<i>CD44</i>	2.64E-11	0.372	6.05E-10
<i>UHRF2</i>	2.66E-11	0.372	6.08E-10
<i>ERO1L</i>	2.67E-11	0.372	6.11E-10
<i>GABBR1</i>	2.70E-11	0.372	6.17E-10
<i>EMILIN2</i>	2.90E-11	0.372	6.60E-10
<i>ME2</i>	2.97E-11	0.372	6.75E-10
<i>PHF23</i>	3.05E-11	0.371	6.93E-10
<i>IGLJ3</i>	3.58E-11	0.370	8.11E-10
<i>NFKBIE</i>	3.66E-11	0.370	8.27E-10
<i>LILRA1</i>	3.68E-11	0.370	8.31E-10
<i>C16orf54</i>	3.75E-11	0.370	8.45E-10
<i>MSN</i>	3.84E-11	0.370	8.64E-10
<i>CNDP2</i>	3.91E-11	0.369	8.77E-10
<i>BMP8A</i>	3.92E-11	0.369	8.78E-10
<i>STEAP1</i>	4.03E-11	0.369	9.01E-10
<i>TET2</i>	4.04E-11	0.369	9.04E-10
<i>DOCK4</i>	4.27E-11	0.369	9.52E-10
<i>CBFB</i>	4.43E-11	0.368	9.86E-10
<i>GRB2</i>	4.66E-11	0.368	1.03E-09
<i>ENO1</i>	4.85E-11	0.368	1.07E-09
<i>PSMA4</i>	4.85E-11	0.368	1.07E-09
<i>SLC2A6</i>	4.99E-11	0.368	1.10E-09
<i>ABCA1</i>	5.13E-11	0.367	1.13E-09
<i>DUSP2</i>	5.57E-11	0.367	1.22E-09
<i>ACP2</i>	5.57E-11	0.367	1.23E-09
<i>XCL2</i>	5.60E-11	0.367	1.23E-09
<i>C15orf48</i>	5.83E-11	0.366	1.28E-09
<i>SNORD89</i>	5.86E-11	0.366	1.28E-09
<i>GRAP2</i>	6.04E-11	0.366	1.32E-09
<i>PRR16</i>	6.16E-11	0.366	1.35E-09
<i>LOC101928667</i>	6.23E-11	0.366	1.36E-09
<i>ARAP2</i>	6.23E-11	0.366	1.36E-09
<i>IGHA2</i>	6.51E-11	0.366	1.42E-09
<i>LITAF</i>	7.78E-11	0.364	1.68E-09
<i>GIMAP8</i>	7.93E-11	0.364	1.71E-09
<i>IL12RB2</i>	8.04E-11	0.364	1.73E-09
<i>SH2D2A</i>	8.34E-11	0.364	1.79E-09
<i>GIMAP7</i>	9.11E-11	0.363	1.95E-09
<i>FAM179A</i>	9.14E-11	0.363	1.95E-09

<i>CD8B</i>	9.36E-11	0.363	2.00E-09
<i>STK17A</i>	9.40E-11	0.363	2.00E-09
<i>SLFN11</i>	9.44E-11	0.363	2.01E-09
<i>LMNB1</i>	1.01E-10	0.362	2.15E-09
<i>SERPINB9P1</i>	1.02E-10	0.362	2.17E-09
<i>SPCS3</i>	1.03E-10	0.362	2.17E-09
<i>IFIT1</i>	1.12E-10	0.361	2.35E-09
<i>CKAP2</i>	1.12E-10	0.361	2.37E-09
<i>AMPD3</i>	1.14E-10	0.361	2.40E-09
<i>LAIR2</i>	1.15E-10	0.361	2.41E-09
<i>MCOLN2</i>	1.16E-10	0.361	2.43E-09
<i>CCL22</i>	1.20E-10	0.361	2.51E-09
<i>CD200R1</i>	1.28E-10	0.360	2.67E-09
<i>CDC27</i>	1.30E-10	0.360	2.71E-09
<i>TOX2</i>	1.37E-10	0.360	2.85E-09
<i>LOC100996919</i>	1.38E-10	0.360	2.86E-09
<i>ADAMTS12</i>	1.44E-10	0.359	2.97E-09
<i>CD7</i>	1.45E-10	0.359	2.99E-09
<i>CNOT8</i>	1.52E-10	0.359	3.13E-09
<i>TMEM158</i>	1.54E-10	0.359	3.18E-09
<i>KIAA0020</i>	1.54E-10	0.359	3.18E-09
<i>SLCO2B1</i>	1.59E-10	0.358	3.26E-09
<i>UPPI</i>	1.61E-10	0.358	3.32E-09
<i>GOLT1B</i>	1.66E-10	0.358	3.41E-09
<i>PIK3CG</i>	1.67E-10	0.358	3.42E-09
<i>ATP11C</i>	1.67E-10	0.358	3.43E-09
<i>RTP4</i>	1.69E-10	0.358	3.46E-09
<i>XCL1</i>	1.82E-10	0.357	3.72E-09
<i>PTPRE</i>	1.85E-10	0.357	3.78E-09
<i>INHBA</i>	1.86E-10	0.357	3.80E-09
<i>DHX58</i>	1.87E-10	0.357	3.81E-09
<i>POLR3G</i>	1.89E-10	0.357	3.86E-09
<i>SNAPC1</i>	1.92E-10	0.357	3.92E-09
<i>SLAMF9</i>	2.01E-10	0.357	4.09E-09
<i>NUP62</i>	2.15E-10	0.356	4.36E-09
<i>BTN3A2</i>	2.17E-10	0.356	4.40E-09
<i>ALPK2</i>	2.21E-10	0.356	4.48E-09
<i>EDEM1</i>	2.22E-10	0.356	4.50E-09
<i>EMP3</i>	2.27E-10	0.356	4.59E-09
<i>PSAP</i>	2.28E-10	0.356	4.61E-09
<i>SLC9A7</i>	2.45E-10	0.355	4.93E-09
<i>MMP14</i>	2.49E-10	0.355	5.01E-09
<i>TRIM5</i>	2.54E-10	0.355	5.11E-09
<i>PGAM1</i>	2.56E-10	0.355	5.14E-09
<i>UHRF1</i>	2.56E-10	0.355	5.14E-09
<i>C1orf54</i>	2.68E-10	0.354	5.35E-09
<i>SLC7A11</i>	2.71E-10	0.354	5.41E-09
<i>ARHGAP31</i>	2.92E-10	0.354	5.81E-09
<i>OAS1</i>	3.00E-10	0.353	5.96E-09
<i>PPP1R16B</i>	3.05E-10	0.353	6.06E-09
<i>PGK1</i>	3.07E-10	0.353	6.08E-09
<i>MARCO</i>	3.29E-10	0.353	6.49E-09
<i>CDK17</i>	3.33E-10	0.352	6.57E-09
<i>TMEM30A</i>	3.52E-10	0.352	6.92E-09
<i>ICAM3</i>	3.69E-10	0.352	7.23E-09
<i>BPGM</i>	3.71E-10	0.352	7.26E-09

<i>LOC101928361</i>	3.71E-10	0.352	7.27E-09
<i>ARHGAP15</i>	3.71E-10	0.352	7.26E-09
<i>DCK</i>	3.92E-10	0.351	7.65E-09
<i>HIVEP3</i>	3.92E-10	0.351	7.65E-09
<i>RPL22L1</i>	4.18E-10	0.351	8.13E-09
<i>EPB41L3</i>	4.26E-10	0.350	8.26E-09
<i>MIR6787</i>	4.28E-10	0.350	8.30E-09
<i>SLC16A3</i>	4.28E-10	0.350	8.30E-09
<i>SSH1</i>	4.32E-10	0.350	8.38E-09
<i>HLA-DQA1</i>	4.35E-10	0.350	8.43E-09
<i>TMX1</i>	4.47E-10	0.350	8.66E-09
<i>DYSF</i>	4.64E-10	0.350	8.96E-09
<i>CANX</i>	4.70E-10	0.350	9.06E-09
<i>EBI3</i>	4.88E-10	0.349	9.39E-09
<i>FERMT3</i>	5.14E-10	0.349	9.86E-09
<i>CD180</i>	5.50E-10	0.348	1.05E-08
<i>TMEM52B</i>	5.81E-10	0.348	1.11E-08
<i>PLD3</i>	5.95E-10	0.348	1.13E-08
<i>TGFB1</i>	5.95E-10	0.348	1.13E-08
<i>C17orf62</i>	6.24E-10	0.347	1.18E-08
<i>LIMS1</i>	6.36E-10	0.347	1.20E-08
<i>HNRNP11</i>	6.38E-10	0.347	1.21E-08
<i>ANGPTL4</i>	6.61E-10	0.347	1.25E-08
<i>CXCL2</i>	6.71E-10	0.347	1.27E-08
<i>DEFA1</i>	6.72E-10	0.347	1.27E-08
<i>DEFA3</i>	6.72E-10	0.347	1.27E-08
<i>DEFA1B</i>	6.72E-10	0.347	1.27E-08
<i>RGS14</i>	6.84E-10	0.347	1.29E-08
<i>NECAP2</i>	6.93E-10	0.346	1.30E-08
<i>MFSD1</i>	7.17E-10	0.346	1.35E-08
<i>TNFRSF18</i>	7.29E-10	0.346	1.37E-08
<i>MIR6125</i>	7.35E-10	0.346	1.38E-08
<i>USP15</i>	7.35E-10	0.346	1.38E-08
<i>FCHSD2</i>	7.52E-10	0.346	1.41E-08
<i>MREG</i>	7.55E-10	0.346	1.41E-08
<i>PSMA1</i>	7.74E-10	0.346	1.44E-08
<i>MFAP3</i>	8.05E-10	0.345	1.50E-08
<i>PLA2G2D</i>	8.61E-10	0.345	1.59E-08
<i>IER5</i>	8.65E-10	0.345	1.60E-08
<i>DDIT4</i>	8.80E-10	0.344	1.63E-08
<i>HAUS6</i>	8.83E-10	0.344	1.63E-08
<i>CEACAM21</i>	9.59E-10	0.344	1.77E-08
<i>PANX1</i>	9.65E-10	0.344	1.77E-08
<i>GZMM</i>	9.96E-10	0.343	1.82E-08
<i>APBB1IP</i>	1.00E-09	0.343	1.84E-08
<i>CD27</i>	1.01E-09	0.343	1.84E-08
<i>MAP2K1</i>	1.03E-09	0.343	1.88E-08
<i>ZCCHC6</i>	1.07E-09	0.343	1.94E-08
<i>TESPA1</i>	1.17E-09	0.342	2.12E-08
<i>LY86</i>	1.19E-09	0.342	2.16E-08
<i>CSF1R</i>	1.22E-09	0.342	2.21E-08
<i>LILRP2</i>	1.23E-09	0.342	2.23E-08
<i>TPK1</i>	1.24E-09	0.342	2.25E-08
<i>MTHFD2</i>	1.30E-09	0.341	2.34E-08
<i>RAP2B</i>	1.30E-09	0.341	2.35E-08
<i>CHST2</i>	1.37E-09	0.341	2.45E-08

<i>OTUD4</i>	1.39E-09	0.341	2.49E-08
<i>IL12B</i>	1.40E-09	0.341	2.52E-08
<i>PTPN2</i>	1.42E-09	0.340	2.54E-08
<i>KIR2DL2</i>	1.42E-09	0.340	2.54E-08
<i>CYBA</i>	1.45E-09	0.340	2.59E-08
<i>TNFRSF14</i>	1.49E-09	0.340	2.66E-08
<i>HLA-DOB</i>	1.51E-09	0.340	2.70E-08
<i>USP43</i>	1.55E-09	0.340	2.76E-08
<i>SULF1</i>	1.60E-09	0.339	2.83E-08
<i>ASAH1</i>	1.68E-09	0.339	2.97E-08
<i>SRSF2</i>	1.71E-09	0.339	3.03E-08
<i>MIR636</i>	1.71E-09	0.339	3.02E-08
<i>NFE2L3</i>	1.73E-09	0.339	3.05E-08
<i>P2RY8</i>	1.77E-09	0.339	3.12E-08
<i>CDC42SE1</i>	1.78E-09	0.338	3.12E-08
<i>ARPC5</i>	1.81E-09	0.338	3.17E-08
<i>ARL11</i>	1.88E-09	0.338	3.29E-08
<i>PPP3R1</i>	1.93E-09	0.338	3.37E-08
<i>MMP8</i>	1.97E-09	0.338	3.43E-08
<i>COL5A3</i>	2.02E-09	0.337	3.52E-08
<i>ZEB2</i>	2.08E-09	0.337	3.61E-08
<i>IL18R1</i>	2.09E-09	0.337	3.62E-08
<i>CEP19</i>	2.12E-09	0.337	3.67E-08
<i>C12orf4</i>	2.12E-09	0.337	3.67E-08
<i>VAMP3</i>	2.17E-09	0.337	3.76E-08
<i>HLA-DRB3</i>	2.21E-09	0.337	3.81E-08
<i>BRIP1</i>	2.21E-09	0.337	3.82E-08
<i>WTAP</i>	2.40E-09	0.336	4.14E-08
<i>TYMS</i>	2.40E-09	0.336	4.14E-08
<i>GAPDH</i>	2.41E-09	0.336	4.14E-08
<i>H2AFZ</i>	2.41E-09	0.336	4.14E-08
<i>MIR5193</i>	2.45E-09	0.336	4.22E-08
<i>UBA7</i>	2.45E-09	0.336	4.22E-08
<i>CHI3L2</i>	2.48E-09	0.336	4.26E-08
<i>LOC100507516</i>	2.54E-09	0.335	4.35E-08
<i>PRRX1</i>	2.57E-09	0.335	4.41E-08
<i>WDR7</i>	2.58E-09	0.335	4.41E-08
<i>SERPING1</i>	2.64E-09	0.335	4.52E-08
<i>PDE6D</i>	2.75E-09	0.335	4.68E-08
<i>NFIL3</i>	2.75E-09	0.335	4.68E-08
<i>CYB5R4</i>	2.79E-09	0.335	4.75E-08
<i>LINC01312</i>	2.85E-09	0.334	4.84E-08
<i>COL1A1</i>	2.88E-09	0.334	4.89E-08
<i>TRAF3</i>	2.98E-09	0.334	5.05E-08
<i>SPP1</i>	3.06E-09	0.334	5.17E-08
<i>TMOD3</i>	3.08E-09	0.334	5.20E-08
<i>TSHR</i>	3.08E-09	0.334	5.21E-08
<i>CASP5</i>	3.21E-09	0.333	5.40E-08
<i>PRCP</i>	3.23E-09	0.333	5.44E-08
<i>LAT</i>	3.28E-09	0.333	5.51E-08
<i>IGLV@</i>	3.29E-09	0.333	5.51E-08
<i>SGPPI</i>	3.52E-09	0.333	5.88E-08
<i>PARP10</i>	3.56E-09	0.332	5.94E-08
<i>CEACAM4</i>	3.56E-09	0.332	5.94E-08
<i>PARP12</i>	3.65E-09	0.332	6.07E-08
<i>WDR76</i>	3.72E-09	0.332	6.18E-08

<i>MTAP</i>	3.86E-09	0.332	6.41E-08
<i>HLA-DRB5</i>	3.91E-09	0.332	6.48E-08
<i>TBC1D2</i>	4.00E-09	0.331	6.62E-08
<i>ZDHHC18</i>	4.06E-09	0.331	6.72E-08
<i>HAUS3</i>	4.07E-09	0.331	6.73E-08
<i>FANCA</i>	4.07E-09	0.331	6.73E-08
<i>VSNL1</i>	4.16E-09	0.331	6.88E-08
<i>RFX3</i>	4.18E-09	0.331	6.90E-08
<i>LOX</i>	4.22E-09	0.331	6.96E-08
<i>TDO2</i>	4.23E-09	0.331	6.98E-08
<i>RAPGEF6</i>	4.33E-09	0.331	7.12E-08
<i>MITD1</i>	4.54E-09	0.330	7.46E-08
<i>YTHDC2</i>	4.61E-09	0.330	7.56E-08
<i>IDO2</i>	4.62E-09	0.330	7.57E-08
<i>CASC5</i>	4.70E-09	0.330	7.69E-08
<i>SLC43A2</i>	4.74E-09	0.330	7.75E-08
<i>LRMP</i>	4.76E-09	0.330	7.77E-08
<i>MKL1</i>	4.83E-09	0.330	7.88E-08
<i>SELE</i>	4.96E-09	0.330	8.09E-08
<i>DUSP10</i>	4.98E-09	0.330	8.11E-08
<i>SLC39A6</i>	5.04E-09	0.329	8.20E-08
<i>TLR10</i>	5.07E-09	0.329	8.24E-08
<i>IFNAR2</i>	5.14E-09	0.329	8.36E-08
<i>FAP</i>	5.16E-09	0.329	8.38E-08
<i>HAUS1</i>	5.19E-09	0.329	8.43E-08
<i>COL7A1</i>	5.37E-09	0.329	8.69E-08
<i>LTB4R</i>	5.46E-09	0.329	8.83E-08
<i>NABP1</i>	5.47E-09	0.329	8.85E-08
<i>FUT11</i>	5.59E-09	0.329	9.03E-08
<i>FGD6</i>	5.82E-09	0.328	9.39E-08
<i>BUB1</i>	5.83E-09	0.328	9.41E-08
<i>JUNB</i>	6.07E-09	0.328	9.75E-08
<i>LGALS9</i>	6.11E-09	0.328	9.81E-08
<i>CTSZ</i>	6.25E-09	0.328	1.00E-07
<i>COLGALT1</i>	6.43E-09	0.327	1.03E-07
<i>GATA3</i>	6.69E-09	0.327	1.07E-07
<i>SCO1</i>	6.81E-09	0.327	1.09E-07
<i>P2RX5</i>	6.98E-09	0.327	1.11E-07
<i>METRNL</i>	7.08E-09	0.326	1.12E-07
<i>LIMK2</i>	7.23E-09	0.326	1.15E-07
<i>AKNA</i>	7.24E-09	0.326	1.15E-07
<i>CELF2</i>	7.24E-09	0.326	1.15E-07
<i>GAD1</i>	7.25E-09	0.326	1.15E-07
<i>PATL2</i>	7.29E-09	0.326	1.15E-07
<i>CCL2</i>	7.52E-09	0.326	1.19E-07
<i>LOC101929889</i>	7.55E-09	0.326	1.19E-07
<i>CD160</i>	7.62E-09	0.326	1.20E-07
<i>RHOA</i>	7.73E-09	0.326	1.22E-07
<i>ATP10D</i>	7.76E-09	0.326	1.22E-07
<i>GGA2</i>	8.35E-09	0.325	1.31E-07
<i>PPP1R27</i>	8.52E-09	0.325	1.33E-07
<i>LOC154761</i>	8.60E-09	0.325	1.34E-07
<i>RNASEK</i>	8.75E-09	0.324	1.37E-07
<i>RRM2</i>	8.89E-09	0.324	1.39E-07
<i>HS3ST1</i>	8.95E-09	0.324	1.40E-07
<i>MS4A14</i>	9.02E-09	0.324	1.41E-07

<i>EXOC3L4</i>	9.20E-09	0.324	1.43E-07
<i>IGLC1</i>	9.29E-09	0.324	1.44E-07
<i>IRF4</i>	9.36E-09	0.324	1.45E-07
<i>BIRC2</i>	9.39E-09	0.324	1.46E-07
<i>TCIRG1</i>	9.52E-09	0.324	1.48E-07
<i>NOXO1</i>	9.54E-09	0.324	1.48E-07
<i>GNAI3</i>	1.01E-08	0.323	1.56E-07
<i>NDEL1</i>	1.03E-08	0.323	1.58E-07
<i>ADPRH</i>	1.03E-08	0.323	1.59E-07
<i>LINC01093</i>	1.04E-08	0.323	1.60E-07
<i>IL11</i>	1.04E-08	0.323	1.61E-07
<i>KIAA0226L</i>	1.08E-08	0.323	1.66E-07
<i>CMTM6</i>	1.09E-08	0.323	1.66E-07
<i>SBNO2</i>	1.09E-08	0.323	1.66E-07
<i>CX3CL1</i>	1.12E-08	0.322	1.70E-07
<i>DCANPI</i>	1.13E-08	0.322	1.72E-07
<i>ZNF831</i>	1.13E-08	0.322	1.72E-07
<i>ARSB</i>	1.14E-08	0.322	1.74E-07
<i>XCR1</i>	1.21E-08	0.322	1.83E-07
<i>IL27RA</i>	1.23E-08	0.321	1.85E-07
<i>DENND3</i>	1.26E-08	0.321	1.91E-07
<i>IFI6</i>	1.27E-08	0.321	1.92E-07
<i>LOC100293211</i>	1.30E-08	0.321	1.95E-07
<i>RASAL3</i>	1.31E-08	0.321	1.97E-07
<i>AKIRIN2</i>	1.32E-08	0.321	1.98E-07
<i>RNF166</i>	1.36E-08	0.320	2.04E-07
<i>XIRP1</i>	1.38E-08	0.320	2.07E-07
<i>IL17RA</i>	1.41E-08	0.320	2.11E-07
<i>CEMIP</i>	1.43E-08	0.320	2.14E-07
<i>MMPI</i>	1.44E-08	0.320	2.15E-07
<i>LTB</i>	1.45E-08	0.320	2.16E-07
<i>KIR2DS5</i>	1.48E-08	0.320	2.20E-07
<i>RC3H2</i>	1.51E-08	0.320	2.25E-07
<i>ST3GAL5</i>	1.61E-08	0.319	2.39E-07
<i>BCL6</i>	1.63E-08	0.319	2.41E-07
<i>FMNL1</i>	1.66E-08	0.319	2.44E-07
<i>RBPJ</i>	1.66E-08	0.319	2.45E-07
<i>ERLIN1</i>	1.67E-08	0.319	2.47E-07
<i>IL16</i>	1.70E-08	0.318	2.51E-07
<i>SLC39A8</i>	1.70E-08	0.318	2.51E-07
<i>ATF5</i>	1.71E-08	0.318	2.51E-07
<i>NAIP</i>	1.78E-08	0.318	2.62E-07
<i>IGLV1-44</i>	1.82E-08	0.318	2.67E-07
<i>NRP1</i>	1.82E-08	0.318	2.67E-07
<i>WDFY1</i>	1.82E-08	0.318	2.67E-07
<i>ECT2</i>	1.88E-08	0.317	2.75E-07
<i>CLIC2</i>	1.97E-08	0.317	2.87E-07
<i>CENPH</i>	1.97E-08	0.317	2.87E-07
<i>GIMAP1</i>	1.98E-08	0.317	2.88E-07
<i>MOB1A</i>	1.99E-08	0.317	2.89E-07
<i>SNAI2</i>	2.00E-08	0.317	2.91E-07
<i>SEMA4D</i>	2.02E-08	0.317	2.94E-07
<i>TRIM38</i>	2.05E-08	0.317	2.98E-07
<i>ATOX1</i>	2.09E-08	0.317	3.02E-07
<i>RUNX2</i>	2.09E-08	0.317	3.03E-07
<i>PXK</i>	2.10E-08	0.316	3.04E-07

<i>GTF2B</i>	2.13E-08	0.316	3.08E-07
<i>ZFYVE26</i>	2.14E-08	0.316	3.09E-07
<i>HSF5</i>	2.22E-08	0.316	3.19E-07
<i>DUT</i>	2.24E-08	0.316	3.23E-07
<i>C5orf46</i>	2.25E-08	0.316	3.23E-07
<i>WNT2</i>	2.27E-08	0.316	3.26E-07
<i>TNFRSF10B</i>	2.28E-08	0.316	3.28E-07
<i>WDR41</i>	2.41E-08	0.315	3.45E-07
<i>SHCBP1</i>	2.41E-08	0.315	3.45E-07
<i>WDR36</i>	2.44E-08	0.315	3.49E-07
<i>CD6</i>	2.48E-08	0.315	3.54E-07
<i>CENPK</i>	2.50E-08	0.315	3.57E-07
<i>NDST2</i>	2.51E-08	0.315	3.58E-07
<i>DCLRE1B</i>	2.64E-08	0.314	3.74E-07
<i>LOC100505549</i>	2.81E-08	0.314	3.96E-07
<i>IPCEF1</i>	2.83E-08	0.314	3.98E-07
<i>SLC12A6</i>	2.83E-08	0.314	3.99E-07
<i>CXorf38</i>	2.89E-08	0.314	4.05E-07
<i>PECAM1</i>	2.95E-08	0.313	4.12E-07
<i>HS3ST3A1</i>	2.97E-08	0.313	4.15E-07
<i>GPX1</i>	3.02E-08	0.313	4.21E-07
<i>KIAA0922</i>	3.03E-08	0.313	4.23E-07
<i>TNFRSF10C</i>	3.07E-08	0.313	4.28E-07
<i>MIR8071-1</i>	3.10E-08	0.313	4.32E-07
<i>MIR8071-2</i>	3.10E-08	0.313	4.32E-07
<i>MMP25</i>	3.19E-08	0.313	4.43E-07
<i>PRKCQ</i>	3.25E-08	0.312	4.50E-07
<i>LOC100288675</i>	3.34E-08	0.312	4.61E-07
<i>IL24</i>	3.36E-08	0.312	4.64E-07
<i>LIMS3</i>	3.37E-08	0.312	4.66E-07
<i>PICALM</i>	3.42E-08	0.312	4.71E-07
<i>CNEPIR1</i>	3.43E-08	0.312	4.72E-07
<i>TMEM156</i>	3.51E-08	0.312	4.82E-07
<i>SMNDC1</i>	3.55E-08	0.312	4.88E-07
<i>PFN1</i>	3.57E-08	0.312	4.90E-07
<i>PLEKHA2</i>	3.58E-08	0.311	4.91E-07
<i>STIL</i>	3.62E-08	0.311	4.96E-07
<i>GINS3</i>	3.66E-08	0.311	5.01E-07
<i>IGLL5</i>	3.71E-08	0.311	5.08E-07
<i>ZNF101</i>	3.75E-08	0.311	5.12E-07
<i>CD101</i>	3.76E-08	0.311	5.14E-07
<i>CEBPB</i>	4.04E-08	0.310	5.49E-07
<i>DDX12P</i>	4.07E-08	0.310	5.53E-07
<i>LOC642846</i>	4.07E-08	0.310	5.53E-07
<i>HAS2</i>	4.10E-08	0.310	5.57E-07
<i>DDX60</i>	4.13E-08	0.310	5.61E-07
<i>SKA1</i>	4.15E-08	0.310	5.64E-07
<i>ZFAND5</i>	4.34E-08	0.310	5.86E-07
<i>MR1</i>	4.34E-08	0.310	5.87E-07
<i>IGHV1-69</i>	4.35E-08	0.310	5.88E-07
<i>RARS</i>	4.39E-08	0.310	5.93E-07
<i>TREM2</i>	4.41E-08	0.310	5.96E-07
<i>OPTN</i>	4.51E-08	0.309	6.08E-07
<i>PDPN</i>	4.54E-08	0.309	6.11E-07
<i>PTTG3P</i>	4.64E-08	0.309	6.24E-07
<i>MFAP1</i>	4.66E-08	0.309	6.26E-07

<i>HLA-DRB6</i>	4.70E-08	0.309	6.31E-07
<i>CD4</i>	4.76E-08	0.309	6.38E-07
<i>CIITA</i>	4.78E-08	0.309	6.40E-07
<i>STAPI</i>	4.98E-08	0.308	6.64E-07
<i>MMP13</i>	5.16E-08	0.308	6.86E-07
<i>TMEM173</i>	5.29E-08	0.308	7.03E-07
<i>MCTP1</i>	5.33E-08	0.308	7.08E-07
<i>G3BP1</i>	5.37E-08	0.308	7.13E-07
<i>NRBF2</i>	5.42E-08	0.308	7.18E-07
<i>EHD4</i>	5.53E-08	0.307	7.32E-07
<i>ARF6</i>	5.54E-08	0.307	7.34E-07
<i>ANGPT2</i>	5.62E-08	0.307	7.43E-07
<i>HIAT1</i>	5.67E-08	0.307	7.48E-07
<i>FLT3LG</i>	5.69E-08	0.307	7.51E-07
<i>TAPBPL</i>	5.79E-08	0.307	7.64E-07
<i>MGCI2916</i>	6.07E-08	0.306	7.98E-07
<i>WDHD1</i>	6.11E-08	0.306	8.02E-07
<i>HSPA4</i>	6.25E-08	0.306	8.19E-07
<i>CSF2</i>	6.25E-08	0.306	8.19E-07
<i>COL5A2</i>	6.27E-08	0.306	8.21E-07
<i>TINF2</i>	6.27E-08	0.306	8.21E-07
<i>ALYREF</i>	6.28E-08	0.306	8.22E-07
<i>LOC100507535</i>	6.28E-08	0.306	8.22E-07
<i>PTTG1</i>	6.38E-08	0.306	8.34E-07
<i>ZBTB24</i>	6.41E-08	0.306	8.37E-07
<i>ACTR3</i>	6.42E-08	0.306	8.39E-07
<i>TSPAN4</i>	6.49E-08	0.306	8.47E-07
<i>HTRA4</i>	6.50E-08	0.306	8.47E-07
<i>DAZL</i>	6.79E-08	0.305	8.83E-07
<i>ALPK1</i>	6.89E-08	0.305	8.95E-07
<i>PTBP3</i>	7.56E-08	0.304	9.74E-07
<i>ARPP19</i>	7.67E-08	0.304	9.87E-07
<i>SRR</i>	7.71E-08	0.304	9.91E-07
<i>TFAP2A</i>	7.74E-08	0.304	9.95E-07
<i>ERAP2</i>	7.76E-08	0.304	9.97E-07
<i>CXCL6</i>	7.90E-08	0.304	1.01E-06
<i>MAP3K8</i>	7.93E-08	0.304	1.02E-06
<i>MUC16</i>	8.17E-08	0.304	1.04E-06
<i>MAP1LC3B</i>	8.19E-08	0.304	1.05E-06
<i>RGS10</i>	8.27E-08	0.303	1.06E-06
<i>TNNI2</i>	8.43E-08	0.303	1.07E-06
<i>E2F7</i>	8.45E-08	0.303	1.08E-06
<i>IGH</i>	8.46E-08	0.303	1.08E-06
<i>VASH1</i>	8.52E-08	0.303	1.08E-06
<i>MATK</i>	8.54E-08	0.303	1.09E-06
<i>EYA3</i>	8.60E-08	0.303	1.09E-06
<i>GPR107</i>	8.64E-08	0.303	1.10E-06
<i>GNS</i>	8.65E-08	0.303	1.10E-06
<i>SLC25A28</i>	8.84E-08	0.303	1.12E-06
<i>GABPB1</i>	8.86E-08	0.303	1.12E-06
<i>HCP5</i>	8.98E-08	0.303	1.14E-06
<i>HIATL1</i>	9.08E-08	0.303	1.15E-06
<i>TK1</i>	9.14E-08	0.302	1.15E-06
<i>SLC22A4</i>	9.16E-08	0.302	1.16E-06
<i>ARHGEF6</i>	9.18E-08	0.302	1.16E-06
<i>SUSD6</i>	9.22E-08	0.302	1.16E-06

<i>CCL20</i>	9.35E-08	0.302	1.18E-06
<i>CD37</i>	9.39E-08	0.302	1.18E-06
<i>LINC00528</i>	9.40E-08	0.302	1.18E-06
<i>PDK1</i>	9.58E-08	0.302	1.21E-06
<i>THBS1</i>	9.70E-08	0.302	1.22E-06
<i>IGK</i>	9.70E-08	0.302	1.22E-06
<i>MND1</i>	9.87E-08	0.302	1.24E-06
<i>NXT2</i>	9.95E-08	0.302	1.24E-06
<i>ZNF469</i>	9.97E-08	0.302	1.25E-06
<i>CTBS</i>	1.02E-07	0.301	1.27E-06
<i>PRRG4</i>	1.04E-07	0.301	1.29E-06
<i>TMPO</i>	1.04E-07	0.301	1.30E-06
<i>CISH</i>	1.05E-07	0.301	1.30E-06
<i>C9orf91</i>	1.06E-07	0.301	1.31E-06
<i>AKAP14</i>	1.09E-07	0.301	1.35E-06
<i>IGKC</i>	1.09E-07	0.301	1.35E-06
<i>TRIM14</i>	1.10E-07	0.301	1.36E-06
<i>SLC15A4</i>	1.11E-07	0.301	1.37E-06
<i>ERAPI</i>	1.11E-07	0.301	1.38E-06
<i>ACOT9</i>	1.13E-07	0.300	1.39E-06
<i>CCL17</i>	1.14E-07	0.300	1.40E-06
<i>HVCN1</i>	1.17E-07	0.300	1.43E-06
<i>CXCL5</i>	1.17E-07	0.300	1.44E-06
<i>LOC654342</i>	1.17E-07	-0.300	1.44E-06
<i>UNKL</i>	1.17E-07	-0.300	1.44E-06
<i>RYR3</i>	1.17E-07	-0.300	1.43E-06
<i>LINC00261</i>	1.16E-07	-0.300	1.43E-06
<i>TTC30A</i>	1.14E-07	-0.300	1.41E-06
<i>FAM109B</i>	1.13E-07	-0.300	1.39E-06
<i>LOH12CR2</i>	1.12E-07	-0.301	1.38E-06
<i>STARD10</i>	1.12E-07	-0.301	1.38E-06
<i>ZNF148</i>	1.11E-07	-0.301	1.37E-06
<i>SPIN2B</i>	1.11E-07	-0.301	1.37E-06
<i>VIPR2</i>	1.05E-07	-0.301	1.31E-06
<i>DUSP23</i>	1.03E-07	-0.301	1.29E-06
<i>TMEM245</i>	1.03E-07	-0.301	1.29E-06
<i>TTC13</i>	1.03E-07	-0.301	1.28E-06
<i>KLHDC2</i>	1.02E-07	-0.301	1.28E-06
<i>PRKAB1</i>	1.02E-07	-0.301	1.27E-06
<i>MAML3</i>	9.94E-08	-0.302	1.24E-06
<i>LINC00938</i>	9.80E-08	-0.302	1.23E-06
<i>ADNP</i>	9.73E-08	-0.302	1.22E-06
<i>ITFG3</i>	9.61E-08	-0.302	1.21E-06
<i>LOC642533</i>	9.57E-08	-0.302	1.20E-06
<i>FBXO17</i>	9.49E-08	-0.302	1.19E-06
<i>MIR3610</i>	9.13E-08	-0.302	1.15E-06
<i>RAD21-AS1</i>	9.13E-08	-0.302	1.15E-06
<i>SOBP</i>	9.07E-08	-0.303	1.15E-06
<i>LINC01006</i>	9.02E-08	-0.303	1.14E-06
<i>GNAL</i>	8.92E-08	-0.303	1.13E-06
<i>HUNK</i>	8.84E-08	-0.303	1.12E-06
<i>PGC</i>	8.66E-08	-0.303	1.10E-06
<i>FAM47E-STBD1</i>	8.59E-08	-0.303	1.09E-06
<i>SCN4B</i>	8.58E-08	-0.303	1.09E-06
<i>PDZK1</i>	8.55E-08	-0.303	1.09E-06
<i>LOC101243545</i>	8.43E-08	-0.303	1.07E-06

<i>SNORD4A</i>	8.43E-08	-0.303	1.07E-06
<i>GPD1L</i>	8.41E-08	-0.303	1.07E-06
<i>ZNF662</i>	8.41E-08	-0.303	1.07E-06
<i>LOC101928881</i>	8.26E-08	-0.303	1.05E-06
<i>TMEM100</i>	8.22E-08	-0.304	1.05E-06
<i>PTCHD1</i>	8.21E-08	-0.304	1.05E-06
<i>CBY1</i>	8.16E-08	-0.304	1.04E-06
<i>CEBPA-AS1</i>	8.13E-08	-0.304	1.04E-06
<i>GPALPP1</i>	8.08E-08	-0.304	1.03E-06
<i>ASB1</i>	7.83E-08	-0.304	1.00E-06
<i>FAM189A2</i>	7.82E-08	-0.304	1.00E-06
<i>OTUD7B</i>	7.81E-08	-0.304	1.00E-06
<i>ERGIC3</i>	7.80E-08	-0.304	1.00E-06
<i>SLC39A4</i>	7.79E-08	-0.304	1.00E-06
<i>CASQ2</i>	7.73E-08	-0.304	9.94E-07
<i>PGAP3</i>	7.54E-08	-0.304	9.71E-07
<i>CACNB3</i>	7.43E-08	-0.305	9.59E-07
<i>ACTL10</i>	7.37E-08	-0.305	9.52E-07
<i>EPB41L1</i>	7.33E-08	-0.305	9.47E-07
<i>OSR1</i>	7.19E-08	-0.305	9.32E-07
<i>PHOX2B</i>	7.18E-08	-0.305	9.29E-07
<i>HYMAI</i>	7.08E-08	-0.305	9.18E-07
<i>RBPM52</i>	7.06E-08	-0.305	9.16E-07
<i>COA5</i>	6.99E-08	-0.305	9.08E-07
<i>RAB11FIP2</i>	6.96E-08	-0.305	9.04E-07
<i>DYNC1L2</i>	6.93E-08	-0.305	9.00E-07
<i>TRIM52-AS1</i>	6.80E-08	-0.305	8.83E-07
<i>ZNF652</i>	6.79E-08	-0.305	8.83E-07
<i>PRDM11</i>	6.74E-08	-0.305	8.77E-07
<i>RASSF10</i>	6.53E-08	-0.306	8.51E-07
<i>C16orf89</i>	6.36E-08	-0.306	8.31E-07
<i>SLC22A23</i>	6.35E-08	-0.306	8.31E-07
<i>FAM168B</i>	6.27E-08	-0.306	8.21E-07
<i>C3orf70</i>	6.23E-08	-0.306	8.16E-07
<i>MST1L</i>	6.17E-08	-0.306	8.09E-07
<i>BIN1</i>	6.08E-08	-0.306	7.99E-07
<i>AAMDC</i>	6.01E-08	-0.307	7.90E-07
<i>LOC101928403</i>	5.99E-08	-0.307	7.87E-07
<i>RPL27A</i>	5.87E-08	-0.307	7.73E-07
<i>MAGI2</i>	5.77E-08	-0.307	7.61E-07
<i>EXOC6B</i>	5.70E-08	-0.307	7.53E-07
<i>IPO13</i>	5.67E-08	-0.307	7.49E-07
<i>ANKS1A</i>	5.53E-08	-0.307	7.32E-07
<i>MAGED1</i>	5.51E-08	-0.307	7.29E-07
<i>HNF1B</i>	5.47E-08	-0.307	7.25E-07
<i>LOC103344931</i>	5.47E-08	-0.307	7.24E-07
<i>PDGFD</i>	5.28E-08	-0.308	7.02E-07
<i>ATRNL1</i>	5.19E-08	-0.308	6.91E-07
<i>ABCC6PI</i>	5.08E-08	-0.308	6.76E-07
<i>MGA</i>	5.04E-08	-0.308	6.72E-07
<i>TMEM9</i>	5.02E-08	-0.308	6.70E-07
<i>NBEA</i>	4.99E-08	-0.308	6.66E-07
<i>FLJ37035</i>	4.98E-08	-0.308	6.65E-07
<i>DMPK</i>	4.90E-08	-0.309	6.55E-07
<i>NRXN3</i>	4.90E-08	-0.309	6.54E-07
<i>CASZ1</i>	4.87E-08	-0.309	6.51E-07

<i>KIAA0556</i>	4.82E-08	-0.309	6.46E-07
<i>STBD1</i>	4.77E-08	-0.309	6.39E-07
<i>CAB39L</i>	4.77E-08	-0.309	6.39E-07
<i>REPS2</i>	4.76E-08	-0.309	6.38E-07
<i>B4GALT2</i>	4.74E-08	-0.309	6.36E-07
<i>TMEM178A</i>	4.72E-08	-0.309	6.33E-07
<i>ZNF395</i>	4.69E-08	-0.309	6.30E-07
<i>ARHGEF26-AS1</i>	4.69E-08	-0.309	6.30E-07
<i>STOX2</i>	4.62E-08	-0.309	6.21E-07
<i>LINC00865</i>	4.56E-08	-0.309	6.14E-07
<i>R3HDM2</i>	4.49E-08	-0.309	6.06E-07
<i>DMD</i>	4.48E-08	-0.309	6.04E-07
<i>FAM63A</i>	4.42E-08	-0.309	5.96E-07
<i>TUG1</i>	4.34E-08	-0.310	5.87E-07
<i>DCAF8</i>	4.31E-08	-0.310	5.83E-07
<i>LMO1</i>	4.31E-08	-0.310	5.83E-07
<i>ABCG2</i>	4.30E-08	-0.310	5.82E-07
<i>PMVK</i>	4.23E-08	-0.310	5.73E-07
<i>ACSS2</i>	4.14E-08	-0.310	5.61E-07
<i>COX20</i>	4.03E-08	-0.310	5.48E-07
<i>ZNF462</i>	3.88E-08	-0.311	5.29E-07
<i>BHLHB9</i>	3.86E-08	-0.311	5.27E-07
<i>ZNF76</i>	3.79E-08	-0.311	5.17E-07
<i>SMIM10L2A</i>	3.78E-08	-0.311	5.16E-07
<i>SEMA6A</i>	3.69E-08	-0.311	5.05E-07
<i>SVIL</i>	3.61E-08	-0.311	4.94E-07
<i>C2orf72</i>	3.59E-08	-0.311	4.92E-07
<i>TMED6</i>	3.58E-08	-0.311	4.92E-07
<i>EPN3</i>	3.42E-08	-0.312	4.71E-07
<i>SPIRE2</i>	3.41E-08	-0.312	4.70E-07
<i>NCK2</i>	3.34E-08	-0.312	4.61E-07
<i>SCAP</i>	3.26E-08	-0.312	4.52E-07
<i>PDE8B</i>	3.21E-08	-0.313	4.46E-07
<i>PTGES3L</i>	3.21E-08	-0.313	4.45E-07
<i>SMIM22</i>	3.19E-08	-0.313	4.43E-07
<i>CSRP2BP</i>	3.16E-08	-0.313	4.39E-07
<i>KIAA2018</i>	3.14E-08	-0.313	4.37E-07
<i>ATF7IP2</i>	3.12E-08	-0.313	4.34E-07
<i>CFDPI</i>	3.09E-08	-0.313	4.31E-07
<i>FRRS1L</i>	3.06E-08	-0.313	4.26E-07
<i>PPP1CB</i>	3.03E-08	-0.313	4.23E-07
<i>IYD</i>	2.90E-08	-0.313	4.07E-07
<i>SBNO1</i>	2.89E-08	-0.314	4.05E-07
<i>HSDL2</i>	2.88E-08	-0.314	4.04E-07
<i>NDUFC2</i>	2.87E-08	-0.314	4.03E-07
<i>CDK10</i>	2.86E-08	-0.314	4.02E-07
<i>GRIN2A</i>	2.86E-08	-0.314	4.01E-07
<i>ACOT11</i>	2.85E-08	-0.314	4.01E-07
<i>FAR2P2</i>	2.81E-08	-0.314	3.96E-07
<i>FAR2P3</i>	2.81E-08	-0.314	3.95E-07
<i>APOD</i>	2.78E-08	-0.314	3.92E-07
<i>EDA</i>	2.77E-08	-0.314	3.91E-07
<i>EPB41L4B</i>	2.76E-08	-0.314	3.90E-07
<i>TNNC2</i>	2.72E-08	-0.314	3.84E-07
<i>MOCS1</i>	2.67E-08	-0.314	3.78E-07
<i>PLEKHA5</i>	2.62E-08	-0.314	3.72E-07

<i>RALGAPA2</i>	2.61E-08	-0.314	3.71E-07
<i>EFCCI</i>	2.60E-08	-0.314	3.70E-07
<i>CHRM3</i>	2.59E-08	-0.315	3.68E-07
<i>ROCK2</i>	2.55E-08	-0.315	3.63E-07
<i>CRYL1</i>	2.52E-08	-0.315	3.59E-07
<i>PDXDC1</i>	2.52E-08	-0.315	3.58E-07
<i>GNL1</i>	2.48E-08	-0.315	3.54E-07
<i>LOC102724985</i>	2.45E-08	-0.315	3.50E-07
<i>CYP2B7P</i>	2.44E-08	-0.315	3.49E-07
<i>SNX33</i>	2.41E-08	-0.315	3.45E-07
<i>SGK2</i>	2.31E-08	-0.316	3.32E-07
<i>PBXIP1</i>	2.26E-08	-0.316	3.25E-07
<i>MMEL1</i>	2.26E-08	-0.316	3.24E-07
<i>LOC100507855</i>	2.26E-08	-0.316	3.24E-07
<i>AK4</i>	2.26E-08	-0.316	3.24E-07
<i>ATP7B</i>	2.25E-08	-0.316	3.24E-07
<i>ZSCAN12</i>	2.23E-08	-0.316	3.21E-07
<i>CKMT2</i>	2.20E-08	-0.316	3.18E-07
<i>ZKSCAN1</i>	2.17E-08	-0.316	3.13E-07
<i>C7orf13</i>	2.13E-08	-0.316	3.08E-07
<i>PPARA</i>	2.13E-08	-0.316	3.07E-07
<i>TEX2</i>	2.07E-08	-0.317	3.00E-07
<i>CIQTNF7</i>	2.01E-08	-0.317	2.92E-07
<i>KIF7</i>	1.99E-08	-0.317	2.89E-07
<i>TEX261</i>	1.98E-08	-0.317	2.88E-07
<i>COLCA1</i>	1.97E-08	-0.317	2.86E-07
<i>PRR26</i>	1.94E-08	-0.317	2.83E-07
<i>PRKCE</i>	1.91E-08	-0.317	2.78E-07
<i>CTDSPL</i>	1.90E-08	-0.317	2.78E-07
<i>BTBD7</i>	1.90E-08	-0.317	2.77E-07
<i>NOVA1</i>	1.88E-08	-0.318	2.75E-07
<i>CACNA1C</i>	1.88E-08	-0.318	2.75E-07
<i>F10</i>	1.84E-08	-0.318	2.70E-07
<i>LOC101930415</i>	1.83E-08	-0.318	2.68E-07
<i>DEPTOR</i>	1.83E-08	-0.318	2.68E-07
<i>VSIG2</i>	1.82E-08	-0.318	2.67E-07
<i>RPL15</i>	1.81E-08	-0.318	2.66E-07
<i>RPS27A</i>	1.80E-08	-0.318	2.64E-07
<i>IFT88</i>	1.69E-08	-0.319	2.49E-07
<i>LOC101930400</i>	1.66E-08	-0.319	2.45E-07
<i>AKRIC2</i>	1.66E-08	-0.319	2.45E-07
<i>LOC100505915</i>	1.65E-08	-0.319	2.44E-07
<i>MLLT4-AS1</i>	1.64E-08	-0.319	2.43E-07
<i>PGM5-AS1</i>	1.63E-08	-0.319	2.42E-07
<i>SLC44A3</i>	1.62E-08	-0.319	2.40E-07
<i>GSTM3</i>	1.61E-08	-0.319	2.39E-07
<i>CARKD</i>	1.54E-08	-0.319	2.29E-07
<i>AMT</i>	1.53E-08	-0.319	2.28E-07
<i>CMTM4</i>	1.44E-08	-0.320	2.15E-07
<i>TM4SF5</i>	1.44E-08	-0.320	2.15E-07
<i>CAPN13</i>	1.41E-08	-0.320	2.11E-07
<i>NIT1</i>	1.41E-08	-0.320	2.11E-07
<i>THNSL2</i>	1.39E-08	-0.320	2.09E-07
<i>CGREF1</i>	1.36E-08	-0.320	2.05E-07
<i>SMIM10L1</i>	1.35E-08	-0.321	2.03E-07
<i>HOMER2</i>	1.34E-08	-0.321	2.01E-07

<i>VPS51</i>	1.31E-08	-0.321	1.97E-07
<i>NDUFA4</i>	1.29E-08	-0.321	1.94E-07
<i>FLJ16734</i>	1.25E-08	-0.321	1.89E-07
<i>CA3</i>	1.25E-08	-0.321	1.88E-07
<i>FAM47E</i>	1.19E-08	-0.322	1.80E-07
<i>TIGD7</i>	1.16E-08	-0.322	1.77E-07
<i>RPRD2</i>	1.16E-08	-0.322	1.76E-07
<i>ADAMTS8</i>	1.11E-08	-0.322	1.69E-07
<i>ND3</i>	1.11E-08	-0.322	1.69E-07
<i>PROC</i>	1.11E-08	-0.322	1.69E-07
<i>THRB</i>	1.11E-08	-0.322	1.69E-07
<i>RASEF</i>	1.10E-08	-0.322	1.69E-07
<i>C1orf56</i>	1.10E-08	-0.322	1.68E-07
<i>YAE1D1</i>	1.10E-08	-0.322	1.68E-07
<i>FBXO21</i>	1.07E-08	-0.323	1.65E-07
<i>SFTA2</i>	1.06E-08	-0.323	1.63E-07
<i>GAS2</i>	1.06E-08	-0.323	1.62E-07
<i>SLC39A5</i>	1.05E-08	-0.323	1.62E-07
<i>TMEM150A</i>	1.05E-08	-0.323	1.61E-07
<i>SOX6</i>	1.04E-08	-0.323	1.60E-07
<i>SOGA1</i>	1.04E-08	-0.323	1.59E-07
<i>LINC00526</i>	1.02E-08	-0.323	1.58E-07
<i>ECHDC2</i>	1.01E-08	-0.323	1.55E-07
<i>FENDRR</i>	1.01E-08	-0.323	1.55E-07
<i>CUX1</i>	9.92E-09	-0.323	1.53E-07
<i>GNA11</i>	9.84E-09	-0.323	1.52E-07
<i>LOC101929880</i>	9.72E-09	-0.324	1.50E-07
<i>LOC102724387</i>	9.58E-09	-0.324	1.48E-07
<i>LOC102724017</i>	9.49E-09	-0.324	1.47E-07
<i>AOC1</i>	9.45E-09	-0.324	1.47E-07
<i>CYTH3</i>	8.83E-09	-0.324	1.38E-07
<i>PEX19</i>	8.67E-09	-0.325	1.35E-07
<i>PPDPF</i>	8.48E-09	-0.325	1.33E-07
<i>ADAMTS9-AS2</i>	8.46E-09	-0.325	1.32E-07
<i>PKDCC</i>	8.32E-09	-0.325	1.30E-07
<i>SLC25A13</i>	8.26E-09	-0.325	1.30E-07
<i>PRORY</i>	8.12E-09	-0.325	1.27E-07
<i>MCF2L</i>	8.11E-09	-0.325	1.27E-07
<i>WTIP</i>	7.60E-09	-0.326	1.20E-07
<i>MGST3</i>	7.33E-09	-0.326	1.16E-07
<i>MAMDC2</i>	7.28E-09	-0.326	1.15E-07
<i>PREPL</i>	7.26E-09	-0.326	1.15E-07
<i>TRIM2</i>	7.18E-09	-0.326	1.14E-07
<i>SPIN2A</i>	6.97E-09	-0.327	1.11E-07
<i>ZFH3</i>	6.79E-09	-0.327	1.08E-07
<i>SMIM10L2B</i>	6.77E-09	-0.327	1.08E-07
<i>WASF3</i>	6.77E-09	-0.327	1.08E-07
<i>ELN</i>	6.67E-09	-0.327	1.07E-07
<i>ALDH9A1</i>	6.65E-09	-0.327	1.06E-07
<i>ARHGEF25</i>	6.60E-09	-0.327	1.06E-07
<i>SPAG16</i>	6.25E-09	-0.328	1.00E-07
<i>PRKAG2-AS1</i>	5.87E-09	-0.328	9.46E-08
<i>GPR20</i>	5.69E-09	-0.328	9.19E-08
<i>TMEM8B</i>	5.52E-09	-0.329	8.93E-08
<i>ARFGEF3</i>	5.24E-09	-0.329	8.50E-08
<i>TMEM192</i>	5.23E-09	-0.329	8.47E-08

<i>C9orf152</i>	5.06E-09	-0.329	8.23E-08
<i>CDHR3</i>	4.82E-09	-0.330	7.88E-08
<i>CCDC149</i>	4.82E-09	-0.330	7.88E-08
<i>CXXC4</i>	4.47E-09	-0.330	7.34E-08
<i>TFCP2L1</i>	4.33E-09	-0.331	7.12E-08
<i>CTSF</i>	4.31E-09	-0.331	7.10E-08
<i>TFDP2</i>	4.19E-09	-0.331	6.92E-08
<i>NPY1R</i>	4.16E-09	-0.331	6.88E-08
<i>LOC100996693</i>	4.04E-09	-0.331	6.68E-08
<i>SPEG</i>	4.04E-09	-0.331	6.68E-08
<i>NBEAL1</i>	4.01E-09	-0.331	6.63E-08
<i>GYG2</i>	3.92E-09	-0.332	6.50E-08
<i>CRY2</i>	3.74E-09	-0.332	6.22E-08
<i>ADIRF</i>	3.65E-09	-0.332	6.08E-08
<i>CXXC5</i>	3.65E-09	-0.332	6.07E-08
<i>TMEM120A</i>	3.64E-09	-0.332	6.07E-08
<i>CEP68</i>	3.61E-09	-0.332	6.01E-08
<i>FAM213A</i>	3.46E-09	-0.333	5.79E-08
<i>TRAM2-AS1</i>	3.40E-09	-0.333	5.69E-08
<i>LRP6</i>	3.30E-09	-0.333	5.53E-08
<i>SORBS1</i>	3.27E-09	-0.333	5.49E-08
<i>PPP1R1A</i>	3.27E-09	-0.333	5.49E-08
<i>NTN1</i>	3.03E-09	-0.334	5.13E-08
<i>PRKAA2</i>	2.99E-09	-0.334	5.06E-08
<i>NTPCR</i>	2.98E-09	-0.334	5.05E-08
<i>SLC25A21-AS1</i>	2.91E-09	-0.334	4.93E-08
<i>PART1</i>	2.81E-09	-0.335	4.77E-08
<i>KIZ</i>	2.76E-09	-0.335	4.71E-08
<i>GSTA1</i>	2.73E-09	-0.335	4.66E-08
<i>HSD11B1L</i>	2.67E-09	-0.335	4.56E-08
<i>FOLR1</i>	2.59E-09	-0.335	4.43E-08
<i>USP7</i>	2.47E-09	-0.336	4.25E-08
<i>SMTN</i>	2.47E-09	-0.336	4.25E-08
<i>PPP1R14A</i>	2.38E-09	-0.336	4.10E-08
<i>ZNF358</i>	2.29E-09	-0.336	3.96E-08
<i>RAB6B</i>	2.28E-09	-0.336	3.94E-08
<i>PIGT</i>	2.23E-09	-0.337	3.85E-08
<i>SHROOM1</i>	2.16E-09	-0.337	3.74E-08
<i>ADGRL3</i>	2.12E-09	-0.337	3.67E-08
<i>GRB10</i>	2.10E-09	-0.337	3.65E-08
<i>WDR35</i>	2.10E-09	-0.337	3.64E-08
<i>NEGR1</i>	2.06E-09	-0.337	3.58E-08
<i>LOC100506558</i>	2.03E-09	-0.337	3.52E-08
<i>MATN2</i>	2.03E-09	-0.337	3.52E-08
<i>ANKRD46</i>	2.02E-09	-0.337	3.51E-08
<i>AHCYL1</i>	1.99E-09	-0.338	3.47E-08
<i>CDC14B</i>	1.98E-09	-0.338	3.45E-08
<i>PIFO</i>	1.90E-09	-0.338	3.31E-08
<i>LOC643085</i>	1.82E-09	-0.338	3.18E-08
<i>GGT7</i>	1.81E-09	-0.338	3.18E-08
<i>WDR5B</i>	1.76E-09	-0.339	3.11E-08
<i>NENF</i>	1.74E-09	-0.339	3.06E-08
<i>6-Mar</i>	1.66E-09	-0.339	2.94E-08
<i>PXMP4</i>	1.66E-09	-0.339	2.94E-08
<i>ZSWIM1</i>	1.65E-09	-0.339	2.91E-08
<i>RNF103-CHMP3</i>	1.62E-09	-0.339	2.88E-08

<i>CHMP3</i>	1.62E-09	-0.339	2.88E-08
<i>JTB</i>	1.57E-09	-0.340	2.79E-08
<i>MMAB</i>	1.56E-09	-0.340	2.77E-08
<i>RMCX5-GPRASF</i>	1.54E-09	-0.340	2.74E-08
<i>GPRASP2</i>	1.54E-09	-0.340	2.74E-08
<i>FOXP4-AS1</i>	1.54E-09	-0.340	2.74E-08
<i>ASAP3</i>	1.51E-09	-0.340	2.69E-08
<i>MMP24-AS1</i>	1.41E-09	-0.340	2.52E-08
<i>ANO5</i>	1.38E-09	-0.341	2.48E-08
<i>PGAPI</i>	1.37E-09	-0.341	2.45E-08
<i>COPG2IT1</i>	1.34E-09	-0.341	2.40E-08
<i>PFN2</i>	1.30E-09	-0.341	2.33E-08
<i>SHC2</i>	1.29E-09	-0.341	2.33E-08
<i>DET1</i>	1.22E-09	-0.342	2.21E-08
<i>SERINC5</i>	1.22E-09	-0.342	2.20E-08
<i>DSTN</i>	1.21E-09	-0.342	2.19E-08
<i>SMDT1</i>	1.17E-09	-0.342	2.12E-08
<i>NMT2</i>	1.15E-09	-0.342	2.09E-08
<i>USP21</i>	1.14E-09	-0.342	2.07E-08
<i>FAM3B</i>	1.09E-09	-0.343	1.98E-08
<i>SDR42E1</i>	1.08E-09	-0.343	1.97E-08
<i>ABCC6P2</i>	1.07E-09	-0.343	1.95E-08
<i>BEX1</i>	1.04E-09	-0.343	1.91E-08
<i>TPRGIL</i>	1.04E-09	-0.343	1.90E-08
<i>GATSL2</i>	1.01E-09	-0.343	1.85E-08
<i>ZNF785</i>	9.73E-10	-0.344	1.79E-08
<i>C1orf198</i>	9.60E-10	-0.344	1.77E-08
<i>PPP1R9A</i>	9.45E-10	-0.344	1.74E-08
<i>WFDC1</i>	8.97E-10	-0.344	1.66E-08
<i>OPHN1</i>	8.61E-10	-0.345	1.59E-08
<i>C1orf115</i>	7.98E-10	-0.345	1.48E-08
<i>RAB17</i>	7.96E-10	-0.345	1.48E-08
<i>GFRA1</i>	7.77E-10	-0.345	1.45E-08
<i>KBTBD7</i>	7.73E-10	-0.346	1.44E-08
<i>GAB1</i>	7.46E-10	-0.346	1.40E-08
<i>COMMD6</i>	6.87E-10	-0.347	1.29E-08
<i>RAP1GAP</i>	6.40E-10	-0.347	1.21E-08
<i>RASL11B</i>	6.21E-10	-0.347	1.18E-08
<i>GID8</i>	5.82E-10	-0.348	1.11E-08
<i>GPRC5C</i>	5.56E-10	-0.348	1.06E-08
<i>SLC25A16</i>	5.44E-10	-0.348	1.04E-08
<i>HDAC5</i>	5.35E-10	-0.349	1.02E-08
<i>LOC101930322</i>	4.60E-10	-0.350	8.89E-09
<i>ABCC6</i>	4.60E-10	-0.350	8.89E-09
<i>ZNF717</i>	4.59E-10	-0.350	8.87E-09
<i>CAPN6</i>	4.47E-10	-0.350	8.66E-09
<i>WLS</i>	4.09E-10	-0.351	7.95E-09
<i>SS18L1</i>	4.04E-10	-0.351	7.87E-09
<i>KCNH2</i>	3.89E-10	-0.351	7.60E-09
<i>SMAD9</i>	3.83E-10	-0.351	7.47E-09
<i>BEX2</i>	3.57E-10	-0.352	7.02E-09
<i>TIMM10B</i>	3.32E-10	-0.353	6.55E-09
<i>LOC101929243</i>	3.19E-10	-0.353	6.30E-09
<i>ROGDI</i>	3.18E-10	-0.353	6.29E-09
<i>CDKN1C</i>	3.14E-10	-0.353	6.22E-09
<i>RNF5P1</i>	3.14E-10	-0.353	6.21E-09

<i>CACFDI</i>	3.13E-10	-0.353	6.19E-09
<i>MYZAP</i>	3.11E-10	-0.353	6.16E-09
<i>TMEM98</i>	3.10E-10	-0.353	6.13E-09
<i>NDRG2</i>	3.06E-10	-0.353	6.08E-09
<i>ZNF605</i>	3.00E-10	-0.353	5.96E-09
<i>NFLA</i>	2.96E-10	-0.353	5.88E-09
<i>NUDT16L1</i>	2.86E-10	-0.354	5.70E-09
<i>GGPS1</i>	2.76E-10	-0.354	5.49E-09
<i>MBTD1</i>	2.66E-10	-0.354	5.31E-09
<i>RAB9B</i>	2.63E-10	-0.354	5.26E-09
<i>CCNY</i>	2.59E-10	-0.355	5.19E-09
<i>MYEF2</i>	2.55E-10	-0.355	5.11E-09
<i>FGFR3</i>	2.36E-10	-0.355	4.77E-09
<i>CXCL14</i>	2.35E-10	-0.355	4.75E-09
<i>TPD52L1</i>	2.30E-10	-0.355	4.64E-09
<i>IGSF3</i>	2.11E-10	-0.356	4.28E-09
<i>SUPT20H</i>	2.02E-10	-0.357	4.11E-09
<i>LOC101930344</i>	1.97E-10	-0.357	4.01E-09
<i>LOC101930349</i>	1.97E-10	-0.357	4.01E-09
<i>CGNL1</i>	1.97E-10	-0.357	4.01E-09
<i>ADCK3</i>	1.84E-10	-0.357	3.75E-09
<i>FOXF2</i>	1.83E-10	-0.357	3.74E-09
<i>CEP126</i>	1.74E-10	-0.358	3.56E-09
<i>CDCA7L</i>	1.58E-10	-0.359	3.24E-09
<i>SPRED2</i>	1.43E-10	-0.359	2.97E-09
<i>SMIM24</i>	1.41E-10	-0.359	2.93E-09
<i>LNX1</i>	1.32E-10	-0.360	2.75E-09
<i>FAM173B</i>	1.32E-10	-0.360	2.75E-09
<i>APTR</i>	1.28E-10	-0.360	2.67E-09
<i>NECAB3</i>	1.18E-10	-0.361	2.48E-09
<i>RPS15A</i>	1.16E-10	-0.361	2.44E-09
<i>UFC1</i>	1.14E-10	-0.361	2.41E-09
<i>DGKD</i>	1.13E-10	-0.361	2.39E-09
<i>CAPS</i>	1.11E-10	-0.361	2.34E-09
<i>TSC22D1</i>	1.08E-10	-0.362	2.28E-09
<i>PROM1</i>	1.08E-10	-0.362	2.28E-09
<i>SSBP3</i>	1.05E-10	-0.362	2.22E-09
<i>CCDC23</i>	1.04E-10	-0.362	2.20E-09
<i>DYNCH1</i>	1.01E-10	-0.362	2.14E-09
<i>GATAD2B</i>	9.77E-11	-0.362	2.08E-09
<i>EXOSC7</i>	9.48E-11	-0.363	2.02E-09
<i>WDR13</i>	9.40E-11	-0.363	2.00E-09
<i>MYOCD</i>	9.26E-11	-0.363	1.97E-09
<i>LOC101927811</i>	9.01E-11	-0.363	1.93E-09
<i>ACSS1</i>	7.17E-11	-0.365	1.55E-09
<i>DEXI</i>	6.98E-11	-0.365	1.51E-09
<i>RORC</i>	6.93E-11	-0.365	1.50E-09
<i>OSBPL2</i>	6.71E-11	-0.365	1.46E-09
<i>MANBAL</i>	6.51E-11	-0.365	1.42E-09
<i>LOC91548</i>	5.88E-11	-0.366	1.29E-09
<i>LARGE</i>	5.82E-11	-0.366	1.28E-09
<i>PAIP2B</i>	5.46E-11	-0.367	1.20E-09
<i>UBE2D4</i>	5.45E-11	-0.367	1.20E-09
<i>FREM2</i>	5.26E-11	-0.367	1.16E-09
<i>ND2</i>	4.81E-11	-0.368	1.07E-09
<i>SLC19A2</i>	4.30E-11	-0.369	9.58E-10

<i>SYDE2</i>	4.21E-11	-0.369	9.38E-10
<i>CERK</i>	4.16E-11	-0.369	9.29E-10
<i>MOAPI</i>	4.01E-11	-0.369	8.98E-10
<i>TUB</i>	3.74E-11	-0.370	8.43E-10
<i>RPS10</i>	3.70E-11	-0.370	8.35E-10
<i>LPP</i>	3.64E-11	-0.370	8.23E-10
<i>NIPAL3</i>	3.40E-11	-0.371	7.72E-10
<i>SERTAD4-AS1</i>	3.40E-11	-0.371	7.71E-10
<i>CNKSR3</i>	2.71E-11	-0.372	6.20E-10
<i>LONRF2</i>	2.40E-11	-0.373	5.50E-10
<i>ASHIL</i>	2.21E-11	-0.374	5.12E-10
<i>AGPAT1</i>	2.10E-11	-0.374	4.87E-10
<i>KDM5B</i>	1.95E-11	-0.375	4.52E-10
<i>HDAC11</i>	1.89E-11	-0.375	4.40E-10
<i>PTCHI</i>	1.73E-11	-0.376	4.04E-10
<i>FOXPI</i>	1.68E-11	-0.376	3.93E-10
<i>PHYH</i>	1.63E-11	-0.376	3.82E-10
<i>CAMK2G</i>	1.51E-11	-0.377	3.56E-10
<i>COL4A6</i>	1.49E-11	-0.377	3.50E-10
<i>CC2D2A</i>	1.38E-11	-0.377	3.25E-10
<i>STK33</i>	1.04E-11	-0.379	2.50E-10
<i>PLEKHA6</i>	1.02E-11	-0.380	2.44E-10
<i>LOC102724156</i>	1.01E-11	-0.380	2.41E-10
<i>EIF4EBP2</i>	9.82E-12	-0.380	2.35E-10
<i>MYOM1</i>	9.26E-12	-0.380	2.22E-10
<i>BOK</i>	8.69E-12	-0.381	2.09E-10
<i>WFS1</i>	8.26E-12	-0.381	1.99E-10
<i>NINL</i>	7.58E-12	-0.382	1.84E-10
<i>MPV17L</i>	7.47E-12	-0.382	1.81E-10
<i>ROR1</i>	7.32E-12	-0.382	1.78E-10
<i>KCTD3</i>	5.38E-12	-0.384	1.33E-10
<i>AGO1</i>	4.72E-12	-0.385	1.17E-10
<i>GNAZ</i>	4.60E-12	-0.385	1.14E-10
<i>TRIM45</i>	4.57E-12	-0.386	1.13E-10
<i>MAOA</i>	3.74E-12	-0.387	9.33E-11
<i>SNTA1</i>	3.34E-12	-0.388	8.40E-11
<i>ZNF514</i>	2.91E-12	-0.389	7.38E-11
<i>INPP5A</i>	2.89E-12	-0.389	7.33E-11
<i>NUDT3</i>	2.81E-12	-0.389	7.13E-11
<i>ARHGEF37</i>	2.76E-12	-0.389	7.02E-11
<i>LRRN1</i>	2.66E-12	-0.389	6.79E-11
<i>ZNF827</i>	2.66E-12	-0.389	6.78E-11
<i>RGN</i>	2.55E-12	-0.390	6.51E-11
<i>ACVR2A</i>	2.46E-12	-0.390	6.30E-11
<i>SH3BGRL2</i>	2.13E-12	-0.391	5.51E-11
<i>IHH</i>	1.95E-12	-0.392	5.06E-11
<i>PCYOX1</i>	1.79E-12	-0.392	4.66E-11
<i>FLJ37453</i>	1.74E-12	-0.392	4.52E-11
<i>COL9A1</i>	1.70E-12	-0.393	4.42E-11
<i>ZSCAN31</i>	1.60E-12	-0.393	4.19E-11
<i>CRIP1</i>	1.57E-12	-0.393	4.12E-11
<i>ENAH</i>	1.05E-12	-0.396	2.80E-11
<i>SLC43A1</i>	8.36E-13	-0.398	2.25E-11
<i>SLC35E2B</i>	8.31E-13	-0.398	2.24E-11
<i>SLC35E2</i>	8.31E-13	-0.398	2.23E-11
<i>KALRN</i>	8.17E-13	-0.398	2.20E-11

<i>CLOCK</i>	7.93E-13	-0.398	2.14E-11
<i>HMGCS2</i>	7.79E-13	-0.398	2.11E-11
<i>SPIN3</i>	7.45E-13	-0.398	2.02E-11
<i>NAV2</i>	7.38E-13	-0.398	2.00E-11
<i>ARHGFB26</i>	7.28E-13	-0.399	1.98E-11
<i>ZNF703</i>	6.32E-13	-0.400	1.73E-11
<i>LINC00849</i>	5.89E-13	-0.400	1.61E-11
<i>FAM171A1</i>	5.75E-13	-0.400	1.58E-11
<i>SERTAD4</i>	5.09E-13	-0.401	1.41E-11
<i>ARMCX4</i>	4.68E-13	-0.402	1.30E-11
<i>GATA6-AS1</i>	4.58E-13	-0.402	1.27E-11
<i>BTBD3</i>	3.61E-13	-0.403	1.02E-11
<i>ADGRA3</i>	3.57E-13	-0.403	1.01E-11
<i>RPL22</i>	3.07E-13	-0.405	8.69E-12
<i>TEF</i>	3.01E-13	-0.405	8.55E-12
<i>KLF15</i>	1.73E-13	-0.408	5.02E-12
<i>LRP4</i>	1.71E-13	-0.408	4.95E-12
<i>BCL9</i>	1.35E-13	-0.410	3.94E-12
<i>TMEM117</i>	1.22E-13	-0.411	3.58E-12
<i>C1orf21</i>	1.18E-13	-0.411	3.45E-12
<i>CKB</i>	1.16E-13	-0.411	3.39E-12
<i>FMO5</i>	7.09E-14	-0.414	2.13E-12
<i>TSPY26P</i>	4.50E-14	-0.417	1.37E-12
<i>GNG12</i>	4.23E-14	-0.418	1.29E-12
<i>OSER1-AS1</i>	3.53E-14	-0.419	1.08E-12
<i>SUV420H1</i>	1.54E-14	-0.424	4.85E-13
<i>AS3MT</i>	1.22E-14	-0.426	3.89E-13
<i>PBX1</i>	9.15E-15	-0.428	2.95E-13
<i>DIP2C</i>	5.31E-15	-0.431	1.75E-13
<i>TCEA3</i>	4.52E-15	-0.432	1.50E-13
<i>PARD3</i>	4.08E-15	-0.433	1.36E-13
<i>SCMH1</i>	3.34E-15	-0.434	1.12E-13
<i>COA3</i>	2.66E-15	-0.435	9.02E-14
<i>GSTA4</i>	1.95E-15	-0.437	6.69E-14
<i>ACACB</i>	1.82E-15	-0.438	6.24E-14
<i>CDC42BPA</i>	7.82E-16	-0.443	2.78E-14
<i>ZHX3</i>	3.96E-16	-0.447	1.43E-14
<i>FARPI</i>	2.86E-16	-0.449	1.05E-14
<i>REEPI</i>	2.64E-16	-0.449	9.71E-15
<i>PRKAB2</i>	1.93E-16	-0.451	7.14E-15
<i>COL4A5</i>	1.71E-16	-0.452	6.39E-15
<i>FAM134B</i>	1.04E-16	-0.455	3.92E-15
<i>KLHL36</i>	6.33E-17	-0.458	2.44E-15
<i>MAP4K3</i>	1.39E-17	-0.466	5.57E-16
<i>ATP9A</i>	1.38E-17	-0.466	5.55E-16
<i>SLC41A3</i>	6.36E-18	-0.470	2.60E-16
<i>VAPB</i>	3.00E-18	-0.474	1.27E-16
<i>AMIGO1</i>	2.98E-18	-0.475	1.26E-16
<i>SOWAHA</i>	4.80E-19	-0.484	2.16E-17
<i>SORBS2</i>	1.04E-19	-0.492	4.88E-18
<i>SPHAR</i>	1.84E-20	-0.501	9.09E-19
<i>RAB4A</i>	1.84E-20	-0.501	9.09E-19
<i>ZNF704</i>	1.40E-20	-0.502	6.95E-19
<i>MTURN</i>	4.03E-23	-0.530	2.39E-21