Supplementary

Table S1 Significance analysis list

Accession	Name	Ratio (Aa/D)	P value	Ratio (Ba/D)	P value	Ratio (Ca/D)	P value	Ratio (Aa/Ab)	P value	Ratio (Ba/Bb)	P value	Ratio (Ca/Cb)	P value
sp|P06396|GELS_HUMAN	Gelsolin OS=Homo sapiens GN=GSN PE=1 SV=1	3.500	0.006	3.767	0.021	2.512	0.021	1.722	0.057	2.128	0.038	1.888	0.081
sp|P02675|FIBB_HUMAN	Fibrinogen beta chain OS=Homo sapiens GN=FGB PE=1 SV=2	0.164	0.001	0.134	0.000	0.149	0.000	0.432	0.020	0.377	0.000	0.166	0.001
sp|P02671|FIBA_HUMAN	Fibrinogen alpha chain OS=Homo sapiens GN=FGA PE=1 SV=2	0.211	0.005	0.294	0.030	0.127	0.000	0.515	0.065	0.824	0.505	0.157	0.001
tr|C9JEU5|C9JEU5_HUMAN	Fibrinogen gamma chain OS=Homo sapiens GN=FGG PE=4 SV=1	0.117	0.000	0.117	0.000	0.153	0.000	0.242	0.000	0.316	0.000	0.166	0.001
sp|P51884|LUM_HUMAN	Lumican OS=Homo sapiens GN=LUM PE=1 SV=2	4.656	0.001	4.656	0.008	3.133	0.004	2.188	0.006	2.208	0.030	2.421	0.015
sp|P08254|MMP3_HUMAN	Stromelysin-1 OS=Homo sapiens GN=MMP3 PE=1 SV=2	0.205	0.004	0.283	0.026	0.266	0.007	0.685	0.293	0.377	0.000	0.384	0.080
sp|P05543|THBG_HUMAN	Thyroxine-binding globulin OS=Homo sapiens GN=SERPINA7 PE=1 SV=2	2.884	0.020	2.729	0.081	3.020	0.006	1.330	0.317	0.637	0.110	2.249	0.026
tr|B2MV13|B2MV13_HUMAN	Lactoferrin OS=Homo sapiens GN=LTF PE=4 SV=1	0.191	0.003	0.179	0.002	0.281	0.010	0.384	0.008	0.847	0.570	0.137	0.000
tr|B2R4M6|B2R4M6_HUMAN	cDNA, FLJ92148, highly similar to Homo sapiens S100 calcium binding protein A9 (calgranulin B) (S100A9), mRNA OS=Homo sapiens PE=4 SV=1	0.141	0.000	0.125	0.000	0.159	0.000	0.283	0.000	1.086	0.803	0.138	0.000
sp|P02743|SAMP_HUMAN	Serum amyloid P-component OS=Homo sapiens GN=APCS PE=1 SV=2	0.299	0.030	0.213	0.006	0.166	0.000	0.534	0.081	0.316	0.000	0.387	0.083
sp|Q15063|POSTN_HUMAN	Periostin OS=Homo sapiens GN=POSTN PE=1 SV=2	0.581	0.334	1.754	0.325	3.698	0.001	0.488	0.046	0.711	0.230	3.076	0.002
tr|D9YZU5|D9YZU5_HUMAN	Hemoglobin, beta OS=Homo sapiens GN=HBB PE=3 SV=1	1.644	0.271	15.417	0.000	1.180	0.693	0.597	0.151	18.880	0.000	1.738	0.130
sp|P05164|PERM_HUMAN	Myeloperoxidase OS=Homo sapiens GN=MPO PE=1 SV=1	0.191	0.003	0.319	0.044	0.417	0.075	0.302	0.001	1.600	0.193	0.310	0.033
sp|P02652|APOA2_HUMAN	Apolipoprotein A-II OS=Homo sapiens GN=APOA2 PE=1 SV=1	0.225	0.007	0.437	0.145	0.254	0.005	0.545	0.091	0.449	0.004	0.718	0.537
sp|P35443|TSP4_HUMAN	Thrombospondin-4 OS=Homo sapiens GN=THBS4 PE=1 SV=2	3.981	0.003	4.246	0.012	2.858	0.009	2.208	0.006	2.032	0.051	2.704	0.006
sp|P07737|PROF1_HUMAN	Profilin-1 OS=Homo sapiens GN=PFN1 PE=1 SV=2	0.223	0.007	0.200	0.004	0.334	0.026	0.619	0.183	2.312	0.021	0.268	0.016
sp|P02741|CRP_HUMAN	C-reactive protein OS=Homo sapiens GN=CRP PE=1 SV=1	0.196	0.003	0.102	0.000	0.136	0.000	0.667	0.259	0.773	0.369	0.119	0.000
sp|P05109|S10A8_HUMAN	Protein S100-A8 OS=Homo sapiens GN=S100A8 PE=1 SV=1	0.054	0.000	0.103	0.000	0.044	0.000	0.153	0.000	1.705	0.141	0.047	0.000
tr|E9PHK0|E9PHK0_HUMAN	Tetranectin OS=Homo sapiens GN=CLEC3B PE=4 SV=1	3.467	0.007	3.251	0.041	2.754	0.011	2.655	0.001	1.282	0.484	1.585	0.209
tr|Q53EM5|Q53EM5_HUMAN	Transketolase variant (Fragment) OS=Homo sapiens PE=2 SV=1	0.207	0.005	0.174	0.002	0.256	0.006	0.337	0.002	2.014	0.054	0.194	0.003
tr|Q0VAS5|Q0VAS5_HUMAN	Histone H4 OS=Homo sapiens GN=HIST1H4H PE=2 SV=1	0.035	0.000	0.052	0.000	0.089	0.000	0.104	0.000	0.847	0.570	0.125	0.000
sp|P01034|CYTC_HUMAN	Cystatin-C OS=Homo sapiens GN=CST3 PE=1 SV=1	2.965	0.017	1.995	0.228	3.048	0.005	1.614	0.093	1.047	0.881	1.380	0.383
tr|Q0D2M2|Q0D2M2_HUMAN	HIST1H2BC protein OS=Homo sapiens GN=HIST1H2BC PE=2 SV=1	0.088	0.000	0.305	0.036	1.097	0.834	0.149	0.000	1.087	0.802	1.107	0.798
tr|Q6U2E9|Q6U2E9_HUMAN	C4B1 OS=Homo sapiens GN=C4B PE=4 SV=1	0.614	0.386	0.565	0.317	0.233	0.003	1.047	0.872	0.597	0.067	0.363	0.064
tr|Q08AJ9|Q08AJ9_HUMAN	Histone H2A OS=Homo sapiens GN=HIST1H2AB PE=2 SV=1	0.177	0.002	0.107	0.000	0.078	0.000	0.409	0.013	0.759	0.334	0.131	0.000
tr|K7ERI9|K7ERI9_HUMAN	Truncated apolipoprotein C-I (Fragment) OS=Homo sapiens GN=APOC1 PE=4 SV=1	0.256	0.014	0.191	0.003	0.325	0.023	0.560	0.106	0.283	0.000	0.679	0.474
tr|Q5VVQ8|Q5VVQ8_HUMAN	Complement component 4 binding protein, alpha OS=Homo sapiens GN=C4BPA PE=2 SV=1	0.187	0.003	0.048	0.000	0.203	0.001	0.256	0.000	0.052	0.000	0.142	0.000
tr|Q9BX83|Q9BX83_HUMAN	Hemoglobin alpha 1 globin chain (Fragment) OS=Homo sapiens GN=HBA1 PE=2 SV=1	5.200	0.000	11.066	0.000	1.837	0.131	2.355	0.003	3.133	0.002	0.501	0.205
tr|B2R672|B2R672_HUMAN	Extracellular link domain-containing 1 OS=Homo sapiens GN=XLKD1 PE=2 SV=1	4.055	0.002	3.342	0.036	2.729	0.012	1.600	0.100	1.923	0.072	1.600	0.200
sp|P02750|A2GL_HUMAN	Leucine-rich alpha-2-glycoprotein OS=Homo sapiens GN=LRG1 PE=1 SV=2	3.733	0.004	3.500	0.030	1.294	0.530	3.281	0.000	0.895	0.714	0.233	0.008
tr|B2R582|B2R582_HUMAN	cDNA, FLJ92374, highly similar to Homo sapiens C-type lectin domain family 3, member B (CLEC3B), mRNA OS=Homo sapiens PE=2 SV=1	2.421	0.052	2.249	0.158	4.131	0.000	0.619	0.183	1.057	0.861	4.405	0.000
tr|A5GZ70|A5GZ70_HUMAN	Matrix metalloproteinase 3 (Fragment) OS=Homo sapiens GN=MMP3 PE=2 SV=1	0.433	0.134	0.366	0.077	0.236	0.003	0.780	0.489	0.461	0.006	0.347	0.053